

UNIVERSIDADE DA REGIÃO DE JOINVILLE – UNIVILLE
PRÓ-REITORIA DE PESQUISA E PÓS-GRADUAÇÃO - PRPPG
PROGRAMA DE PÓS-GRADUAÇÃO EM SAÚDE E MEIO AMBIENTE
MESTRADO EM SAÚDE E MEIO AMBIENTE

**RESISTÊNCIA ANTIMICROBIANA EM ISOLADOS DE ANIMAIS DE
COMPANHIA: UMA ABORDAGEM CIENCIOMÉTRICA**
**ANTIMICROBIAL RESISTANCE IN ISOLATES FROM COMPANION ANIMALS: A
SCIENTOMETRIC APPROACH**
**RESISTENCIA A LOS ANTIMICROBIANOS EN AISLADOS DE ANIMALES DE
COMPAÑÍA: UN ENFOQUE CIENTIOMÉTRICO**

DAIANE DALMARCO

ORIENTADORA: PROF.DRA. ANDRÉA LIMA DOS SANTOS SCHNEIDER

COORIENTADOR: PROF. DR. PAULO HENRIQUE CONDEIXA DE FRANÇA

JOINVILLE-SC

2025

DAIANE DALMARCO

**RESISTÊNCIA ANTIMICROBIANA EM ISOLADOS DE ANIMAIS DE
COMPANHIA: UMA ABORDAGEM CIENCIOMÉTRICA**

**ANTIMICROBIAL RESISTANCE IN ISOLATES FROM COMPANION ANIMALS : A
SCIENTOMETRIC APPROACH**

**RESISTENCIA A LOS ANTIMICROBIANOS EN AISLADOS DE ANIMALES DE
COMPAÑÍA: UN ENFOQUE CIENTIOMÉTRICO**

Dissertação apresentada como requisito parcial para obtenção do título de Mestre em Saúde e Meio Ambiente na Universidade da Região de Joinville.

Orientadora: Prof. Dra. Andréa Lima dos Santos Schneider.

Coorientador: Prof. Dr. Paulo Henrique Condeixa de França.

JOINVILLE-SC

2025

Catálogo na publicação pela Biblioteca Universitária da Univille

D148r Dalmarco, Daiane
Resistência antimicrobiana em isolados de animais de companhia: uma abordagem cienciométrica / Daiane Dalmarco; orientadora Dra. Andréa Lima dos Santos Schneider; coorientador Dr. Paulo Henrique Condeixa de França. – Joinville: UNIVILLE, 2025.

185 f.: il.

Dissertação (Mestrado em Saúde e Meio Ambiente – Universidade da Região de Joinville)

1. Animais de estimação. 2. Agentes antiinfeciosos. 3. Estafilococos. 4. Cienciométrica. I. Schneider, Andréa Lima dos Santos (orient.). II. França, Paulo Henrique Condeixa de (coorient.) III. Título.

CDD 615.329

Termo de Aprovação

“Resistência Antimicrobiana em Isolados de Animais de Companhia: Uma Abordagem Cienciométrica”

por

Daiane Dalmarco

Banca Examinadora:

Profa. Dra. Andréa Lima dos Santos Schneider
Orientadora (UNIVILLE)

Prof. Dr. Paulo Henrique Condeixa de França
Coorientador (UNIVILLE)

Profa. Dra. Eleine Kuroki Anzai
(FURB)

Profa. Dra. Vanessa Cristine Kobs
(UNIVILLE)

Dissertação julgada para a obtenção do título de Mestra em Saúde e Meio Ambiente, área de concentração Saúde e Meio Ambiente e aprovada em sua forma final pelo Programa de Pós-Graduação em Saúde e Meio Ambiente.



Profa. Dra. Andréa Lima dos Santos Schneider
Orientadora (UNIVILLE)



Prof. Dr. Luciano Lorenzi
Coordenador do Programa de Pós-Graduação em Saúde e Meio Ambiente

Joinville, 27 de fevereiro de 2025

AGRADECIMENTOS

Nesses anos dedicados aos estudos, de grande esforço e dedicação, gostaria de agradecer as pessoas que me acompanharam durante essa jornada e que foram fundamentais para a realização dessa conquista.

Expresso aqui, minha gratidão à minha família, primordialmente aos meus pais, Naldir e Marli que me deram suporte durante todo esse trajeto, abdicando de seus próprios interesses para tornar esse sonho possível.

Meu agradecimento especial à minha orientadora Dr^a Andréa Lima dos Santos Schneider que deu toda a atenção e apoio necessário para o desenvolvimento dessa pesquisa e meu coorientador Dr^o Paulo Henrique Condeixa de França pelos direcionamentos que foram primordiais para o progresso deste trabalho.

Meus agradecimentos aos membros da banca de qualificação e defesa pelas certas orientações que culminaram no aperfeiçoamento desta dissertação, especialmente a Dr^a Vanessa Cristine Kobs, uma referência de exímia profissional farmacêutica e pesquisadora.

Agradeço imensamente a UNIVILLE, que me proporcionou todo o suporte durante esses anos de estudos e a concretização dessa pesquisa.

Ademais, os amigos que cultivei durante essa caminhada.

RESUMO

A proximidade entre humanos e animais de estimação facilita a disseminação de bactérias multirresistentes potencialmente causadoras de zoonoses (VAN DEN BUNT et al., 2018; WADA et al., 2021).

As bactérias comumente transmitidas de animais de companhia para humanos incluem *Staphylococcus aureus* resistente à meticilina (MRSA), *Staphylococcus pseudintermedius* resistente à meticilina (MRSP), *Enterobacteriaceae* produtoras de ESBL/AmpC e bactérias Gram-negativas não fermentadoras (JIN et al., 2023).

Com a Cienciometria, metodologia aplicada neste estudo a partir do levantamento científico nos permite descrever a estrutura intelectual e social do campo de estudos, as lacunas de conhecimento, além de prever tendências de pesquisa.

Neste estudo, *Staphylococcus pseudintermedius* se mostrou como temática emergente no campo de estudo, especialmente detecção de novos clones multirresistentes, logo, uma temática em expansão no campo de estudos envolvendo a resistência antimicrobiana em animais de companhia.

Palavras-chave: Resistência antimicrobiana; Animais de companhia; *Staphylococcus pseudintermedius*; Cienciometria.

ABSTRACT

The proximity between humans and pets facilitates the spread of multi-resistant bacteria that potentially cause zoonoses (VAN DEN BUNT et al., 2018; WADA et al., 2021).

Bacteria commonly transmitted from companion animals to humans include methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* (MRSA), methicillin-resistant *Staphylococcus pseudintermedius* (MRSP), ESBL/AmpC-producing *Enterobacteriaceae*, and non-fermenting Gram-negative bacteria (JIN et al., 2023) .

With Scientometrics, the methodology applied in this study based on a scientific survey, allows us to describe the intellectual and social structure of the field of studies, the gaps in knowledge, in addition to predicting research trends.

In this study, *Staphylococcus pseudintermedius* proved to be an emerging theme in the field of study, especially the detection of new multidrug-resistant clones, therefore, an expanding theme in the field of studies involving antimicrobial resistance in companion animals.

Keywords: Antimicrobial resistance; Companion animals; *Staphylococcus pseudintermedius*; Scientometrics.

RESUMEN

La proximidad entre humanos y mascotas facilita la propagación de bacterias multirresistentes que potencialmente causan zoonosis (VAN DEN BUNT et al., 2018; WADA et al., 2021).

Las bacterias comúnmente transmitidas de animales de compañía a humanos incluyen *Staphylococcus aureus* resistente a la meticilina (MRSA), *Staphylococcus pseudintermedius* resistente a la meticilina (MRSP), enterobacterias productoras de BLEE/AmpC y bacterias gramnegativas no fermentadoras (JIN et al., 2023).

Con la Cienciometría, la metodología aplicada en este estudio basada en una encuesta científica, permite describir la estructura intelectual y social del campo de estudios, los vacíos en el conocimiento, además de predecir tendencias de investigación.

En este estudio, *Staphylococcus pseudintermedius* demostró ser un tema emergente en el campo de estudio, especialmente en la detección de nuevos clones multirresistentes, por lo tanto, un tema en expansión en el campo de estudios que involucran resistencia a los antimicrobianos en animales de compañía.

Palabras clave: Resistencia a los antimicrobianos; Animales de compañía; *Staphylococcus pseudintermedius*; Cienciometría.

LISTA DE TABELAS

Tabela 1 - Informações principais extraídas do conjunto de artigos científicos

Tabela 2 – 10 (dez) artigos com maior número de citações globais.

Tabela 3 – Artigos da coleção abordando *S. pseudintermedius*.

LISTA DE FIGURAS

- Figura 1. Fluxograma PRISMA 2020 adaptado para trabalhos cienciométricos.
- Figura 2. Fluxograma do processo de mapeamento científico usando Biblioshiny.
- Figura 3. Produção científica anual.
- Figura 4. Mapa de produção científica por país.
- Figura 5. Mapa de colaboração entre países.
- Figura 6. Tópicos de tendência na área de pesquisa.
- Figura 7. Mapa temático da área de pesquisa.

LISTA DE ABREVIATURAS E SIGLAS

- ABINPET Associação Brasileira da Indústria de Produtos para Animais de Estimação Animal
- CAPES Coordenação de Aperfeiçoamento de Pessoal de Nível Superior
- CDC Centers for Disease Control and Prevention / Centro de Controle e Prevenção de Doenças
- DNA Deoxyribonucleic acid / Ácido desoxirribonucleico
- ESBL Extended-spectrum β -Lactamase / β -lactamase de Espectro Estendido
- EUA Estados Unidos da América
- FAO Food and Agriculture Organization / Organização das Nações Unidas para Alimentação e Agricultura
- FDA The Food and Drug Administration
- IBGE Instituto Brasileiro de Geografia e Estatística
- ISI Institut for Scientific Information / Instituto de informação científica
- KPC *Klebsiella pneumoniae* carbapenemase
- MDR Resistente a múltiplas drogas
- MRS *Staphylococcus* resistentes a meticilina
- MRSA *Staphylococcus aureus* resistente à meticilina
- MRSP *Staphylococcus pseudintermedius* resistente à meticilina
- MLST Multilocus sequence typing / Tipagem de sequência Multilocus
- OIE World Organization for Animal Health / Organização Mundial da Saúde
- OMS World Health Organization / Organização Mundial da Saúde
- PBP Proteína ligadora de penicilina
- PNS Pesquisa Nacional de Saúde
- PRISMA Principais itens para relatar Revisões sistemáticas e Meta-análises
- SCN *Staphylococcus* coagulase negativa

SCP *Staphylococcus* coagulase positiva

UNVILLE Universidade da Região de Joinville

VRE *Enterococcus* spp. Resistente à Vancomicina

WoS *Web of Science*

SUMÁRIO

1. INTRODUÇÃO	14
2. OBJETIVOS	16
2.1. OBJETIVO GERAL	16
2.2. OBJETIVOS ESPECÍFICOS	16
3. REVISÃO DA LITERATURA	17
3.1. RESISTÊNCIA AOS ANTIMICROBIANOS NO CONTEXTO <i>ONE HEALTH</i>	17
3.2. RELAÇÃO SAÚDE-HUMANO-ANIMAL	19
3.3. PATÓGENOS “ESKAPE”	19
3.3.1. <i>Staphylococcus</i> Resistente a Meticilina (Oxacilina) - MRS	20
3.4. CIENCIOMETRIA	26
3.5. INTERDISCIPLINARIDADE	28
4. METODOLOGIA	29
4.1. LEVANTAMENTO E SELEÇÃO DE DADOS	29
4.2. ABORDAGEM CIENCIOMÉTRICA	31
5. RESULTADOS E DISCUSSÃO	34
5.1. ANÁLISES CIENCIOMÉTRICAS	34
5.2. ARTIGOS SOBRE <i>STAPHYLOCOCCUS PSEUDINTERMEDIUS</i>	44
6. CONCLUSÃO	56
REFERÊNCIAS	57
ANEXOS	71

1. INTRODUÇÃO

A resistência bacteriana aos antimicrobianos é um dos problemas de saúde pública mais desafiadores, tanto para a saúde humana quanto para veterinária, uma vez que apresenta consequências preocupantes em termos clínicos e econômicos a nível mundial, considerada uma pandemia silenciosa que necessita de intervenção urgente (ABUSHAHEEN et al., 2020; SALAM et al., 2023).

O contato próximo entre humanos e animais de estimação facilita a disseminação de bactérias multirresistentes, dentre elas as bactérias Gram-positivas, essas isoladas em ambientes veterinários e também ambientais (BHAT, 2021; JIN et al., 2023; VAN DEN BUNT et al., 2018; WADA et al., 2021).

Essa relação próxima leva a uma maior atenção e cuidado à saúde e ao bem-estar do animal de estimação e, com isso, o acesso a tratamentos, dentre esses que envolvem a utilização de antimicrobianos (DAMBORG et al., 2016; JIN et al., 2023). Porém, animais de estimação sob tratamento com antimicrobianos favorecem fortemente a ocorrência e disseminação de bactérias multirresistentes (BHAT, 2021), semelhante ao que acontece na clínica humana (MARCHETTI et al., 2021). Sendo assim, favorece o compartilhamento frequente da microbiota entre as pessoas e seus animais, pela transmissão direta (ferimentos e lambidas) ou indireto por meio de contaminação de ambientes domésticos e domiciliares (JIN et al., 2023; MARCHETTI et al., 2021). Isto é particularmente preocupante para antimicrobianos também utilizados na medicina humana, aqueles conhecidos como tratamentos de “último recurso” para infecções potencialmente fatais (HOFFMANN et al., 2018).

As bactérias resistentes aos antimicrobianos mais comuns que podem ser transmitidas de animais de estimação para humanos incluem *Staphylococcus aureus* resistente à meticilina (MRSA), *Staphylococcus pseudintermedius* resistente à meticilina (MRSP), *Enterobacteriaceae* produtoras de ESBL/AmpC e bactérias Gram-negativas não fermentadoras e ainda os animais de estimação também podem servir como reservatório para as bactérias patogênicas humanas, como MRSA e MRSP, *Enterococcus* resistentes à vancomicina (VRE) e *Salmonella typhimurium* (JIN et al., 2023).

Nos últimos anos, *Staphylococcus pseudintermedius*, uma espécie que antes era considerada comensal em animais, também foi isolada de materiais clínicos

humanos e em fontes ambientais, surgindo relatos sobre aumento do perfil de resistência aos antimicrobianos e surgimento de novas cepas multirresistentes potencialmente patogênicas para animais e humanos (GLAJZNER; SZEWCZYK; SZEMRAJ, 2022).

Alguns dados indicam que o uso de antimicrobianos para fins terapêuticos e de incentivo à produtividade em várias espécies animais contribui para o incremento da resistência antibiótica entre patógenos de animais e de humanos, mas há escassez de informações quanto a fármacos e classes de medicamentos específicos que produzem maior risco (SENCZYNA et al., 2018). Com base no conceito *One Health* (Saúde Única), a integralidade das saúdes humana, animal e ambiental são vitais para o controle dessas zoonoses (CUNNINGHAM; DASZAK; WOOD, 2017).

Visto a crescente ameaça à saúde humana causada por bactérias multirresistentes associadas aos animais e ao meio ambiente, nota-se a importância iminente de se investigar o campo de estudos, com isso, a cienciometria tem sido usada para descrever as tendências atuais de conhecimento em vários campos da ciência, logo, o presente estudo investiga a atual conjuntura e as tendências de pesquisas envolvendo resistência antimicrobiana em animais de companhia a partir de levantamento científicos em base de dados, com o intuito de apontar lacunas de conhecimento, subsidiando propostas de trabalhos futuros e elucidando o campo atual.

2. OBJETIVOS

2.1. OBJETIVO GERAL

Determinar a métrica dos estudos envolvendo resistência antimicrobiana em bactérias isoladas de animais de companhia.

2.2. OBJETIVOS ESPECÍFICOS

- Mapear a produção recente de artigos quanto à resistência antimicrobiana em animais de companhia, especialmente cães e gatos;
- Indicar os países que se interessam pelo tema e a cooperação internacional;
- Mensurar o impacto científico da produção na área;
- Avaliar os tópicos atuais na área de pesquisa;
- Analisar a temática emergente quanto a *Staphylococcus pseudintermedius*.

3. REVISÃO DA LITERATURA

3.1. RESISTÊNCIA AOS ANTIMICROBIANOS NO CONTEXTO *ONE HEALTH*

Os antimicrobianos são uma classe de drogas essenciais para a prevenção e tratamento de infecções bacterianas. Após a descoberta acidental da penicilina por Alexander Fleming em 1928 vem-se desenvolvendo novos antimicrobianos, impulsionado principalmente pelo aumento de resistência dos micro-organismos patogênicos a essas drogas, em particular as bactérias multirresistentes (MDR) (CHAÏBI et al., 2023; KIM; CHA, 2021; PULINGAM et al., 2022; SPAGNOLO; TRUJILLO; DENNEHY, 2021).

A resistência aos antimicrobianos é considerada por órgãos reguladores, econômicos e políticos um dos principais desafios do século XXI. A nível global 700 mil pessoas morrem ao ano devido às bactérias resistentes aos antimicrobianos e para 2050 prevê-se 10 milhões de óbitos, superando as mortes atribuídas ao câncer, hoje considerada a maior causa de morte no mundo (8,2 milhões de óbitos/ano) (MANCUSO et al., 2021; SALAM et al., 2023; TANG; MILLAR; MOORE, 2023).

A resistência aos antimicrobianos ocorre quando o microrganismo é capaz de neutralizar a ação do antimicrobiano, seja por modificações no sítio-alvo de ligação ou destruição da molécula do antimicrobiano (NADEEM et al., 2020). Apesar dos muitos mecanismos de resistência, a inibição enzimática de moléculas de antimicrobianos, principalmente por β -lactamases, enzimas que destroem a ligação amida do anel β -lactâmico dos antimicrobianos tornando o agente ineficaz (BUSH; BRADFORD, 2020).

Devido a esse aumento exponencial da resistência aos antimicrobianos, em 2014, foi publicado um relatório da Organização Mundial da Saúde (WHO) em colaboração com Organização das Nações Unidas para a Alimentação e a Agricultura (FAO) e Organização Mundial da Saúde Animal (OIE), destacando a necessidade de uma estratégia de saúde ao enfrentamento à resistência microbiana. Esta aliança tripartite fortaleceu a coordenação mundial e encorajou a colaboração multidisciplinar entre instituições públicas de saúde animal em combinação com a segurança alimentar (ASLAM et al., 2021).

Logo após, em 2016, o relatório de Jim O'Neill para a agenda internacional das cúpulas G7 e G20, sugeriu que o problema da resistência a antimicrobianos deveria ser resolvido através da abordagem *One Health*. Essa que trata da implementação de políticas e programas, em que múltiplos setores da sociedade se comunicam e atuam juntos para alcançar melhores resultados em saúde pública, portanto envolve o esforço colaborativo de vários entes, objetivando a saúde ideal para as pessoas, animais e o meio ambiente a nível local, nacional e global (COLLIGNON; MCEWEN, 2019).

Zoonoses são doenças infecciosas (bacterianas, virais, parasitárias e fúngicas) transmitidas de animais para humanos. Mundialmente, as zoonoses bacterianas são responsáveis por 2,5 bilhões de casos de doenças e 2,7 milhões de mortes a cada ano e estima-se que seis em cada dez doenças infecciosas em humanos podem ter origem zoonótica e até 75% das novas etiologias infecciosas emergentes são de origem zoonótica (CDC, 2020).

A pandemia de COVID-19 é de origem zoonótica, causada por um coronavírus que se acredita ter se originado de morcegos e transmitido aos humanos por meio de um intermediário animal (BLONDEAU et al., 2023).

Logo, a conectividade dos habitats ambiente-humano-animal, a relação próxima com animais de estimação e o uso irracional de antimicrobianos, fomenta a disseminação de genes de resistência bacteriana (AHMAD; JOJI; SHAHID, 2023; VAN HERWIJNEN et al., 2018). Considerando ainda que as classes de antimicrobianos prescritas para humanos são utilizados também em animais e plantas, incluindo os beta-lactâmicos (penicilinas, cefalosporinas, carbapenêmicos, entre outros), quinolonas (ciprofloxacino, levofloxacino, entre outros) e a tetraciclina e estreptomicina usados para controle de infecção em frutas (VELAZQUEZ-MEZA et al., 2022).

Esses genes de resistência a antimicrobianos circulam em vários nichos, sedimentos, fontes de água, solo e resíduos dos setores animal e vegetal e estão ligados às atividades humanas, sendo o solo um dos meios reservatórios dos genes de resistência a antimicrobianos, através de resíduos veterinários e da pecuária (AHMAD; JOJI; SHAHID, 2023; WAŚKO et al., 2022).

3.2. RELAÇÃO SAÚDE-HUMANO-ANIMAL

Segundo a Pesquisa Nacional de Saúde (PNS) de 2019, divulgada pelo Instituto Brasileiro de Geografia e Estatística (IBGE), estima-se que a população de cães e gatos em domicílios brasileiros situa-se em torno de 55,1 e 24,7 milhões, respectivamente, o que representam quase 48 milhões de residências brasileiras abrigando cães e gatos, sendo 46,1% desses domicílios com pelo menos um cão e 19,3%, ao menos, um gato (ABINPET, 2020; IBGE, 2019).

As relações entre humanos e animais de estimação/companhia vem se tornando mais estreitas, onde os animais são expostos a ambientes fechados, em contato físico muito próximo com seus tutores, facilitando a disseminação de bactérias resistentes, que podem ser compartilhadas direta ou indiretamente pelo ambiente, portanto os animais de companhia podem ser fontes potenciais de patógenos, incluindo aqueles comumente considerados nosocomiais, que podem se espalhar para os humanos (DALTON et al., 2020; OVERGAAUW et al., 2020).

3.3. PATÓGENOS “ESKAPE”

Em décadas anteriores, infecções podiam ser facilmente tratadas com várias classes diferentes de antimicrobianos, mas em consequência da resistência adquirida aos antimicrobianos, tem-se uma redução das opções terapêuticas e maior chances de agravos aos pacientes, além dos custos ao sistema de saúde (HERNANDO-AMADO et al., 2019).

Desde a década de 1990, houve uma diminuição no desenvolvimento de antimicrobianos inovadores, ainda que sejam mais eficazes contra os patógenos, seus efeitos são breves devido ao uso irracional de antimicrobianos (PULINGAM et al., 2022).

Em 2017, para focar e orientar a pesquisa e o desenvolvimento relacionados a novos antimicrobianos, a OMS publicou uma lista de patógenos para os quais o desenvolvimento de novos antimicrobianos se faz urgentemente necessário (ASOKAN et al., 2019). Os patógenos denominados “ESKAPE” (*Enterococcus faecium*, *Staphylococcus aureus*, *Klebsiella pneumoniae*, *Acinetobacter baumannii*, *Pseudomonas aeruginosa* e espécies de *Enterobacter spp.*) foram designados “status de prioridade” (OLIVEIRA et al., 2020).

O grupo “ESKAPE” são uma gama de bactérias capazes de adquirir altos níveis de resistência, responsáveis por infecções de difícil tratamento ou para as quais não há tratamento disponível, oriundas inicialmente de ambientes hospitalares (MANCUSO et al., 2021; MUNTEAN et al., 2022).

Por meio de mutação genética e aquisição de elementos genéticos móveis, os patógenos desenvolveram mecanismos de resistência contra diversas drogas, como oxazolidinonas, lipopeptídeos, macrólidos, fluoroquinolonas, tetraciclina, β -lactâmicos, combinações de inibidores de β -lactâmico- β -lactamase e antimicrobianos que são a última linha de defesa, incluindo carbapenêmicos, glicopeptídeos e polimixinas (DE OLIVEIRA et al., 2020).

Logo, os principais microrganismos multirresistentes envolvidos tanto em infecções em humanos e animais são: *Staphylococcus* resistentes a metilina (oxacilina) (MRS), VRE, bactérias Gram negativas (*Enterobacterales*, *P. aeruginosa* e *A. baumannii*) produtoras de β -lactamase de espectro estendido (ESBL) e as produtoras de carbapenemases (CDC, 2013).

3.3.1. *Staphylococcus* Resistente a Metilina (Oxacilina) - MRS

Os *Staphylococcus* são cocos esféricos Gram-positivos, em forma de uva, produtores de catalase (ASSONI et al., 2020). São residentes da microbiota normal tanto de seres humanos quanto de animais, mas potencialmente podem causar infecções como impetigo, síndrome da pele escaldada, síndrome do choque tóxico, pneumonia, endocardite, infecções do trato urinário, entre outras, sendo utilizadas como indicadores de resistência aos medicamentos antimicrobianos (ROSSI; PEREIRA; GIAMBIAGI-DEMARVAL, 2020).

O gênero *Staphylococcus* apresenta um diversificado arsenal de fatores de patogenicidade, destacando-se a estafilo-coagulase, proteína que possui ação enzimática e reage com a protrombina, formando um complexo denominado estafilotrombina, que converte o fibrinogênio em fibrina e coagula o plasma (BOND; LOEFFLER, 2012). Dessa maneira, os *Staphylococcus* capazes de produzir a estafilo-coagulase são classificados como *Staphylococcus* coagulase positiva (SCP) e são representados por *S. aureus*, *S. intermedius* e *S. pseudintermedius*. Já os que não a produzem, pertencem aos *Staphylococcus* coagulase negativa (SCN), sendo

seus principais representantes *S. epidermidis*, *S. haemolyticus*, *S. saprophyticus*, *S. capitis* e *S. lugdunensis* (PREDA et al., 2021).

O *S. aureus* é o mais relevante na clínica médica, é o principal agente causador de pneumonia e outras infecções do trato respiratório, sítio cirúrgico, próteses articulares e infecções cardiovasculares, bem como bacteremia nosocomial (CHEUNG; BAE; OTTO, 2021). *S. aureus* coloniza aproximadamente 20-30% dos humanos persistentemente na fossa nasal e frequentemente em outros locais como pele, garganta, axilas, virilha e intestino (HOWDEN et al., 2023), logo, essa colonização, aumenta significativamente as chances de infecções, pois servem como um reservatório do patógeno e na maioria dos casos, os indivíduos acometidos são infectados pela cepa de *S. aureus* previamente colonizada (LAKHUNDI; ZHANG, 2018).

O *S. pseudintermedius* é o patógeno oportunista mais comum em cães, oriundo da microbiota natural da pele e mucosas, sendo o principal agente causador de piodermite em 92% dos casos, infecções urinárias e otite externa (TAMAKAN; GOCMEN, 2022). Está presente em 46 a 92% dos cães saudáveis e em gatos, normalmente não faz parte da microbiota, mas há indicativos de uma frequência de 2,5 a 8,8% (MORAIS et al., 2023).

A meticilina (Celbenin), um antimicrobiano semissintético, pertencente a classe dos β -lactâmicos de segunda geração, foi introduzido no Reino Unido em 1959 para contornar a crescente resistência à penicilina em *S. aureus*, pois sua alteração na estrutura química em relação à penicilina conferia resistência à enzima penicilinase (BOSWIHI; UDO, 2018). Entretanto, em menos de um ano após a meticilina ter sido introduzido na prática clínica, foi descrito, em 1961 na Inglaterra, o primeiro *S. aureus* resistente à meticilina (MRSA) (TURNER et al., 2019). Outros países observaram um aumento exponencial de isolados MRSA, com prevalências variando de baixa (Escandinávia) e alta (partes da América e Ásia) (LEE et al., 2018a).

A maioria dos SCP são patógenos oportunistas e causam infecções a nível dérmico em humanos e animais, sendo conhecidos por adquirir abundantemente genes resistentes, então as opções de tratamento contra essas bactérias são limitadas, tornando as infecções difíceis de tratar, especialmente aquelas causadas por *Staphylococcus aureus* resistente à meticilina (MRSA) e *Staphylococcus pseudintermedius* resistente à meticilina (MRSP) (MARCO-FUERTE et al., 2024).

O *S. pseudintermedius* resistente à meticilina (MRSP) foi descoberto em cães em meados de 2005, estes que desempenham papel importante na transmissão, visto que podem ser facilmente passados aos humanos por meio de contato próximo. As primeiras infecções por MRSP em humanos foram registradas em 2006, há casos de infecção tanto em humanos saudáveis e doentes, especialmente entre veterinários e tutores de animais de estimação (BHOOSHAN; NEGI; KHATRI, 2020).

Os relatórios sobre o surgimento e disseminação crescentes de MRSP em humanos têm aumentado constantemente ao longo dos anos desde seu primeiro caso reportado em 2006 na Bélgica, a detecção de novas cepas de MRSP compromete ainda mais os resultados do tratamento veterinário e humano, pois essas cepas são resistentes aos antimicrobianos beta-lactâmicos normalmente prescritos como primeira linha de tratamento, consoante a isto, a conscientização e vigilância limitadas da transmissão zoonótica de *S. pseudintermedius* subestimaram sua extensão e significância para a saúde pública (MENANDRO et al., 2019; MOSES; SANTOS; GALES, 2023).

A literatura sobre infecções humanas devido a *S. pseudintermedius* traz casos relacionados a infecções de pele e tecidos moles, infecções associadas a dispositivos, especialmente entre pacientes hospitalizados que têm ou tiveram contato prévio com animais de companhia, sendo que em uma série de casos, 13% dos isolados de *S. pseudintermedius* foram associados a feridas oriundas de mordidas de cães, em outro estudo o *S. pseudintermedius* foi identificado como um componente significativo de infecção polimicrobiana em 91% dos casos observados e ainda revelou que 95% dos pacientes observados eram tutores de cães e mantinham contato próximo com seus cães antes das infecções (MOSES; SANTOS; GALES, 2023; ROBERTS et al., 2024).

Ademais, as infecções em humanos são frequentemente subnotificadas devido à identificação imprecisa como *S. aureus*, como ocorreu no primeiro caso em humanos no ano de 2006 que inicialmente foi identificado erroneamente como *S. aureus*, subsequente a série de outros relatos de casos, porém atualmente com o auxílio de técnicas de identificação mais sofisticadas, especialmente espectrometria de massa de ionização por dessorção/laser assistida por matriz-tempo de voo (MALDI-TOF MS) (MOSES; SANTOS; GALES, 2023; SREDNIK et al., 2023).

Até 2023, foram levantados pelo menos 87 relatos de infecção ou colonização humana por *S. pseudintermedius* de 32 países, com maioria nos EUA, somando 16

casos, os anos de 2021 a 2023 contribuem com quase um terço de todos os relatórios, refletindo o crescente reconhecimento de *S. pseudintermedius* como um patógeno humano oportunista, sendo assim, um patógeno zoonótico chave para abordagens *One health* (FÀBREGAS et al., 2023; ROBERTS et al., 2024).

Uma revisão de 2012 estimou que a bacteremia por *S. aureus* tem uma taxa de incidência variando de 20 a 50 casos/100.000 por ano, e 10% a 30% desses pacientes morrerão da infecção, superando o número de mortes causada pela síndrome da imunodeficiência adquirida (AIDS), tuberculose e hepatite viral combinadas (CHEUNG; BAE; OTTO, 2021). Além disso, durante a pandemia de COVID-19, as taxas de bacteremia por *Staphylococcus aureus* resistente à meticilina (MRSA) aumentaram acentuadamente (TABAH; LAUPLAND, 2022).

Uma mudança substancial na epidemiologia ocorreu quando MRSA quando foi detectada em indivíduos sem contato prévio com estabelecimentos de saúde, referido como MRSA associado à comunidade, notadamente entre populações indígenas na Austrália na década de 1980 e em pessoas saudáveis, incluindo crianças, nos EUA na década de 1990 (LEE et al., 2018a).

O mecanismo de resistência à meticilina é atribuído a uma alteração na PBP (PBP-2a), codificada pelo gene *mecA*, que confere uma afinidade reduzida à todas as classes de antimicrobianos beta-lactâmicos, incluindo penicilinas, cefalosporinas e carbapenêmicos, com exceção dos beta-lactâmicos recentemente aprovados, ceftarolina e ceftobiprole (BOSWIHI; UDO, 2018). Além do primeiro gene *mecA*, (três outros genes *mec* (*mecB*, *mecC* e *mecD*) foram identificados como responsáveis pela resistência à meticilina na família *Staphylococcaceae* (TCHAMBA et al., 2021).

Os genes *mecB* e *mecD* foram relatados inicialmente no cromossomo e/ou plasmídeo de *Micrococcus caseolyticus* (anteriormente denominado *Staphylococcus caseolyticus*) (MACFADYEN et al., 2018) e recentemente, o gene *mecB* foi relatado em um plasmídeo de MRSA proveniente de swab nasal de paciente humano (BECKER et al., 2018). O gene *mecC*, assim como o gene *mecA*, foi relatado pela primeira vez em isolados de *S. aureus*, entretanto, não derivado de amostra humana, mas de gado leiteiro (GARCÍA-ÁLVAREZ et al., 2011; LAKHUNDI; ZHANG, 2018).

Os genes *mecA* e *mecC* são transportados por um elemento genético móvel denominado Cassete Cromossômico Estafilocócico *mec* (SCC*mec*), o qual é responsável pela transferência desses genes entre as espécies *Staphylococcus* e, portanto, pela aquisição e disseminação de resistência à meticilina entre *S. aureus* e

estafilococos não *aureus* (MRSNA) (PREEJA; KUMAR; SHETTY, 2021; TCHAMBA et al., 2021).

Os tipos de *SCCmec* diferem entre si pelo número de genes que carregam e pela sua arquitetura gênica, sendo que a prevalência varia de acordo com o hospedeiro e o país de origem do MRSA ou MRSNA (PREEJA; KUMAR; SHETTY, 2021; TCHAMBA et al., 2021). Até o momento, 14 tipos de sequência *SCCmec* já foram relatados em MRSA e alguns deles também em MRSNA (PREEJA; KUMAR; SHETTY, 2021; TCHAMBA et al., 2021). Todos esses *SCCmec* possuem inserido em sua estrutura o gene *mecA*, com exceção do tipo XI, que contém o homólogo *mecC* (LEE et al., 2018a).

A tipagem do cassete *SCCmec* é útil como ferramenta epidemiológica, uma vez que os tipos diferem quanto à prevalência em ambiente hospitalar ou comunitário (BHOWMIK et al., 2021). Os *SCCmec* dos tipos I, II, III estão associados a infecções mais invasivas causadas por MRSA adquiridos em ambientes de saúde (HA-MRSA) e apresentam resistência várias classes de antimicrobianos não β -lactâmicos, como fluoroquinolonas, macrolídeos, aminoglicosídeos, tetraciclina e lincosamidas. Já os tipos IV, V e VI estão associados à MRSA comunitário e não possuem inserido nenhum transposon ou plasmídeo que confira resistência a outras drogas além da meticilina, ou a metais pesados, porém, mostram virulência aumentada e maior expressão de genes que codificam toxinas de *S. aureus*, tais como genes da citotoxina Panton-Valentine leucocidina (necrose tecidual), além de capacidade aprimorada de colonizar vários locais do corpo e maior facilidade de disseminação (LEE et al., 2018a; PREEJA; KUMAR; TCHAMBA et al., 2021).

A disseminação dos tipos de *SCCmec* por várias rotas de transmissão entre hospital-comunidade-meio ambiente e vice-versa constituem um vasto reservatório para propagação de MRS (BHOWMIK et al., 2021; HOEFER et al., 2021).

Vários clones de *S. pseudintermedius* vem sendo descritos mundialmente, a análise molecular demonstra que a população global de MRSP é bastante diversa e vem sendo identificada principalmente em animais, através da técnica molecular de tipagem de sequência multilocus (MLST), os estudos revelam variações entre países em tipos de sequência comuns (STs), incluindo ST71, mais disseminado e predominante na Europa, ST258 também na Europa, ST45/ST112 na Ásia e ST68 na América do Norte (RYNHOUD et al., 2021; MORAIS et al., 2023). O primeiro caso de

MRSP ST71 na América do Sul foi relatado na cidade do Rio de Janeiro, em 2010 (PENNA et al., 2022).

Desde meados dos anos 2000 a disseminação de MRSA tem sido associada à exposição de animais, tendo um potencial para transmissão zoonótica já documentado. O primeiro relato de MRSA provinda de amostra animal ocorreu em 1972 e a partir dos anos 2000, começou a ser relatado não apenas em gado, mas também em animais de companhia, cavalos e alguns animais selvagens (HOEFER et al., 2021; LEE et al., 2018b).

Tanto os animais quanto os seus tutores podem ser colonizados por *S. aureus* como efeito da interação cotidiana indireta entre si, bem como do contato com superfícies contaminadas dentro da casa, visto que estudos demonstraram que as narinas, a boca e o períneo de cães e gatos são os principais locais de colonização (KASELA et al., 2023).

Loeffler et al. (2013) compararam MRSA isolados de humanos com amostras provindas de seus animais de companhia que apresentaram infecção por MRSA e observaram a presença de *SCCmec* do tipo IV em todas as amostras, entretanto, com diferenças significativas no conteúdo do *SCCmec*, destacando uma adaptação genética de MRSA em diferentes hospedeiros. Em um estudo realizado por Tchamba et al. (2021), que teve objetivo de identificar e comparar os tipos *SCCmec* de MRSA e MRNAS isolados de várias espécies animais e humanos em diferentes países, mostrou uma prevalência maior de *SCCmec* tipos IV e V em tanto em MRSA de origem animal, como de origem humana.

Assim sendo, *Staphylococcus pseudintermedius* resistente à meticilina (MRSP) e *Staphylococcus aureus* resistente à meticilina (MRSA) patógenos oportunistas zoonóticos preocupantes na veterinária e na saúde pública, apesar de MRSP ser predominantemente isolado em animais, o contato próximo veio a disseminar entre humanos, assim como o MRSA importante patógeno humano, mas também identificado em animais de companhia. Esses isolados são frequentemente multirresistentes (MDR), gerando infecções de difícil controle e tratamento, principalmente devido a transferência de genes de resistência, principalmente *mecA* pelo Cassete Cromossômico estafilocócico *mec* (*SCCmec*) (RYNHOUD et al., 2021).

Logo, a presença de estirpes bacterianas multirresistentes representa uma ameaça tanto para saúde humana e animal, visto que os animais de companhia podem ser um reservatório significativo de MRSA e MRSP (KASELA et al., 2023).

3.4. CIENCIOMETRIA

A Cienciometria é um campo de estudo métrico da informação, assim como a bibliometria, a informetria e a webometria, o termo alcançou notoriedade em 1977 com o início da publicação da revista “*Scientometrics*”, editada inicialmente na Hungria e atualmente na Holanda, publicando regularmente estudos sobre a avaliação da produção científica em diferentes campos científicos (VANTI, 2002).

A Cienciometria também pode ser denominada de Cientometria, pertencente à Sociologia das Ciências e da Ciência da Informação, que visa quantificar a evolução da ciência e da produção científica, seja no meio da pesquisa em si, seja nas possíveis influências no mercado econômico e na sociedade em geral, portanto, não somente de caráter quantitativo da produção científica, mas mapeando a área e captando informações úteis para elucidar a estrutura intelectual e social (PARRA; COUTINHO; PESSANO, 2019).

A partir dos anos 60 com os estudos do inglês Derek John de Solla Price conhecido como o pai da área que a cienciometria recebeu novos significados e propósitos aos estudos quantitativos de análise da produção científica (BARROS; LANGHI, 2023). Para desenvolver sua metodologia, Price utilizou-se das propostas de Lotka, Bradford e Zipf para formular suas leis cienciométricas combinadas com técnicas e ferramentas estatísticas para o grande volume de textos científicos disponíveis, levando ao desenvolvimento de indicadores cienciométricos partindo dos dados da produção científica (BARROS; LANGHI, 2023; PARRA; COUTINHO; PESSANO, 2019).

A Lei de Lotka propõe que um número restrito de pesquisadores produz muito em determinada área de conhecimento, enquanto um grande volume de pesquisadores produz pouco, estabelecendo que um campo seja mais produtivo, quanto mais artigos seus autores produzirem no decorrer da carreira, portanto, refere-se à produtividade de autores, já a Lei de Bradford discorre sobre a produtividade de periódicos, possibilita estimar o grau de relevância de periódicos que atuam em áreas do conhecimento específicas e a Lei de Zipf consiste em mensurar a frequência do aparecimento das palavras em vários textos, gerando uma lista ordenada de termos de uma determinada disciplina ou assunto (MACHADO JUNIOR et al., 2016; MINGERS; LEYDESDORFF, 2015).

O linguista Eugene Garfield, criador do conceito de Fator de Impacto, utilizado para avaliar a quantidade de citações recebidas por uma revista durante um certo período vendeu na década de 80, o *Institut for Scientific Information* (ISI) instituição que reúne um grande número de periódicos de diversas áreas do conhecimento, servindo como ferramenta na elaboração de políticas científicas, e a partir de então, a cienciometria começou a ser área de interesse acadêmico, sendo atualmente, largamente aplicada para a medição do conhecimento científico, utilizando ferramentas e técnicas bibliométricas (MINGERS; LEYDESDORFF, 2015; SPINAK, 1998; VANTI, 2002).

No Brasil, a ciência teve seu grande desenvolvimento apenas nos últimos 50 anos, devido às políticas instituindo agências de fomento, programas de Pós-Graduação, gerando aumento nas publicações científicas, sendo necessário avaliação e categorização da produção existente por métodos quantitativos, como a cienciometria (PARRA; COUTINHO; PESSANO, 2019). Segundo relatório da Organização das Nações Unidas para Educação, Ciência e Cultura (Unesco), o Brasil se mantém como o 13º maior produtor de conhecimento científico mundial, com participação em 372 mil trabalhos publicados internacionalmente no período 2015-2020 (SCHNEEGANS; LEWIS; STRAZA, 2021).

A Cienciometria é popularmente denominada no meio acadêmico de “a ciência da ciência”, analisando os aspectos quantitativos da produção, divulgação e utilização da informação científica objetivando uma melhor compreensão dos mecanismos da investigação científica como atividade social (CHELLAPPANDI; VIJAYAKUMAR, 2018).

Logo, o estudo cienciométrico fundamenta-se em analisar a atividade científica por meio de técnicas matemáticas e estatísticas, desenvolvendo indicadores confiáveis, como parâmetros para avaliação e exploração dos dados (PARRA; COUTINHO; PESSANO, 2019; SPINAK, 1998).

A literatura cienciométrica lista algumas possibilidades de aplicação dos indicadores cienciométricos para mapeamento de pesquisas, a saber (SPINAK, 1998; VANTI, 2022):

- identificar as tendências e o crescimento do conhecimento em uma área;
- identificar as revistas do núcleo de uma disciplina;
- mensurar a cobertura das revistas secundárias;
- identificar os usuários de uma disciplina;

- prever as tendências de publicação;
- estudar a dispersão e a obsolescência da literatura científica;
- prever a produtividade de autores individuais, organizações e países;
- medir o grau e padrões de colaboração entre autores;
- analisar os processos de citação e cocitação;
- determinar o desempenho dos sistemas de recuperação da informação;
- avaliar os aspectos estatísticos da linguagem, das palavras e das frases;
- avaliar a circulação e uso de documentos em um centro de documentação;
- medir o crescimento de determinadas áreas e o surgimento de novos temas.

Portanto, com a cienciométrica pode-se avaliar uma área da ciência, extraindo diversos dados dos documentos científicos visando conhecer o campo de pesquisa e analisar tendências.

3.5. INTERDISCIPLINARIDADE

A vasta disseminação de bactérias e genes de resistência aos antimicrobianos a nível global interconectando os seres humanos, animais e o meio ambiente requer uma abordagem coordenada, cooperativa e interdisciplinar entre entes da sociedade visando o monitoramento e prevenção dessas resistências.

Staphylococcus pseudintermedius evidenciada nesse estudo como temática emergente para pesquisas, embora adaptado a animais, abrangendo espécies de aves e mamíferos de companhia, gado e vida livre, não é restrito a eles, incluindo relatos crescentes de colonização e infecções em humanos, além de detecção em amostras ambientais (PHUMTHANAKORN et al., 2018; RIACUTE;OS et al., 2024; ROBERTS et al., 2024).

Colonização, infecção e resistência antimicrobiana, incluindo resistência frequente a múltiplos medicamentos, representam importantes desafios no contexto *One Health*. A abordagem cienciométrica nos permite prever e compreender as tendências emergentes, levando a informações sobre o futuro, com o surgimento de novas frentes de pesquisa fornecendo pistas para impulsionar e prever a produção científica e o avanço tecnológico, visto a emergência em saúde mundial quanto às resistências microbianas.

4. METODOLOGIA

4.1. LEVANTAMENTO E SELEÇÃO DE DADOS

A cienciometria foi adotada como método de pesquisa a fim de realizar o levantamento e análise dos aspectos quantitativos e qualitativos da produção científica da área em estudo.

Para recuperar publicações referente a resistência bacteriana em isolados de cães e gatos, realizou-se um levantamento sistemático seguindo a declaração PRISMA (Principais Itens para Relatar Revisões Sistemáticas e Meta-análises) 2020 adaptada para trabalhos cienciométricos (MOHER et al., 2010), conforme Figura 1, compreendendo as etapas de identificação, triagem e inclusão dos artigos científicos.

A declaração PRISMA 2020, proveniente da atualização e ampliação do documento publicado em 2009, foi desenvolvida para auxiliar revisores sistemáticos a relatar de forma transparente porque a revisão foi feita, os métodos empregados e os achados, elaborada principalmente para revisões de intervenções em saúde. Porém, os itens da lista de checagem são aplicáveis a revisões sistemáticas que avaliam outras intervenções, como sociais ou educacionais ou objetivos diferentes, como avaliação de etiologia, prevalência ou prognóstico. Destina-se ao uso em revisões sistemáticas que incluem sumarização (como meta-análise ou outros métodos de sumarização estatística) ou que não incluem sumarização (PAGE et al., 2021).

A declaração PRISMA 2020 apresenta um fluxograma, com variações de acordo com o estudo, que auxilia o pesquisador na organização das etapas a serem realizadas para o desenvolvimento do estudo. Ele é composto por três etapas:

a) Identificação: busca de todo o material disponível para a análise por meio de bases de dados ou estudos advindos de outras fontes de dados, descrevendo às fontes, datas, tipo de material, entre outros.

b) Triagem: refinar o material encontrado na etapa de identificação, especificando os motivos da exclusão de material.

c) Inclusão: reunir e apresentar os estudos incluídos para a análise da revisão. Ademais, deve ser relatado e justificado o uso de programas para auxiliar no processamento dos dados.

Foram obtidos estudos científicos indexados exclusivamente da base de dados *Web of Science* – WoS (<http://apps.webofknowledge.com>), um dos principais bancos de dados mundiais para pesquisas acadêmicas, cobrindo cerca de 12.000 periódicos (DOS SANTOS, 2020; MINGERS; LEYDESDORFF, 2015), além de evitar duplicidade de citações quando se aplica somente uma base de dados.

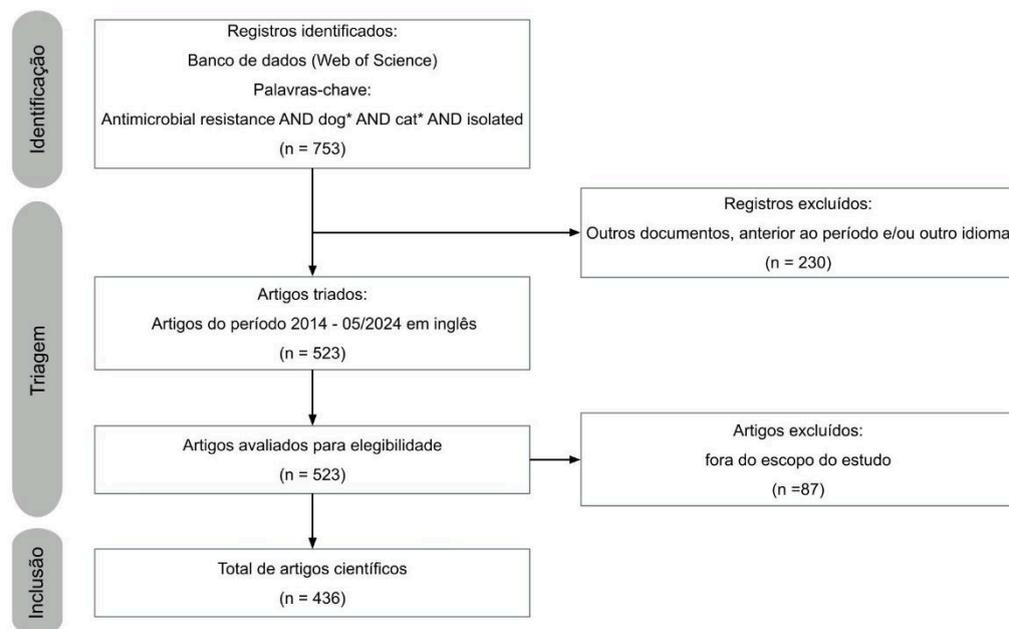
Foram eleitas as seguintes palavras chaves para seleção dos artigos: “Antimicrobial resistance”, “Dog*”, “Cat*” e “Isolated”. Os registros foram recuperados ao apresentar todas as quatro palavras-chave, estas que deveriam constar no título, no resumo ou nas palavras-chave do resumo. A base de dados considera o operador booleano AND (E, em inglês) entre os termos que se deseja encontrar, as aspas para selecionar exatamente a expressão, evitando resultados falsos, e o uso do asterisco indica que qualquer terminação da palavra pode ser considerada, garantindo a busca de palavras no singular e no plural.

A pesquisa foi realizada compreendendo somente artigos científicos redigidos em língua inglesa do período de publicação de 2014 a maio de 2024. A restrição de idioma é uma orientação para a utilização do aplicativo Biblioshiny, usado para realização das análises cienciométricas.

Na primeira etapa, foram identificados 753 registros, sendo na triagem excluídos outros documentos, como revisões, protocolos, artigos de comentários, versões anteriores de estudos corrigidos anteriormente, artigos anteriores ao período analisado e idiomas que não de língua inglesa, restando 523.

Os arquivos foram visualmente inspecionados e excluídos artigos que não correspondiam ao escopo deste estudo, resultando em 436 artigos incluídos na coleção.

Figura 1. Fluxograma PRISMA 2020 adaptado para trabalhos cientiométricos.



Fonte: Autor.

4.2. ABORDAGEM CIENCIOMÉTRICA

O mapeamento científico e análises estatísticas descritivas foram realizados usando o Pacote Bibliometrix 4. 2. 1 (ARIA; CUCCURULLO, 2017), implementado em R 4.4.0 (R CORE TEAM, 2003). O pacote Bibliometrix foi criado em R, uma linguagem de programação para computação estatística e gráficos fornecendo todos os instrumentos para realizar uma análise bibliométrica completa, seguindo o Fluxo de Trabalho de Mapeamento Científico (ARIA; CUCCURULLO, 2017; BÜYÜKKIDIK, 2022).

O fluxo de trabalho está baseado em cinco etapas descritas por Aria e Cuccurullo (2017):

1. Desenho do estudo: definir as questões de pesquisa e escolha dos métodos apropriados que respondam às seguintes perguntas:
 - l) Identificar a base de conhecimento de um tema ou campo de pesquisa e sua estrutura intelectual;

- II) Examinar a frente de pesquisa ou estrutura conceitual de um tema ou campo de pesquisa;
 - III) Produzir uma estrutura de rede social de um determinado tema científico na comunidade.
2. Coleta de dados: selecionar o banco de dados que contém os dados bibliométricos, filtrando e exportando o conjunto principal de documentos. No caso, utilizou-se o banco de dados *Web of Science* (WoS).
 3. Análise de dados: utilizar de ferramentas de *software* bibliométrico ou estatístico. Envolve análise descritiva e extração de rede, uso de palavras-chave mais importantes dos documentos para estudar a estrutura conceitual de uma área de pesquisa, análise de estrutura social, de coautoria, autores, redes de colaboração e análise de citações.

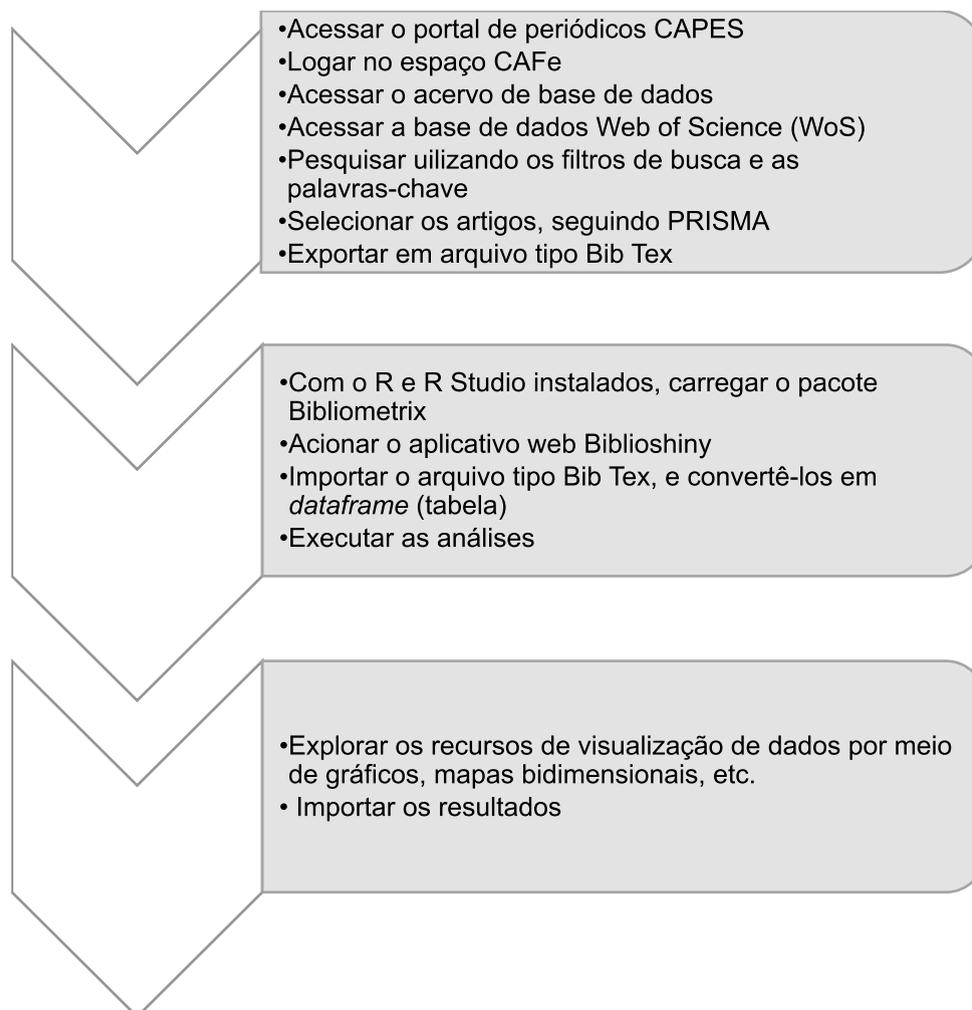
A análise bibliométrica pode ser feita com muitos *softwares* ou pacotes, como o Biblioshiny, que é um aplicativo gratuito e simplificado para sistema operacional R que fornece uma interface *web* para Bibliometrix, intuitivo para pesquisadores não familiarizados com programação (BÜYÜKKIDIK, 2022).

Primeiramente deve-se baixar a linguagem de programação R, após instalar o R Studio, que é uma interface gráfica para o *software* R e executar o comando `library(bibliometrix)` e então executar a interface *web* do Biblioshiny com o comando `bibliometrix::biblioshiny()`. Após, importar o arquivo do tipo Bib Tex oriundo da base de dados WoS, converter em *dataframes* (tabelas) e executar as análises.

4. Visualização de dados: selecionar qual método de visualização será usado nos resultados empregando o *software* de mapeamento. A análise permite extrair informações úteis dos dados e representá-lo por meio de visualizações intuitivas ou mapas como, mapas bidimensionais, dendrogramas e redes sociais.
5. Interpretação: interpretar e descrever as descobertas.

Para elucidar as etapas de coleta, análise e visualização de dados usando o Biblioshiny elaboramos um fluxograma para o mapeamento científico aplicado neste estudo (Figura 2).

Figura 2. Fluxograma do processo de mapeamento científico usando Biblioshiny.



Fonte: Autor.

Dentre as possibilidades de análises fornecidas pelo pacote, obtivemos as informações principais dos artigos, a produção científica anual e mundial, as redes de colaboração entre países, os artigos mais citados globalmente, as palavras-chave dos autores ou tópicos mais prevalentes em ordem cronológica e o mapa temático da área de estudo.

5. RESULTADOS E DISCUSSÃO

5.1. ANÁLISES CIENCIOMÉTRICAS

Para a seleção de publicações elegíveis, aplicou-se a declaração PRISMA 2020, onde foram levantados 436 artigos científicos abordando sobre a resistência antimicrobiana em animais domesticados com foco em cães e gatos nos anos de 2014 a maio de 2024. A idade média dos artigos foi de aproximadamente 4 anos, com média de citação por artigo de 15,04. Foram englobados 131 revistas e 2.640 autores.

Na tabela 1 constam as informações principais do conjunto de artigos analisados, descrevendo uma análise geral dos metadados.

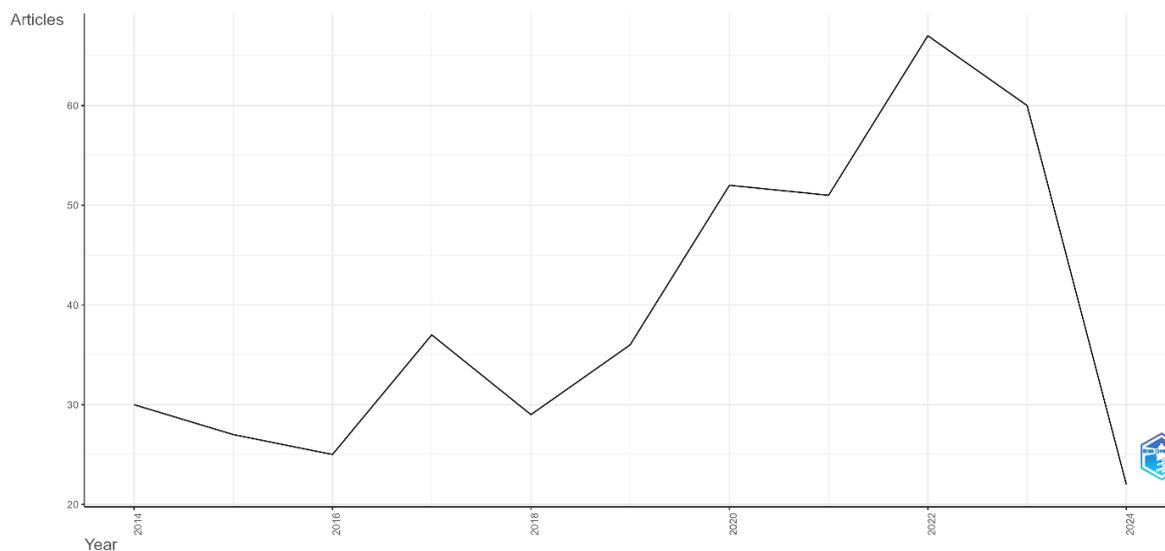
Tabela 1 - Informações principais extraídas do conjunto de artigos científicos.

Descrição	Resultados
Principais informações sobre os dados	
Intervalo de Tempo	2014 - 2024
Fontes (Revistas)	131
Documentos	436
Taxa de crescimento anual (%)	-3.05
Idade média do documento	4,38
Média de citações por documento	15,04
Conteúdo do documento	
Palavras-chave dos autores	855
Autores	
Autores	2.640
Autores de documento de autoria única	1
Colaboração de autores	
Documentos de autoria única	2
Coautores por documento	7,77
Coautorias internacionais (%)	29,13
Tipos de documentos	
Artigos	436

Fonte: Adaptado de Biblioshiny (2024).

A taxa de crescimento anual foi negativa em 3,05%, devido ao período selecionado considerar o ano de 2024, em vigor antes da finalização do levantamento. Analisando o número de publicações, observou-se que a problemática vem ganhando notoriedade, aumentando sua frequência como objeto de estudo a cada ano, como apresenta a Figura 3, principalmente no ano de 2022 com 67 artigos em comparação com o ano de 2016 contabilizando 25 artigos publicados, considerando a pandemia de COVID-19, que já foi observado um aumento expressivo do número de publicações gerais, levando ao rápido compartilhamento de informações e fomentando a discussão sanitária e de saúde.

Figura 3. Produção científica anual. Correlacionando o número de artigos com os anos avaliados.

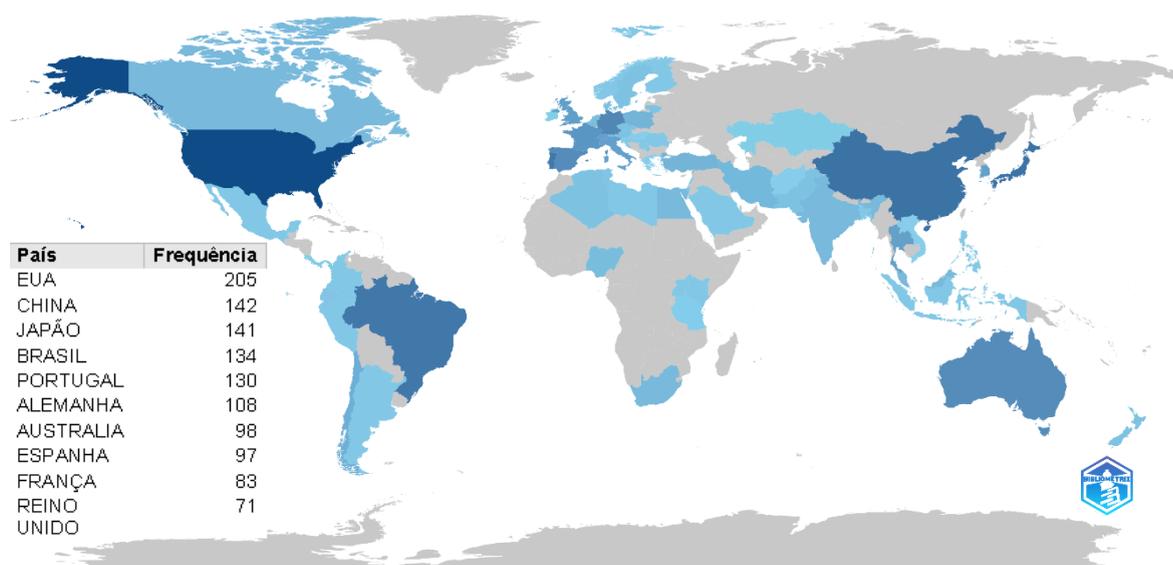


Fonte: Biblioshiny (2024).

Oliveira et al. (2022) analisaram a produção científica mundial de 53 países do período de 1996 a 2018 e a apuração evidenciou um declínio na produção científica pelos países tradicionais, considerados os 10 países mais produtivos (EUA, Reino Unido, Alemanha, Japão, França, Itália, Canadá, Austrália, Espanha e Rússia) em contrapartida um aumento substancial da participação dos países emergentes, dentre eles o Brasil. A participação da produção científica global dos países emergentes aumentou de aproximadamente 7% em 1996 para 27,8% em 2018 e dos países mais tradicionais caiu de 73% para cerca de 45% em 2018.

Os EUA, China, Japão, Brasil, Portugal, Alemanha, Austrália, Espanha, França e Reino Unido representaram os dez países com maior número de publicações científicas, os EUA representam 205 publicações, a China 142, o Japão 141 e o Brasil 134, portanto corroborando com os achados da literatura mostrando o aumento da participação do Brasil nas publicações científicas mundiais.

Figura 4. Mapa de produção científica por país. A maior intensidade de cor representa mais publicações e os números de frequência estão contidos na tabela.



Fonte: Biblioshiny (2024).

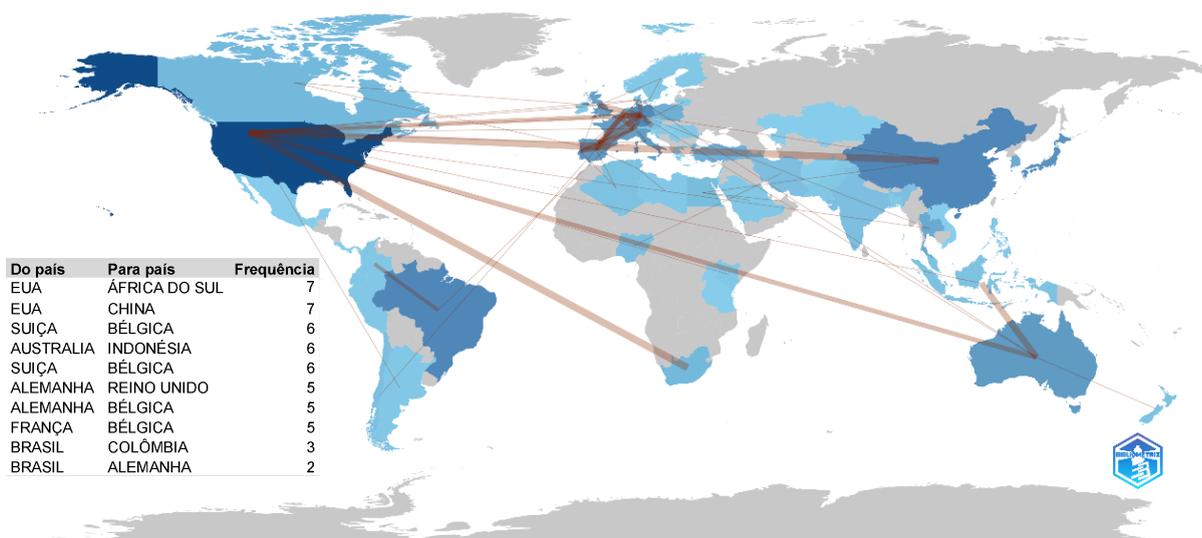
No mundo cada vez mais globalizado, caracterizada pela troca ilimitada de informações e pelo aumento da mobilidade global, a colaboração internacional entre redes de pesquisadores se tornou essencial para elaborar estudos de impacto e qualidade, propiciando a soma de esforços, acelerando a execução da pesquisa e publicação dos resultados de maior visibilidade entre a comunidade científica, além de promover intercâmbio cultural (OLIVEIRA, 2018). Um estudo colaborativo internacionalmente se dá quando autores afiliados a instituições de pelo menos dois países distintos são referenciados na assinatura da autoria.

A coautoria é o resultado mais visível da cooperação internacional. São caracterizados os pesquisadores que tenham participado ativamente para a concepção ou execução da pesquisa cujos resultados podem ser divulgados na forma de artigos, por exemplo (FONSECA; LIMA, 2023).

Segundo o Relatório *Research in Brazil towards International Collaboration* (2019) no período de 2014 a 2019, 31,4% das publicações brasileiras são resultados de colaboração internacional, próximo aos EUA, país intensivo em pesquisa que atingiu 33,6%.

Na Figura 5, observa-se que dentre os países, os EUA apresentaram maiores frequências de relações com outros países, com boa relação de cooperação científica com África do Sul e China, já o Brasil tem relação com Colômbia, seguida de Alemanha. Nos achados desse estudo, a taxa de coautoria internacional foi de 29,13%.

Figura 5. Mapa de colaboração entre países. As ligações representam as colaborações entre os países, a espessura é proporcional a frequência de colaborações.



Fonte: Biblioshiny (2024).

Os dez artigos mais influentes considerando o total de citações globais, com as respectivas revistas onde foram publicados estão elencados na Tabela 2. O Total de Citações (TC) globais, mede o número de citações que um artigo recebeu de outros estudos indexados em toda a base de dados, logo mede o impacto de um documento em toda a base bibliográfica mundial.

O artigo que possui o maior número de citações é o de Ewers et al. (2014) com 131 citações. Os pesquisadores avaliaram 1.152 isolados de *Escherichia coli* ESBL das cepas ST64, um grupo de cepas multirresistentes e virulentas em animais, oriundos predominantemente de cães e gatos através de tipagem de sequência

multilocus. Como resultados, 40 isolados foram detectados como ST64, alertando para que provavelmente tais cepas possam se tornar cada vez mais associadas a infecções graves em animais e humanos futuramente.

O artigo de Marques et al. (2018) avalia ao longo de 16 anos as bactérias multirresistentes e suas linhagens clonais oriundas de cães e gatos com infecção do trato urinário (ITU), sendo que o gene *mecA* foi detectado em 9,2% de *Staphylococcus spp.*, com um aumento temporal em *Staphylococcus pseudintermedius* resistente à meticilina e *Enterococcus spp.* resistentes à ampicilina.

Os pesquisadores Wong, Epstein e Westropp (2015) caracterizam os padrões de suscetibilidade antimicrobiana também em isolados do trato urinário em cães, onde os mais identificados foram *Escherichia coli* (52,5%), *Staphylococcus spp.* (13,6%) e *Enterococcus spp.* (13,3%), quanto a suscetibilidade, os isolados multirresistentes de *E. coli* e *Staphylococcus spp.* foram mais comuns em cães com ITUs complicadas do que não complicadas.

O estudo de Ribeiro et al. (2015) avaliou aspectos epidemiológicos e clínicos de 144 casos de infecções por *Trueperella pyogenes* entre animais domésticos de 2002 a 2012, uma bactéria oportunista relacionada a infecções piogênicas em animais e com poucos relatos de casos descritos.

Li et al. (2019) investigou a transmissão de *Enterobacteriaceae* resistentes a carbapenêmicos entre humanos e seus animais evidenciando com uma abordagem *One Health* fortes evidências de transmissão direta entre membros da família, seus animais de companhia e o ambiente imediato em ecossistemas de fazendas na China.

No estudo de Joosten et al. (2020) 13% dos isolados bacterianos foram identificados como multirresistentes, reforçando que os animais de companhia são potenciais reservatórios de resistência antimicrobiana.

Harada et al. (2016) detectaram ESBL e/ou β -lactamases AmpC 34,8% isolados de *Klebsiella pneumoniae*, sendo a ESBL mais frequente CTX-M-15 em espécimes clínicos de cães e gatos no Japão.

Dentre os achados de Marques et al. (2016) a frequência geral de resistência microbiana mais alta foi encontrada na Itália, Grécia, Portugal e Espanha quando comparada com Dinamarca e Suécia, uma provável consequência da vigilância rigorosa sobre prescrição antimicrobiana em animais de companhia nesses países.

Szczepanska et al. (2017) analisaram 1.973 amostras, dentre elas fezes de crianças, carne de aves, swabs retais de animais de estimação, amostras de águas

superficiais. As amostras positivas para *Campylobacter* diferiu entre os tipos de amostra, sendo que nas carnes de aves se obteve 38,6% de positividade e nas amostras fecais infantis 9,6%.

Marques et al. (2018) detectou que uma linhagem clonal de alto risco (ST15) de *Klebsiella pneumoniae* predominou em 60% dos isolados de animais de companhia semelhantes aos de cepas humanas, destacando que medidas de prevenção devem ser tomadas pelos tutores de animais de companhia para evitar a disseminação de linhagens clonais de alto risco.

Ademais, três dentre os dez artigos científicos mais relevantes da coleção foram publicados no periódico britânico *Journal of Antimicrobial Chemotherapy*, um dos principais periódicos internacionais em pesquisa antimicrobiana.

De modo geral, a maioria desses estudos contribui para solidificar, ampliar e especificar o conhecimento no campo, estudando sobre perfis de resistência bacteriana, detecção de clones multirresistente em amostras clínicas animais, humanas e em fontes ambientais, corroborando assim com a abordagem *One health*.

Tabela 2 – 10 (dez) artigos com maior número de citações globais. Constando, o autor e a revista, o total de citações gerais e o total de citações por ano.

Autor / Revista	Total de citações	Total de citações por ano
EWERS C, 2014 / Journal of Antimicrobial Chemotherapy	131	11,9
MARQUES C, 2018 / Journal of Antimicrobial Chemotherapy	95	13,5
WONG C, 2015 / Journal of Veterinary Internal Medicine	94	9,4
RIBEIRO MG, 2015 / Veterinary Quarterly	92	9,2
LI J, 2019 / Environmental Health Perspectives	78	13,0
JOOSTEN P, 2020 / Antibiotics	76	15,2
HARADA K, 2016 / Frontiers in Microbiology	75	8,3

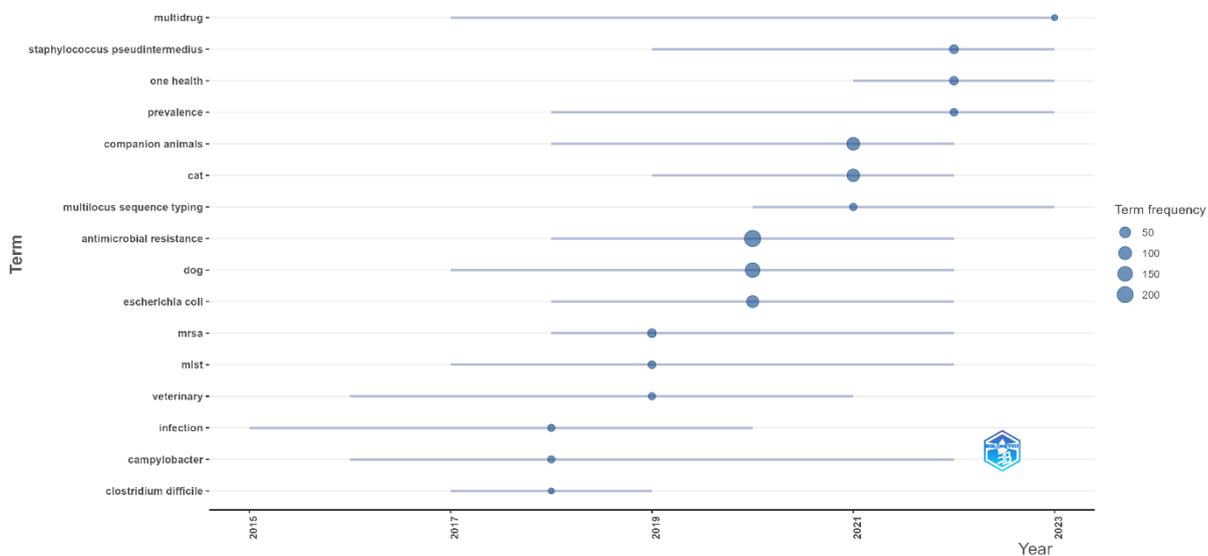
MARQUES C, 2016 / BMC Veterinary Research	72	8,0
SZCZEPANSKA B, 2017 / BMC Microbiology	69	8,6
MARQUES C, 2019 / Journal of Antimicrobial Chemotherapy	68	11,3

Fonte: Adaptado de Biblioshiny (2024).

As palavras-chave dos autores contabilizam 855 termos. As palavras-chave são uma seleção de palavras escolhidas pelos autores que melhor representam o tema do estudo, devendo ser bem escolhidas, pois vão facilitar a busca do trabalho nas bases de dados. A Figura 6, elencou as 16 palavras-chave mais frequentes, correlacionando com os anos de citação, delimitando parâmetros pré-selecionados de no mínimo três palavras por ano e frequência mínima de aparição de cinco vezes. São elas: Multidrug (múltiplas drogas), *Staphylococcus pseudintermedius*, *One health*, Prevalence (prevalência), Companion animals (animais de companhia), Cat (gato), Multilocus sequence typing, Antimicrobial resistance (resistência antimicrobiana), Dog (cão), *Escherichia coli*, MRSA, MLST, Veterinary (veterinário), Infection (infecção), *Campylobacter* e *Clostridium difficile*.

A análise da evolução de temas indica que nos últimos anos os termos *Staphylococcus pseudintermedius* e *One health* se desenvolveram, principalmente após 2021, fomentando pesquisas futuras nesse campo. Para corroborar com tal conclusão, construiu-se o mapa temático.

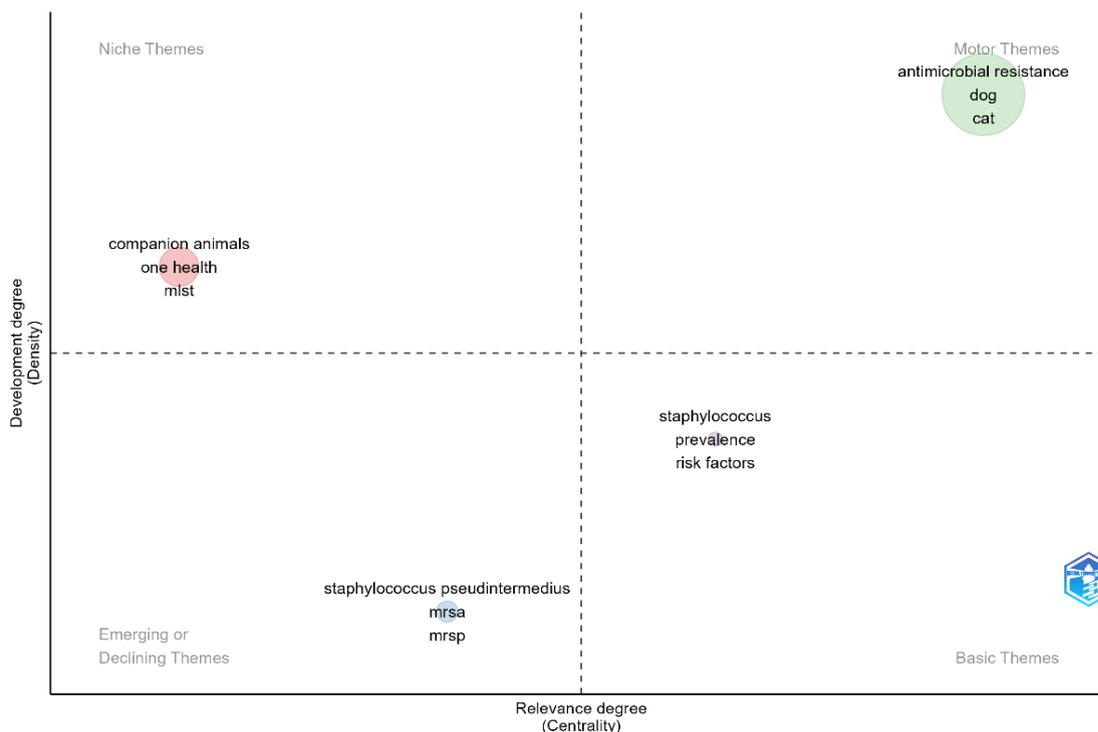
Figura 6. Tópicos de tendência na área de pesquisa. O tamanho da circunferência do círculo representa a frequência de aparecimento do termo.



Fonte: Biblioshiny (2024).

O mapa temático representado na Figura 7 é um gráfico intuitivo que nos permite analisar os temas/*clusters* de acordo com o quadrante em que estão colocados, desenhando grupos de palavras-chave, cuja densidade e centralidade podem ser usadas na classificação de diferentes temas.

Figura 7. Mapa temático da área de pesquisa. Representando a centralidade no eixo X e a densidade no eixo Y.



Fonte: Biblioshiny (2024).

No quadrante superior direito estão alocados os temas motores (*motor themes*), no quadrante inferior direito, os temas básicos (*basic themes*), quadrante inferior esquerdo, os temas emergentes ou desaparecidos (*emerging or declining themes*) e no quadrante superior esquerdo, os temas muito especializados ou de nicho (*niche themes*) (ARIA; MISURACA; SPANO, 2020).

A centralidade pode ser lida como a importância do tema em todo o campo de pesquisa, indicando o seu grau de relevância no conjunto e densidade o seu desenvolvimento. O tema terá maior centralidade à medida que houver mais coocorrências com palavras pertencentes a outros temas, e maior densidade quando mais fortes forem as coocorrências de palavras dentro do tópico de pesquisa. Assim, a maior densidade de um tema indica que ele é mais bem desenvolvido. Cada bolha representa um *cluster* de rede e o tamanho da bolha é proporcional às ocorrências de palavras do *cluster*. A posição da bolha é definida de acordo com a centralidade e a densidade do *cluster*. Cada quadrante representa uma categoria diferente, com os temas sendo classificados com base na coocorrência de palavras e posteriormente

são plotados no gráfico, que traz no eixo X, a centralidade e no eixo Y, a densidade (YU; MUÑOZ-JUSTICIA, 2020).

Antes de executar a análise para apresentação da evolução temática da área de pesquisa, é importante configurar os parâmetros pertinentes e avaliar a disposição para um bom resultado gráfico. Na opção de número de palavras-chave dos autores foi selecionada a quantidade de 70 palavras e para a frequência mínima (por mil documentos) foi selecionada a quantidade de 5.

Como demonstrado na Figura 7, os temas no quadrante superior esquerdo (animais de companhia, *One health* e MLST) tem baixa centralidade e alta densidade. Isso indica que eles têm laços internos bem desenvolvidos, mas laços externos mal desenvolvidos; portanto, são temas que, atualmente, têm importância marginal para o campo. Os temas do quadrante inferior esquerdo (*Staphylococcus pseudintermedius*, MRSA e MRSP) possuem baixa centralidade e densidade, indicando que, atualmente, são emergentes e menos desenvolvidos no tópico de pesquisa, que precisam ser mais bem desenvolvidos para identificação de lacunas de pesquisa.

Na parte superior direita, os temas da bolha verde (resistência antimicrobiana, cão e gato) possuem forte centralidade e alta densidade indicando que são bem desenvolvidos e muito importantes para a estruturação do campo. Estes são temas motores dado sua proeminência e relevância para o campo de pesquisa.

Os temas no quadrante inferior direito (*Staphylococcus*, prevalência e fatores de risco) possuem alta centralidade e baixa densidade, ou seja, são importantes para o campo de pesquisa, sendo temas transversais, gerais e básicos discutidos por muitos trabalhos, mas com difícil previsão de direção futura, tendo em vista a variedade de temas abordados pelos estudos.

5.2. ARTIGOS SOBRE *STAPHYLOCOCCUS PSEUDINTERMEDIUS*

Nas análises de tópicos de tendência e mapa temático da área de pesquisa, estudos que tratavam de *Staphylococcus pseudintermedius* se mostraram ascendentes no campo envolvendo resistência antimicrobiana em animais de companhia, sendo assim, na Tabela 3 estão elencados os 27 (vinte e sete) artigos da coleção envolvendo a temática, constando a identificação, os autores, o título, o objetivo e os principais achados desses estudos.

Tabela 3 – Artigos da coleção abordando *S. pseudintermedius*.

Identificação	Autores	Título	Objetivo	Principais resultados
A014	Marco-Fuertes, A; Marin, C; Gimeno-Cardona, C; Artal-Muñoz, V; Vega, S; Montoro-Dasi, L	<i>Staphylococcus spp.</i> Comensal e Infeccioso Multirresistente a Medicamentos Isolados de Animais de Companhia na Região de Valência	Avaliar a situação epidemiológica da resistência antimicrobiana em cães e gatos ao <i>Staphylococcus spp.</i>	Alta prevalência de resistência antimicrobiana em cães e gatos saudáveis e doentes.
A028	Lee, GY; Lee, SI; Park, JH; Do Kim, S; Kim, GB; Yang, SJ	Detecção e caracterização de potenciais determinantes de virulência em cepas de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> e <i>S. schleiferi</i>	Virulência associados à otite externa canina em <i>S. pseudintermedius</i> e <i>S. schleiferi</i> .	Alta prevalência de genes que codificam leucocidinas, toxinas esfoliativas.

		isoladas de otite externa canina na Coreia		
A046	Srednik, ME; Perea, CA; Giacoboni, GI; Hicks, JA; Foxx, CL; Harris, B; Schlater, LK	Características genômicas da resistência antimicrobiana em <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> isolado de cães com pioderma na Argentina e nos Estados Unidos: um estudo comparativo	Analisar isolados de <i>S. pseudintermedius</i> associados à piodermite canina.	62% dos isolados apresentaram resistência a múltiplos medicamentos. Genes encontrados: <i>mec A</i> , <i>bla Z</i> , <i>ermB</i> , <i>dfr G</i> , <i>cat A</i> , <i>tet M</i> , <i>aac (6')- aph (2'')</i> , além de <i>tet K</i> e <i>Inu A</i> .
A048	Cengiz, S; Okur, S; Oz, C; Turgut, F; Gumurcinler, B; Sevuk, NS; Kekec, AI; Cepoglu, H; Sevimli, U; Adiguzel, MC	Prevalência e diversidade clonal de <i>Staphylococcus aureus</i> resistente à meticilina e <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> resistente à meticilina isolados de cães e gatos com secreção ocular	Padrão de resistência de cepas de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> e <i>Staphylococcus aureus</i> isoladas de cães e gatos com secreções oculares.	A resistência fenotípica à meticilina de <i>S. aureus</i> e <i>S. pseudintermedius</i> foi de 50,0% e 16,7%. Apenas um <i>S. aureus</i> isolado de um gato positivo para o gene <i>mecA</i> .

A056	Morais, C; Costa, SS; Leal, M; Ramos, B; Andrade, M; Ferreira, C; Abrantes, P; Pomba, C; Couto, I	Diversidade genética e perfis de resistência antimicrobiana de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> associados a infecções cutâneas e dos tecidos moles em animais de companhia em Lisboa, Portugal	Caracterizar coleção de <i>S. pseudintermedius</i> causadores de SSTIs em animais.	31% dos <i>S. pseudintermedius</i> eram resistentes à metilina. Fenótipos multirresistentes (MDR) foram detectados para 95,8% dos isolados MRSP e 22,4% dos isolados suscetíveis à metilina (MSSP). Apenas 12,3% suscetíveis a todos os antimicrobianos testados. Detectados diferentes perfis de resistência antimicrobiana principalmente associados ao transporte dos genes <i>blaZ</i> , <i>mecA</i> , <i>erm</i> (B), <i>aph3-IIIa</i> , <i>aacA-aphD</i> , <i>cat pC221</i> , <i>tet</i> (M) e <i>dfr</i> (G).
A063	Aslantas, Ö; Olgun, E; Bayirli, M; Büyükcaltay, K	Caracterização Molecular de Cepas de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> Metilina Multirresistentes Isoladas de um Caso de Otite Externa Felina	Caracterização WGS de uma cepa MRSP chamada HMKU-VET-MRSP-2020 de um caso de otite externa em gato	A cepa foi classificada como sequência MLST tipo 71 e SCCmec tipo IIIA. Presença de vários genes de resistência antimicrobiana e mutações.

A067	Santana, JA; Paraguassu, AO; Santana, RST; Xavier, RGC; Freitas, PMC; Aburjaile, FF; Azevedo, VAD; Brenig, B; Bojesen, AM; Silva, ROS	Fatores de Risco, Diversidade Genética e Resistência Antimicrobiana de <i>Staphylococcus spp.</i> Isolados em cães internados em unidade de terapia intensiva de um hospital veterinário	Avaliar os fatores de risco associados à aquisição de MRSP em cães internados, os perfis de resistência antimicrobiana e a relação genética dos isolados.	Transporte de estafilococos multirresistentes (MDR) observado em 64,4% dos cães, e aproximadamente 39% tinham <i>Staphylococcus sp.</i> resistente à meticilina (MRS), dos quais 21,6% tinham MRSP e 1,9% tinham MRSA. 10 isolados MRSP ST71.
A072	Fabregas, N; Perez, D; Vines, J; CUSCO, A; Migura-Garcia, L; Ferrer, L; Francino, O	Diversas populações de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> colonizam a pele de cães saudáveis	Genomas de <i>S. pseudintermedius</i> isolados da pele de cães saudáveis por meio de sequenciamento Nanopore.	39% dos genomas isolados eram MRSP, com número maior de genes de resistência a antibióticos do que os sensíveis à meticilina (MSSP).
A084	Bellato, A; Robino, P; Stella, MC; Scarrone, L; Scalas, D; Nebbia, P	Resistência a antibacterianos importantes críticos em cepas de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> de origem veterinária	Avaliar a resistência de isolados de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> .	A maior resistência contra a penicilina (97,5%) e a menor contra a telavancina (2,5%). Maior resistência contra antibacterianos veterinários, mas também houve resistência nos exclusivos de humanos (ceftarolina e telavancina).

A091	Penna, B; Silva, MB; Botelho, AMN; Ferreira, FA; Ramundo, MS; Silva-Carvalho, MC; Rabello, RF; Vieira-da-Motta, O; Figueiredo, MAS	Detecção da linhagem internacional ST71 de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> resistente à metilina em duas cidades do Estado do Rio de Janeiro	Presença de MRSP em cães.	Todos os 17 isolados foram classificados como ST71 por MLST.
A104	Tamakan, H; Gocmen, H	Caracterização genética de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> resistente à metilina em cães e gatos em Chipre: comparação dos resultados de MRSP e MRSA	Investigar a existência e a frequência de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> em cães e gatos com piodermite e otite externa.	Primeiro estudo a pesquisar MRSP em cães e gatos em Chipre, foram identificadas 3 cepas de MRSP dentre 100 amostras.
A136	Fessler, AT; Scholtzek, AD; Schug, AR; Kohn, B; Weingart, C; Schink, AK; Bethe, A; Luebke-Becker, A; Schwarz, S	Resistência a antimicrobianos e biocidas entre <i>Staphylococcus aureus</i> felino e canino e <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> isolados de submissões diagnósticas	Avaliar isolados S. <i>pseudintermedius</i> caninos para suscetibilidade e os genes de resistência correspondentes.	A resistência à penicilina via <i>blaZ</i> foi dominante (76,7 e 90,9%). 25,4% resistentes à metilina e carregava os genes <i>mecA</i> ou <i>mecC</i> . 27,2% resistentes a macrolídeos, genes <i>erm</i> (A), <i>erm</i> (B), <i>erm</i> (C), <i>erm</i> (T) ou <i>msr</i> (A). 21,1% resistentes à

				fluoroquinolona. 9,3% resistentes à tetraciclina via <i>tet</i> (K) e/ou <i>tet</i> (M).
A147	Maksimovic, Z; Dizdarevic, J; Babic, S; Rifatbegovic, M	Resistência antimicrobiana em estafilococos coagulase positiva isolados de vários animais na Bósnia e Herzegovina	Comparar os perfis de resistência antimicrobiana de isolados de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> e <i>Staphylococcus aureus</i> de diferentes animais.	25 isolados resistentes à oxacilina, dos quais 21 <i>mecA</i> -positivos e multirresistentes (MDR). Entre os 61 isolados de <i>S. pseudintermedius</i> suscetíveis à metilina ,18 eram MDR. A maioria dos isolados de <i>S. aureus</i> foi resistente à penicilina (50,8%). A resistência à cefoxitina foi detectada em dois isolados. MDR foi observado em seis isolados de <i>S. aureus</i> .
A169	Papic, B; Golob, M; Zdovc, I; Kusar, D; Avbersek, J	Insights genômicos sobre o surgimento e disseminação de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> resistente à metilina em clínicas veterinárias	MRSP de cães, gato e do ambiente submetidos a sequenciamento do genoma completo (WGS) e testes de suscetibilidade antimicrobiana.	43 isolados de MRSP de cães, e do ambiente de clínica. Cinco tipos de sequência (STs) foram identificados, com ST71 (32/43) e ST551 (8/43) sendo os predominantes.

A174	Rynhoud, H; Forde, BM; Beatson, SA; Abraham, S; Meler, E; Magalhaes, RJS; Gibson, JS	Epidemiologia molecular de isolados clínicos e colonizadores de <i>Staphylococcus</i> resistentes à meticilina em animais de companhia	Investigar a epidemiologia molecular de isolados e colonizadores de MRSA e MRSP de cães e gato.	ST496 e ST749 foram os tipos de sequência mais comumente isolados com diferentes tipos de SCCmec.
A186	Nakaminami, H; Okamura, Y; Tanaka, S; Wajima, T; Murayama, N; Noguchi, N	Prevalência de estafilococos resistentes a antimicrobianos em narinas e locais afetados de cães de estimação com pioderma superficial	Avaliar a prevalência de estafilococos resistentes a antimicrobianos em narinas e locais afetados de cães de estimação com piodermite superficial.	A prevalência de MRSP (18/57 cepas, 31,6%) nas narinas foi equivalente àquela em locais de pioderma (28/82 cepas, 34,1%).
A230	Lee, GY; Yang, SJ	Avaliação comparativa de correlatos genotípicos e fenotípicos de cepas de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> isoladas de cães com otite externa e cães saudáveis	Análise comparativa de genótipos, resistência à meticilina e tipos SCCmec, resistência a múltiplos fármacos (MDR), formação de biofilme e suscetibilidade à catelicidina canina.	Quase todas as cepas resistentes à meticilina (>95%) abrigavam SCCmec V e apresentavam MDR.

A237	Kang, JH; Hwang, CY	Primeira detecção de elementos do tipo pRE25 multirresistentes de <i>Enterococcus spp.</i> em <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> isolado de pioderma canino	Detecção de elementos semelhantes ao pRE25 multirresistentes no DNA cromossômico do MRSP.	52,2% dos isolados de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> multirresistentes foram positivos para elementos semelhantes a pRE25.
A241	Troscianczyk, A; Nowakiewicz, A; Gnat, S; Wójcik, M; Wdowiak-Wróbel, S; Kalita, M	Contaminação do ambiente urbano com excrementos de animais de companhia como fonte subestimada de espécies de <i>Staphylococcus</i> que representam uma ameaça à saúde pública	Avaliar a incidência, resistência, virulência e características genóticas de <i>Staphylococcus spp.</i> residentes no trato gastrointestinal de cães e gatos.	O gene <i>mecA</i> foi detectado em 45% das cepas de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> resistentes à oxacilina. A análise de tipagem de sequência multilocus classificou as cepas como ST71, ST890 e ST1047.
A258	Menandro, ML; Dotto, G; Mondin, A; Martini, M; Ceglie, L; Pasotto, D	Prevalência e caracterização de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> resistente à metilina de animais de companhia sintomáticos no norte da Itália: diversidade clonal e novos tipos de sequência	Avaliar a prevalência, a diversidade genotípica e as características de resistência de isolados de MRSP caninos e felinos.	Alta prevalência de isolados de MRSP (31,6%). Clone mais frequente foi o ST71-SCC <i>mectipo</i> II-III.

A265	Kizerwetter-Swida, M; Chrobak-Chmiel, D; Rzewuska, M	Alto nível de resistência à mupirocina em estafilococos resistentes à meticilina isolados de cães e gatos	Avaliar a resistência à mupirocina em isolados.	De 140 isolados de estafilococos resistentes à meticilina de cães e gatos, três apresentaram resistência de alto nível à mupirocina.
A270	Krapf, M; Müller, E; Reissig, A; Slickers, P; Braun, SD; Müller, E; Ehricht, R; Monecke, S	Caracterização molecular de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> resistente à meticilina de cães e descrição de seus elementos SCCmec	Caracterizar isolados de MRSP para avaliar a abundância de genes de resistência e elementos SCCmec.	Todos os isolados abrigavam <i>mecA</i> e <i>blaZ</i> . Outros marcadores (>80%) incluíam <i>aacA-aphD</i> , <i>aphA3</i> e <i>sat</i> , bem como <i>erm(B)</i> .
A326	Loiacono, M; Martino, PA; Albonico, F; Dell'Orco, F; Ferretti, M; Zanzani, S; Mortarino, M	Análise de fusão de alta resolução das mutações do códon 84 e do códon 80 do <i>gyrA</i> que conferem resistência às fluoroquinolonas em isolados de <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> de amostras clínicas caninas	Analisar de fusão de alta resolução em isolados com suscetibilidade conhecida à fluoroquinolona e status de mutação do códon 84 <i>gyrA</i> e do códon 80 <i>grlA</i> .	Confirmou relatos anteriores de que o principal sítio de mutação associado à resistência à fluoroquinolona em <i>S. pseudintermedius</i> está localizado na posição 251 (Ser84Leu) de <i>gyrA</i> .

A335	Qekwana, DN; Oguttu, JW; Sithole, F; Odoi, A	Padrões e preditores de resistência antimicrobiana entre <i>Staphylococcus spp.</i> de casos clínicos caninos apresentados em um hospital veterinário acadêmico na África do Sul	Investigar padrões e preditores de resistência entre isolados de <i>Staphylococcus spp.</i> de amostras caninas.	98% dos isolados <i>S. aureus</i> eram resistentes a pelo menos um medicamento, enquanto 43% multirresistentes. 67% dos isolados de <i>S. pseudintermedius</i> eram resistentes a pelo menos um medicamento e 26% multirresistentes.
A347	Fungwithaya, P; Brikshavana, P; Chanchaithong, P; Prapasarakul, N	Distribuição de estafilococos coagulase positiva resistentes à meticilina em unidade cirúrgica e locais de operação de cistotomia em hospital veterinário universitário	Investigar a disseminação de estafilococos coagulase-positivos resistentes à meticilina entre a equipe veterinária, locais e tecido cirúrgico de cistotomia em cães e gatos.	MRSP foi encontrado na sala de cirurgia, em 3 cães durante a cirurgia, e um MRSA em um gato.
A363	Kasai, T; Saegusa, S; Shirai, M; Murakami, M; Kato, Y	Novas categorias designadas como <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> resistente à meticilina associada aos cuidados de saúde e à comunidade em cães	Associar características microbiológicas e clínicas de MRSP.	69,1% cepas identificadas como MRSP <i>mecA</i> -positivas, classificadas principalmente em dois genótipos: SCC <i>mec</i> tipos III (II-III) (52,8%) e V (37,4%).

A375	Bell, AG; Coombs, GW; Cater, B; Douglass, C	Primeiro relato de um <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> multirresistente mecA positivo isolado de um cão na Nova Zelândia	Relatar primeiro caso de piodermite canina envolvendo <i>S. pseudintermedius</i> multiresistente à meticilina.	Isolado resistente a vários antimicrobianos, incluindo oxacilina, com presença do gene <i>mecA</i> que confere resistência a antimicrobianos β -lactâmicos.
------	---	--	--	---

Fonte: Autor.

Ao total obtivemos 27 (vinte e sete) artigos, o ano de publicação e o número de artigos por ano são: 2024 (01), 2023 (07), 2022 (05), 2021 (03), 2020 (03), 2019 (03), 2017 (03) e 2016 (02).

Sabe-se que o *S. pseudintermedius* é um residente conhecido de pele e mucosas de animais, mas também patógeno oportunista e zoonótico com potencial de colonizar humanos e causar doenças graves, especialmente em hospedeiros imunocomprometidos.

A maior parte dos artigos se referem a isolamento, identificação de resistências e genes de resistências a múltiplos fármacos em amostras clínicas animais de *Staphylococcus pseudintermedius* resistente à meticilina (MRSP).

Nas amostras MRSP, os pesquisadores identificaram elevada resistência fenotípica e resistência mediadas por genes, devido à aquisição do SCC *mec*, que carrega o gene *mecA*, este o mais relatado, conferindo resistência à meticilina pela codificação da proteína (PBP2a) que tem baixa afinidade por antimicrobianos β -lactâmicos, ademais este cassete também pode transportar outros genes de resistência e outros elementos genéticos móveis levando a padrões de resistência a múltiplos fármacos (MDR), como relatado nos estudos. Ademais, o clone ST71 foi o mais presente.

Como sugestão para pesquisas futuras, a inclusão de palavras-chave envolvendo amostras de fontes mais abrangentes, dentre elas ambientais, podem nortear novas oportunidades de pesquisa. Adicionalmente, a inclusão de outros bancos de dados e documentos científicos podem enriquecer os dados levantados no estudo.

Logo, nota-se na comunidade científica mundial preocupação iminente quanto a disseminação dos MRSP entre os animais de companhia, humanos e meio ambiente, visto o aumento dos trabalhos nos últimos anos relatando clones multirresistentes nas diversas regiões do globo.

6. CONCLUSÃO

Foi constatada a presença de vários trabalhos recentes publicados abordando a resistência antimicrobiana em amostras de animais de estimação, principalmente os cães e gatos domésticos.

Esta pesquisa indica que a produção recente de artigos relacionados ao tema está concentrada principalmente nas regiões dos EUA, China, Japão e no Brasil, demonstrando serem regiões promissoras quanto a estudos relacionados a abordagem *One health* e identificação de patógenos potencialmente causadores de doenças tanto em humanos quanto em animais, principalmente cães e gatos, contactantes mais comuns.

Os artigos com ênfase em detecção de *Staphylococcus pseudintermedius* resistente a metilina (MRSP) em animais de companhia, com isolamento dos clones multirresistentes estão atualmente em voga, com maior prevalência nos últimos três anos. Sendo, essa temática sugestiva para novas pesquisas no campo da resistência antimicrobiana, principalmente estudos genômicos de novas cepas de *Staphylococcus pseudintermedius*.

Os artigos incluídos na coleção estão em maior exposição para a comunidade acadêmica, uma vez que foram publicados em periódicos com um importante fator de impacto, indexados em um dos maiores bancos de dados científicos, o *Web of Science*.

Os pesquisadores têm um grande desafio na busca de soluções para um problema de saúde pública mundial, a multirresistência de microrganismos aos antimicrobianos, somatizadas a complexa interconexão entre seres humanos, os animais e o meio ambiente.

A comunicação entre a comunidade científica é importante para a difusão dos estudos, e a análise cienciométrica tem como objetivo realizar essa função quantitativamente e sistematicamente gerando dados de qualidade para compreender do atual cenário e galgar futuras pesquisas.

REFERÊNCIAS

- ABINPET. Mercado pet Brasil. Associação Brasileira da Indústria de Produtos para Animais de Estimação - ABINPET, [S. l.], p. 1–4, 2020.
- ABUSHAHEEN, Manar Ali et al. Antimicrobial resistance, mechanisms and its clinical significance. *Disease-a-Month*, [S. l.], v. 66, n. 6, p. 100971, 2020. DOI: 10.1016/j.disamonth.2020.100971.
- AHMAD, N.; JOJI, R. M.; SHAHID, M. Evolution and implementation of *One Health* to control the dissemination of antibiotic-resistant bacteria and resistance genes: A review. *Frontiers in cellular and infection microbiology*, v. 12, 16 jan. 2023.
- ANYANWU, Madubuike Umunna; JAJA, Ishmael Festus; NWOBI, Obichukwu Chisom. Occurrence and Characteristics of Mobile Colistin Resistance (mcr) Gene-Containing Isolates from the Environment: A Review. *International Journal of Environmental Research and Public Health*, [S. l.], v. 17, n. 1028, p. 1–38, 2020. DOI: 10.3390/ijerph17031028.
- Aria, M., & Cuccurullo, C. (2017). bibliometrix: An R-tool for comprehensive science mapping analysis. *Journal of Informetrics* 11(4), 959-975.
- ARIA, Massimo; CUCCURULLO, Corrado. Bibliometrix: an r-tool for comprehensive science mapping analysis. *Journal Of Informetrics*, [S.L.], v. 11, n. 4, p. 959-975, nov. 2017. Elsevier BV. <http://dx.doi.org/10.1016/j.joi.2017.08.007>.
- ARIA, Massimo; MISURACA, Michelangelo; SPANO, Maria. Mapping the Evolution of Social Research and Data Science on 30 Years of Social Indicators Research. *Social Indicators Research*, [S.L.], v. 149, n. 3, p. 803-831, 4 fev. 2020. Springer Science and Business Media LLC. <http://dx.doi.org/10.1007/s11205-020-02281-3>.
- ASLAM, B. et al. Antibiotic Resistance: One Health One World Outlook. *Frontiers in cellular and infection microbiology*, v. 11, 25 nov. 2021.
- ASOKAN, Govindaraj V.; RAMADHAN, Tufoof; AHMED, Eman; SANAD, Hala. WHO global priority pathogens list: A bibliometric analysis of medline-pubmed for knowledge mobilization to infection prevention and control practices in Bahrain. *Oman Medical Journal*, [S. l.], v. 34, n. 3, p. 184–193, 2019. DOI: 10.5001/omj.2019.37.

ASSONI, Lucas et al. Resistance Mechanisms to Antimicrobial Peptides in Gram-Positive Bacteria. *Frontiers In Microbiology*, [S.L.], v. 11, p. 1-20, 21 out. 2020. Frontiers Media SA. <http://dx.doi.org/10.3389/fmicb.2020.593215>.

BARATTO, César Milton; MEGIOLARO, Fernanda. Comparação de diferentes protocolos de extração de DNA de bactérias para utilização em RAPD-PCR. *Unoesc & Ciência - ACET*, [S. l.], v. 3, n. 1, p. 121–130, 2013.

BARROS, Lucas Guimarães; LANGHI, Rodolfo. UM ESTUDO CIENCIOMÉTRICO DA PESQUISA EM ENSINO DE CIÊNCIAS EM ESPAÇOS NÃO FORMAIS EM PERIÓDICOS NACIONAIS DA ÁREA DE ENSINO (2008 – 2019). *Investigações em Ensino de Ciências*, [S.L.], v. 28, n. 2, p. 36-64, 5 set. 2023. *Investigações em Ensino de Ciências (IENCI)*. <http://dx.doi.org/10.22600/1518-8795.ienci2023v28n2p36>.

BECKER, Karsten et al. Plasmid-Encoded Transferable *mecB* -Mediated Methicillin Resistance in *Staphylococcus aureus*. *Emerging Infectious Diseases*, [S. l.], v. 24, n. 2, p. 242–248, 2018.

BHAT, Aashaq Hussain. Bacterial zoonoses transmitted by household pets and as reservoirs of antimicrobial resistant bacteria. *Microbial Pathogenesis*, [S.L.], v. 155, p. 104891, jun. 2021. Elsevier BV. <http://dx.doi.org/10.1016/j.micpath.2021.104891>.

BHOOSHAN, Suneel; NEGI, Vikrant; KHATRI, Prabhat K.. *Staphylococcus pseudintermedius*: an undocumented, emerging pathogen in humans. *Gms Hygiene And Infection Control*; 15: Doc32, [S.L.], v. 0, n. 0, p. 0-0, 2 dez. 2020. German Medical Science GMS Publishing House. <http://dx.doi.org/10.3205/DGKH000367>

BLONDEAU, Leah D et al. Zoonotic *Staphylococcus Pseudintermedius*: an underestimated human pathogen?. *Future Microbiology*, [S.L.], v. 18, n. 6, p. 311-315, abr. 2023. Informa UK Limited. <http://dx.doi.org/10.2217/fmb-2023-0069>.

BOND, R.; LOEFFLER, A. What's happened to *Staphylococcus intermedius*? Taxonomic revision and emergence of multi-drug resistance. *Journal of Small Animal Practice*, [S. l.], v. 53, n. 3, p. 147–154, 2012. DOI: 10.1111/j.1748-5827.2011.01165.x.

BORTOLAMI, Alessio et al. Environmental surveillance identifies multiple introductions of MRSA CC398 in an Equine Veterinary Hospital in the UK, 2011-2016. *Scientific Reports*, [S. l.], v. 7, n. 1, p. 1–9, 2017. DOI: 10.1038/s41598-017-05559-8.

BOSWIHI, Samar S.; UDO, Edet E. Methicillin-resistant *Staphylococcus aureus*: An update on the epidemiology, treatment options and infection control. *Current Medicine Research and Practice*, [S. I.], v. 8, n. 1, p. 18–24, 2018. DOI: 10.1016/j.cmrp.2018.01.001.

BUSH, K.; BRADFORD, P. A. Epidemiology of β -lactamase-producing pathogens. *Clinical Microbiology Reviews*, v. 33, n. 2, 1 abr. 2020.

BÜYÜKKIDIK, Serap. A Bibliometric Analysis: a tutorial for the bibliometrix package in r using irt literature. *Eğitimde Ve Psikolojide Ölçme Ve Değerlendirme Dergisi*, [S.L.], v. 13, n. 3, p. 164-193, 30 set. 2022. *Egitimde ve Psikolojide Olcme ve Degerlendirme Dergisi*. <http://dx.doi.org/10.21031/epod.1069307>.

CAMARGO, I. L. B. C.; ZANELLA, R. C.; GILMORE, M. S.; DARINI, A. L. C. Virulence Factors in Vancomycin-Resistant and Vancomycin- Susceptible. *Brazilian Journal of Microbiology*, [S. I.], v. 39, p. 273–278, 2008.

CDC. Center for Disease Control and Prevention. Antibiotic resistance threats in the United States, 2013., [S. I.], p. 1–114, 2013. DOI: CS239559-B.

CDC. Center for Disease Control and Prevention. Saving Lives By Taking a One Health Approach Center for Disease Control and Prevention. 2020.

CHAÏBI, Khalil et al. What to Do with the New Antibiotics? *Antibiotics*, [S.L.], v. 12, n. 4, p. 654, 27 mar. 2023. MDPI AG. <http://dx.doi.org/10.3390/antibiotics12040654>

CHELLAPPANDI, P; VIJAYAKUMAR, C s. Bibliometrics, Scientometrics, Webometrics/ Cybermetrics, Informetrics and Altmetrics - An Emerging Field in Library and Information Science Research. *Zenodo*, [S.L.], v. 7, n. 1, p. 5-8, 31 dez. 2018. *Zenodo*. <http://dx.doi.org/10.5281/ZENODO.2529398>.

CHEUNG, Gordon Y. C.; BAE, Justin S.; OTTO, Michael. Pathogenicity and virulence of *Staphylococcus aureus*. *Virulence*, [S.L.], v. 12, n. 1, p. 547-569, 31 jan. 2021. Informa UK Limited. <http://dx.doi.org/10.1080/21505594.2021.1878688>.

COLLIGNON, P. J.; MCEWEN, S. A. One Health-Its Importance in Helping to Better Control Antimicrobial Resistance. *Tropical medicine and infectious disease*, v. 4, n. 1, 2019.

CUNNINGHAM, Andrew A.; DASZAK, Peter; WOOD, James L. N. One health, emerging infectious diseases and wildlife: Two decades of progress? *Philosophical*

Transactions of the Royal Society B: Biological Sciences, [S. I.], v. 372, p. 1–8, 2017. DOI: 10.1098/rstb.2016.0167.

DALLA COSTA, L. M. et al. Vancomycin-Resistant *Enterococcus faecium*: First Case in Brazil. *Brazilian Journal of Infectious Diseases*, [S. I.], v. 2, n. 3, p. 160–163, 1998.

DALTON, Kathryn R.; ROCK, Clare; CARROLL, Karen C.; DAVIS, Meghan F. One Health in hospitals: How understanding the dynamics of people, animals, and the hospital built-environment can be used to better inform interventions for antimicrobial-resistant gram-positive infections. *Antimicrobial Resistance and Infection Control*, [S. I.], v. 9, n. 1, p. 1–17, 2020. DOI: 10.1186/s13756-020-00737-2.

DAMBORG, P. et al. Bacterial Zoonoses Transmitted by Household Pets: State-of-the-Art and Future Perspectives for Targeted Research and Policy Actions. *Journal of Comparative Pathology*, [S. I.], v. 155, n. 1, p. S27–S40, 2016. DOI: 10.1016/j.jcpa.2015.03.004

DE OLIVEIRA, D. M. P. et al. Antimicrobial Resistance in ESKAPE Pathogens. *Clinical microbiology reviews*, v. 33, n. 3, 2020.

DOS SANTOS, P. H. Cooperação na gestão da cadeia de suprimentos: uma análise bibliométrica utilizando o biblioshiny. *Gestão Contemporânea*, v. 10, n. 1, p. 100-128, 2020.

EWERS, C. et al. CTX-M-15-D-ST648 *Escherichia coli* from companion animals and horses: another pandemic clone combining multiresistance and extraintestinal virulence?. *Journal Of Antimicrobial Chemotherapy*, [S.L.], v. 69, n. 5, p. 1224-1230, 6 jan. 2014. Oxford University Press (OUP). <http://dx.doi.org/10.1093/jac/dkt516>.

FÀBREGAS, Norma et al. Diverse Populations of *Staphylococcus pseudintermedius* Colonize the Skin of Healthy Dogs. *Microbiology Spectrum*, [S.L.], v. 11, n. 2, p. 1-3, 13 abr. 2023. American Society for Microbiology. <http://dx.doi.org/10.1128/spectrum.03393-22>.

FONSECA, Reuber da Silva. LIMA, Gercina Ângela de. Impactos da coautoria internacional sobre a produção científica e tecnológica: um estudo em instituições internacionais e brasileiras vinculadas à biblioteconomia e ciência da informação. *Revista Científica Multidisciplinar Núcleo do Conhecimento*. Ano. 08, Ed. 01, Vol. 03, pp. 96-110. Janeiro de 2023.

GALES, Ana C. et al. Antimicrobial susceptibility of gram-positive bacteria isolated in Brazilian hospitals participating in the SENTRY program (2005-2008). *Brazilian Journal of Infectious Diseases*, [S. l.], v. 13, n. 2, p. 90–98, 2009. DOI: 10.1590/S1413-86702009000200004.

GARCÍA-ÁLVAREZ, Laura et al. Methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* with a novel *mecA* homologue in human and bovine populations in the UK and Denmark: A descriptive study. *The Lancet Infectious Diseases*, [S. l.], v. 11, n. 8, p. 595–603, 2011. DOI: 10.1016/S1473-3099(11)70126-8.

GLAJZNER, Paulina; SZEWCZYK, Eligia M.; SZEMRAJ, Magdalena. Pathogenic potential and antimicrobial resistance of *Staphylococcus pseudintermedius* isolated from human and animals. *Folia Microbiologica*, [S.L.], v. 68, n. 2, p. 231-243, 12 out. 2022. Springer Science and Business Media LLC. <http://dx.doi.org/10.1007/s12223-022-01007-x>.

GUZMAN PRIETO, Ana M. et al. Global emergence and dissemination of enterococci as nosocomial pathogens: Attack of the clones? *Frontiers in Microbiology*, [S. l.], v. 7, p. 1–15, 2016. DOI: 10.3389/fmicb.2016.00788.

HARADA, Kazuki et al. Phenotypic and Molecular Characterization of Antimicrobial Resistance in *Klebsiella* spp. Isolates from Companion Animals in Japan: clonal dissemination of multidrug-resistant extended-spectrum β -lactamase-producing *klebsiella pneumoniae*. *Frontiers In Microbiology*, [S.L.], v. 7, p. 0-0, 29 jun. 2016. Frontiers Media SA. <http://dx.doi.org/10.3389/fmicb.2016.01021>.

HAYASHI, Hidenori et al. Molecular analysis of jejunal, ileal, caecal and rectosigmoidal human colonic microbiota using 16S rRNA gene libraries and terminal restriction fragment length polymorphism. *Journal of Medical Microbiology*, [S. l.], v. 54, n. 11, p. 1093–1101, 2005. DOI: 10.1099/jmm.0.45935-0.

HERNANDO-AMADO, S. et al. Defining and combating antibiotic resistance from One Health and Global Health perspectives. *Nature microbiology*, v. 4, n. 9, p. 1432–1442, 1 set. 2019.

HOEFER, Andreas et al. Methicillin-Resistant and Methicillin-Susceptible *Staphylococcus* from Vervet Monkeys (*Chlorocebus sabaeus*) in Saint Kitts. *Antibiotics*, [S. l.], v. 10, n. 3, p. 290, 2021. DOI: 10.3390/antibiotics10030290.

HOFFMANN, Ruben; LAGERKVIST, Carl Johan; HAGBERG GUSTAVSSON, Malin; HOLST, Bodil S. An empirical examination of the conceptualization of companion animals. *BMC Psychology*, [S. l.], v. 6, n. 1, p. 1–13, 2018. DOI: 10.1186/s40359-018-0228-1.

HOWDEN, Benjamin P. et al. *Staphylococcus aureus* host interactions and adaptation. *Nature Reviews Microbiology*, [S.L.], v. 21, n. 6, p. 380-395, 27 jan. 2023. Springer Science and Business Media LLC. <http://dx.doi.org/10.1038/s41579-023-00852-y>.

IBGE. INSTITUTO BRASILEIRO DE GEOGRAFIA E ESTATÍSTICA - Pesquisa Nacional de Saúde - PNS, 2019.

JIN, Mu et al. Evidence for the transmission of antimicrobial resistant bacteria between humans and companion animals: a scoping review. *One Health*, [S.L.], v. 17, p. 100593, dez. 2023. Elsevier BV. <http://dx.doi.org/10.1016/j.onehlt.2023.100593>.

JOOSTEN, Philip et al. Antimicrobial Usage and Resistance in Companion Animals: a cross-sectional study in three european countries. *Antibiotics*, [S.L.], v. 9, n. 2, p. 87, 16 fev. 2020. MDPI AG. <http://dx.doi.org/10.3390/antibiotics9020087>.

KASELA, Martyna et al. The Epidemiology of Animal-Associated Methicillin-Resistant *Staphylococcus aureus*. *Antibiotics*, [S.L.], v. 12, n. 6, p. 1079, 20 jun. 2023. MDPI AG. <http://dx.doi.org/10.3390/antibiotics12061079>.

KIM, Dae-Wi; CHA, Chang-Jun. Antibiotic resistome from the One-Health perspective: understanding and controlling antimicrobial resistance transmission. *Experimental & Molecular Medicine*, [S.L.], v. 53, n. 3, p. 301-309, mar. 2021. Springer Science and Business Media LLC. <http://dx.doi.org/10.1038/s12276-021-00569-z>.

LEE, Andie S. et al. Methicillin-resistant *Staphylococcus aureus*. *Nature Reviews Disease Primers*, [S. l.], v. 4, n. May, p. 1–23, 2018. a. DOI: 10.1038/nrdp.2018.33.

LEE, Jean Y. H. et al. Global spread of three multidrug-resistant lineages of *Staphylococcus epidermidis*. *Nature Microbiology*, [S. l.], v. 3, p. 1–15, 2018. b. DOI: 10.1038/s41564-018-0230-7.

LEONG, Kelvin W. C. et al. Emergence of Vancomycin-Resistant *Enterococcus faecium* at an Australian Hospital: A Whole Genome Sequencing Analysis. *Scientific Reports*, [S. l.], v. 8, n. 1, p. 6274, 2018. DOI: 10.1038/s41598-018-24614-6.

LI, Jiyun et al. Inter-host Transmission of Carbapenemase-Producing *Escherichia coli* among Humans and Backyard Animals. *Environmental Health Perspectives*, [S.L.], v. 127, n. 10, p. 0-0, out. 2019. *Environmental Health Perspectives*. <http://dx.doi.org/10.1289/ehp5251>.

LIMA, Felicson Leonardo Oliveira; ALMEIDA, Patrícia Carneiro; OLIVEIRA, Guilherme Antônio de Lopes. *Enterococcus spp.* resistant to vancomycin and its spread in infections in the hospital environment. *Research, Society and Development*, [S. I.], v. 9, n. 8, p. 1–15, 2020.

LIU, Zhi-Lin et al. Progress in the application of *Enterococcus faecium* in animal husbandry. *Frontiers In Cellular And Infection Microbiology*, [S.L.], v. 13, p. 1-10, 28 jul. 2023. *Frontiers Media SA*. <http://dx.doi.org/10.3389/fcimb.2023.1168189>.

MACFADYEN, Alison C. et al. Genome analysis of methicillin resistance in *Micrococcus caseolyticus* from dairy cattle in England and Wales. *Microbial genomics*, [S. I.], v. 4, n. 8, 2018. DOI: 10.1099/mgen.0.000191.

MACHADO JUNIOR, Celso et al. As Leis da Bibliometria em Diferentes Bases de Dados Científicos. *Revista de Ciências da Administração*, [S.L.], p. 111-123, 25 abr. 2016. Universidade Federal de Santa Catarina (UFSC). <http://dx.doi.org/10.5007/2175-8077.2016v18n44p111>.

MAHONY, Andrew A. et al. Vancomycin-resistant *Enterococcus faecium* sequence type 796 - rapid international dissemination of a new epidemic clone. *Antimicrobial Resistance and Infection Control*, [S. I.], v. 7, n. 1, p. 1–9, 2018. DOI: 10.1186/s13756-018-0335-z.

MANCUSO, Giuseppe et al. Bacterial Antibiotic Resistance: the most critical pathogens. *Pathogens*, [S.L.], v. 10, n. 10, p. 1310, 12 out. 2021. MDPI AG. <http://dx.doi.org/10.3390/pathogens10101310>.

MARCO-FUERTE, Ana et al. Multidrug-Resistant Commensal and Infection-Causing *Staphylococcus spp.* Isolated from Companion Animals in the Valencia Region. *Veterinary Sciences*, [S.L.], v. 11, n. 2, p. 54, 26 jan. 2024. MDPI AG. <http://dx.doi.org/10.3390/vetsci11020054>.

MARQUES, Cátia et al. European multicenter study on antimicrobial resistance in bacteria isolated from companion animal urinary tract infections. *Bmc Veterinary*

Research, [S.L.], v. 12, n. 1, p. 0-0, 22 set. 2016. Springer Science and Business Media LLC. <http://dx.doi.org/10.1186/s12917-016-0840-3>.

MARQUES, Cátia et al. Increase in antimicrobial resistance and emergence of major international high-risk clonal lineages in dogs and cats with urinary tract infection: 16 year retrospective study. *Journal Of Antimicrobial Chemotherapy*, [S.L.], v. 73, n. 2, p. 377-384, 9 nov. 2017. Oxford University Press (OUP). <http://dx.doi.org/10.1093/jac/dkx401>.

MARQUES, Cátia et al. *Klebsiella pneumoniae* causing urinary tract infections in companion animals and humans: population structure, antimicrobial resistance and virulence genes. *Journal Of Antimicrobial Chemotherapy*, [S.L.], v. 74, n. 3, p. 594-602, 10 dez. 2018. Oxford University Press (OUP). <http://dx.doi.org/10.1093/jac/dky499>.

MARCHETTI, Laura; BULDAIN, Daniel; GORTARI CASTILLO, Lihuel; BUCHAMER, Andrea; CHIRINO-TREJO, Manuel; MESTORINO, Nora. Pet and Stray Dogs as Reservoirs of Antimicrobial-Resistant *Escherichia coli*. *International Journal of Microbiology*, n.1, v. 2021, p. 1–8, 2021. DOI: 10.1155/2021/6664557.

MENANDRO, Maria Luisa et al. Prevalence and characterization of methicillin-resistant *Staphylococcus pseudintermedius* from symptomatic companion animals in Northern Italy: clonal diversity and novel sequence types. *Comparative Immunology, Microbiology And Infectious Diseases*, [S.L.], v. 66, p. 101331, out. 2019. Elsevier BV. <http://dx.doi.org/10.1016/j.cimid.2019.101331>.

MINGERS, John; LEYDESDORFF, Loet. A review of theory and practice in scientometrics. *European Journal Of Operational Research*, [S.L.], v. 246, n. 1, p. 1-19, out. 2015. Elsevier BV. <http://dx.doi.org/10.1016/j.ejor.2015.04.002>.

MOHER, David et al. Preferred reporting items for systematic reviews and meta-analyses: the prisma statement. *International Journal Of Surgery*, [S.L.], v. 8, n. 5, p. 336-341, 2010. Ovid Technologies (Wolters Kluwer Health). <http://dx.doi.org/10.1016/j.ijsu.2010.02.007>.

MORAIS, Catarina et al. Genetic diversity and antimicrobial resistance profiles of *Staphylococcus pseudintermedius* associated with skin and soft-tissue infections in companion animals in Lisbon, Portugal. *Frontiers In Microbiology*, [S.L.], v. 14, n. 1, p. 1-10, 17 abr. 2023. Frontiers Media SA. <http://dx.doi.org/10.3389/fmicb.2023.1167834>.

MOSES, Ikechukwu Benjamin; SANTOS, Fernanda Fernandes; GALES, Ana Cristina. Human Colonization and Infection by *Staphylococcus pseudintermedius*: an emerging and underestimated zoonotic pathogen. *Microorganisms*, [S.L.], v. 11, n. 3, p. 581, 25 fev. 2023. MDPI AG. <http://dx.doi.org/10.3390/microorganisms11030581>.

MUNTEAN, M. et al. Phenotypic and genotypic detection methods for antimicrobial resistance in ESKAPE pathogens (Review). *Experimental and therapeutic medicine*, v. 24, n. 2, 9 jun. 2022.

NADEEM, S. F. et al. Antimicrobial resistance: more than 70 years of war between humans and bacteria. *Critical reviews in microbiology*, v. 46, n. 5, p. 578–599, 2 set. 2020.

OLIVEIRA, Adriana Cristina; BETTCHER, Ledna. Aspectos epidemiológicos da ocorrência do *Enterococcus* resistente a Vancomicina. *Revista da Escola de Enfermagem da Usp*, [S.L.], v. 44, n. 3, p. 725-731, set. 2010. FapUNIFESP (SciELO). <http://dx.doi.org/10.1590/s0080-62342010000300025>.

OLIVEIRA, David M. P. et al. Antimicrobial resistance in ESKAPE pathogens. *Clinical Microbiology Reviews*, [S. I.], v. 33, n. 3, p. 1–49, 2020. DOI: 10.1128/CMR.00181-19.

OLIVEIRA, Edivaldo Herculano Corrêa de. Redes de colaboração em pesquisa e intercâmbio de conhecimento científico. *Revista Pan-Amazônica de Saúde*, [S.L.], v. 9, n. 4, p. 9-11, jun. 2018. Instituto Evandro Chagas. <http://dx.doi.org/10.5123/s2176-62232018000400001>.

OLIVEIRA, Eduardo A. et al. Global scientific production in the pré-covid-19 Era: an analysis of 53 countries for 22 years. *Anais da Academia Brasileira de Ciências*, [S.L.], v. 94, n. 3, p. 1-11, 2022. FapUNIFESP (SciELO). <http://dx.doi.org/10.1590/0001-3765202220201428>.

OVERGAAUW, Paul A. M. et al. A one health perspective on the human-companion animal relationship with emphasis on zoonotic aspects. *International Journal of Environmental Research and Public Health*, [S. I.], v. 17, n. 11, p. 1–29, 2020. DOI: 10.3390/ijerph171113789.

PAGE, M. J. et al. The PRISMA 2020 statement: an updated guideline for reporting systematic reviews. *BMJ*, 372, n. 71, p. 1-9, 2021. DOI: <http://dx.doi.org/10.1136/bmj.n71>.

PAGE, Matthew J. et al. A declaração PRISMA 2020: diretriz atualizada para relatar revisões sistemáticas. *Epidemiol. Serv. Saúde, Brasília*, v. 31, n. 2, e2022107, 2022. Disponível em <http://scielo.iec.gov.br/scielo.php?script=sci_arttext&pid=S1679-49742022000201700&lng=pt&nrm=iso>. acessos em 11 jun. 2023. Epub 13-Jul-2022. <http://dx.doi.org/10.1590/s1679-49742022000200033>.

PARRA, Maurício Rodrigues; COUTINHO, Renato Xavier; PESSANO, Edward Frederico Castro. UM BREVE OLHAR SOBRE A CIENCIOMETRIA: origem, evolução, tendências e sua contribuição para o ensino de ciências. *Revista Contexto & Educação*, [S.L.], v. 34, n. 107, p. 126-141, 28 mar. 2019. Editora Unijui. <http://dx.doi.org/10.21527/2179-1309.2019.107.126-141>.

PENNA, Bruno et al. Comparative genomics of MRSA strains from human and canine origins reveals similar virulence gene repertoire. *Scientific Reports*, [S. I.], v. 11, n. 1, p. 1–12, 2021. DOI: 10.1038/s41598-021-83993-5.

PENNA, Bruno *et al.* Detection of the international lineage ST71 of methicillin-resistant *Staphylococcus pseudintermedius* in two cities in Rio de Janeiro State. *Brazilian Journal Of Microbiology*, [S.L.], v. 53, n. 4, p. 2335-2341, 2 nov. 2022. Springer Science and Business Media LLC. <http://dx.doi.org/10.1007/s42770-022-00852-9>.

PHUMTHANAKORN, Nathita et al. Enterotoxin gene profile of methicillin-resistant *Staphylococcus pseudintermedius* isolates from dogs, humans and the environment. *Journal Of Medical Microbiology*, [S.L.], v. 67, n. 6, p. 866-873, 1 jun. 2018. Microbiology Society. <http://dx.doi.org/10.1099/jmm.0.000748>.

PREDA, Mădălina et al. Phenotypic and genotypic virulence features of Staphylococcal strains isolated from difficult-to-treat skin and soft tissue infections. *PLoS ONE*, [S. I.], v. 16, n. 2 February, p. 1–17, 2021. DOI: 10.1371/journal.pone.0246478.

PREEJA, Puthiya Purayil; KUMAR, Sanath H.; SHETTY, Veena. Prevalence and characterization of methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* from community-and hospital-associated infections: A tertiary care center study. *Antibiotics*, [S. I.], v. 10, n. 2, p. 1–10, 2021. DOI: 10.3390/antibiotics10020197.

PUCHTER, Laura et al. Economic burden of nosocomial infections caused by vancomycin-resistant Enterococci. *Antimicrobial Resistance & Infection Control*, [S. I.], v. 7, n. 1, p. 1, 2018. DOI: 10.1186/s13756-017-0291-z.

PULINGAM, Thiruchelvi et al. Antimicrobial resistance: prevalence, economic burden, mechanisms of resistance and strategies to overcome. *European Journal Of Pharmaceutical Sciences*, [S.L.], v. 170, p. 106103, mar. 2022. Elsevier BV. <http://dx.doi.org/10.1016/j.ejps.2021.106103>.

R, CORE, TEAM. 2003. R: A language and environment for statistical computing. An Introduction to R. Version 4.4.0. <https://www.r-project.org/>

RIACUTE;OS, Ana et al. Prevalence and Antimicrobial Resistance of *Staphylococcus* spp. isolated from the Environment and Veterinary personnel in a Spanish Veterinary Teaching Hospital. *Veterinary Research Forum*, [S.L.], v. 0, n. , p. 0-0, jun. 2024. Faculty of Veterinary Medicine, Urmia University. <http://dx.doi.org/10.30466/vrf.2024.2016107.4086>.

RIBEIRO, M.G. et al. *Trueperella pyogenes* multispecies infections in domestic animals: a retrospective study of 144 cases (2002 to 2012). *Veterinary Quarterly*, [S.L.], v. 35, n. 2, p. 82-87, 20 mar. 2015. Informa UK Limited. <http://dx.doi.org/10.1080/01652176.2015.1022667>.

ROBERTS, E. et al. Not just in man's best friend: a review of *staphylococcus pseudintermedius* host range and human zoonosis. *Research In Veterinary Science*, [S.L.], v. 174, p. 105305, jul. 2024. Elsevier BV. <http://dx.doi.org/10.1016/j.rvsc.2024.105305>.

ROSSI, Ciro César; PEREIRA, Monalessa Fábria; GIAMBIAGI-DEMARVAL, Marcia. Underrated *Staphylococcus* species and their role in antimicrobial resistance spreading. *Genetics and Molecular Biology*, [S. l.], v. 43, n. 1, p. 1–10, 2020. DOI: 10.1590/1678-4685-gmb-2019-0065.

ROSSI, F.. The Challenges of Antimicrobial Resistance in Brazil. *Clinical Infectious Diseases*, [S.L.], v. 52, n. 9, p. 1138-1143, 4 abr. 2011. Oxford University Press (OUP). <http://dx.doi.org/10.1093/cid/cir120>.

RYNHOUD, Hester *et al.* Molecular Epidemiology of Clinical and Colonizing Methicillin-Resistant *Staphylococcus* Isolates in Companion Animals. *Frontiers In Veterinary Science*, [S.L.], v. 8, p. 1-12, 23 abr. 2021. Frontiers Media SA. <http://dx.doi.org/10.3389/fvets.2021.620491>.

SACRAMENTO, Andrey G. et al. Changed epidemiology during intra and interhospital spread of high-risk clones of vanA-containing Enterococcus in Brazilian hospitals. *Diagnostic Microbiology and Infectious Disease*, [S. l.], v. 88, n. 4, p. 348–351, 2017. DOI: 10.1016/j.diagmicrobio.2017.05.008.

SALAM, Md. Abdus et al. Antimicrobial Resistance: a growing serious threat for global public health. *Healthcare*, [S.L.], v. 11, n. 13, p. 1946, 5 jul. 2023. MDPI AG. <http://dx.doi.org/10.3390/healthcare11131946>.

SCHNEEGANS, S.; LEWIS J.; STRAZA, T. Relatório de Ciências da UNESCO: A corrida contra o tempo por um desenvolvimento mais inteligente – Resumo executivo. Paris: UNESCO Publishing, 2021.

SENCZYNA, Fiona et al. Diverse Mechanisms of Resistance in Carbapenem-Resistant Enterobacteriaceae at a Health Care System in Silicon Valley, California. *bioRxiv*, [S. l.], p. 298513, 2018. DOI: 10.1101/298513.

SPAGNOLO, F.; TRUJILLO, M.; DENNEHY, J. J. Why Do Antibiotics Exist? *mBio*, v. 12, n. 6, 1 dez. 2021.

SPINAK, Ernesto. Indicadores Cienciométricos. *Ciência da Informação*, Brasília, v. 27, n.2, p. 141 – 148, maio/ago. 1998.

SREDNIK, Mariela E. *et al.* Genomic Features of Antimicrobial Resistance in *Staphylococcus pseudintermedius* Isolated from Dogs with Pyoderma in Argentina and the United States: a comparative study. *International Journal Of Molecular Sciences*, [S.L.], v. 24, n. 14, p. 11361, 12 jul. 2023. MDPI AG. <http://dx.doi.org/10.3390/ijms241411361>.

SZCZEPANSKA, Bernadeta et al. Prevalence and antimicrobial resistance of *Campylobacter jejuni* and *Campylobacter coli* isolated from children and environmental sources in urban and suburban areas. *Bmc Microbiology*, [S.L.], v. 17, n. 1, p. 0-0, 4 abr. 2017. Springer Science and Business Media LLC. <http://dx.doi.org/10.1186/s12866-017-0991-9>.

TABAH, Alexis; LAUPLAND, Kevin B.. Update on *Staphylococcus aureus* bacteraemia. *Current Opinion In Critical Care*, [S.L.], v. 28, n. 5, p. 495-504, 4 ago. 2022. Ovid Technologies (Wolters Kluwer Health). <http://dx.doi.org/10.1097/mcc.0000000000000974>.

TANG, Ka Wah Kelly; MILLAR, Beverley C.; MOORE, John E.. Antimicrobial Resistance (AMR). *British Journal Of Biomedical Science*, [S.L.], v. 80, p. 1-11, 28 jun. 2023. Frontiers Media SA. <http://dx.doi.org/10.3389/bjbs.2023.11387>.

TCHAMBA, Cyrille Ngassam et al. Comparison of the Staphylococcal chromosome cassette (Scc) mec in methicillin-resistant *Staphylococcus aureus* (mrsa) and non-aureus staphylococci (mras) from animals and humans. *Antibiotics*, [S. l.], v. 10, n. 3, p. 1–10, 2021. DOI: 10.3390/antibiotics10030256.

TAMAKAN, Hazel; GOCMEN, Huban. Genetic Characterization of Methicillin Resistant *Staphylococcus pseudintermedius* in Dogs and Cats in Cyprus: comparison of mrsp and mrsa results. *Pakistan Journal Of Zoology*, [S.L.], v. 54, n. 4, p. 1-10, 2022. ResearchersLinks Ltd. <http://dx.doi.org/10.17582/journal.pjz/20211101121137>.

TORRES, Carmen et al. Antimicrobial Resistance in *Enterococcus* spp. of animal origin. *Microbiology Spectrum*, [S.L.], v. 6, n. 4, p. 1-41, 27 jul. 2018. American Society for Microbiology. <http://dx.doi.org/10.1128/microbiolspec.arba-0032-2018>.

TURNER, Nicholas A. et al. Methicillin-resistant *Staphylococcus aureus*: an overview of basic and clinical research. *Nature Reviews Microbiology*, [S. l.], v. 17, n. 4, p. 203–218, 2019. DOI: 10.1038/s41579-018-0147-4.

VAN DEN BUNT, G. et al. Intestinal carriage of ampicillin- and vancomycin-resistant *Enterococcus faecium* in humans, dogs and cats in the Netherlands. *Journal of Antimicrobial Chemotherapy*, [S. l.], v. 73, n. 3, p. 607–614, 2018. DOI: 10.1093/jac/dkx455.

VAN HERWIJNEN, Ineke R.; VAN DER BORG, Joanne A. M.; NAGUIB, Marc; BEERDA, Bonne. The existence of parenting styles in the owner-dog relationship. *PLoS ONE*, [S. l.], v. 13, n. 2, p. 1–14, 2018. DOI: 10.1371/journal.pone.0193471.

VANTI, N.A.P. (2002) Da bibliometria à webometria: uma exploração conceitual dos mecanismos utilizados para medir o registro da informação e a difusão do conhecimento, *Ciência Inf. Brasília*, 31: 152-162.

VELAZQUEZ-MEZA, M. E. et al. Antimicrobial resistance: One Health approach. *Veterinary world*, v. 15, n. 3, p. 743–749, 1 mar. 2022.

VICK, T. *Research in Brazil towards international collaboration*. Elsevier, 2019.

WADA, Yusuf et al. Prevalence of vancomycin-resistant *Enterococcus* (VRE) in companion animals: The first meta-analysis and systematic review. *Antibiotics*, [S. l.], v. 10, n. 2, p. 1–17, 2021. DOI: 10.3390/antibiotics10020138.

WAŚKO, I. et al. Clinically Relevant β -Lactam Resistance Genes in Wastewater Treatment Plants. *International journal of environmental research and public health*, v. 19, n. 21, 1 nov. 2022.

WONG, C.; EPSTEIN, S.e.; WESTROPP, J.L.. Antimicrobial Susceptibility Patterns in Urinary Tract Infections in Dogs (2010–2013). *Journal Of Veterinary Internal Medicine*, [S.L.], v. 29, n. 4, p. 1045-1052, jul. 2015. Wiley. <http://dx.doi.org/10.1111/jvim.13571>.

YU, Jingyuan; MUÑOZ-JUSTICIA, Juan. A Bibliometric Overview of Twitter-Related Studies Indexed in Web of Science. *Future Internet*, [S.L.], v. 12, n. 5, p. 91, 20 maio 2020. MDPI AG. <http://dx.doi.org/10.3390/fi12050091>.

ZAHEER, Rahat et al. Surveillance of *Enterococcus* spp. reveals distinct species and antimicrobial resistance diversity across a One-Health continuum. *Scientific Reports*, [S. l.], v. 10, n. 1, p. 1–16, 2020. DOI: 10.1038/s41598-020-61002-5.

ZANELLA, Rosemeire C. et al. First confirmed case of a vancomycin-resistant *Enterococcus faecium* with vanA phenotype from Brazil: Isolation from a meningitis case in Sao Paulo. *Microbial Drug Resistance*, [S. l.], v. 5, n. 2, p. 159–162, 1999. DOI: 10.1089/mdr.1999.5.159.

ANEXOS

Identificação	Autores	Título do Artigo	Ano	Palavras-chave dos autores	Revista
A001	Ziaghham, A; Gharibi, D; Mosallanejad, B; Avizeh, R	Molecular characterization of Pasteurella multocida from cats and antibiotic sensitivity of the isolates	2024	antimicrobial resistance; cat; capsular type; LPS type; Pasteurella multocida; virulence gene	VETERINARY MEDICINE AND SCIENCE
A002	Mack, C; Gibson, J; Meler, E; Woldeyohannes, S; Yuen, N; Herndon, A	Antimicrobial susceptibility patterns of aerobic bacteria isolated from canine urinary samples in South East Queensland, 2013 to 2018	2024	antimicrobial resistance; Companion Animals; urinary tract infection; uropathogenic E. coli; uropathogens	AUSTRALIAN VETERINARY JOURNAL
A003	Banerjee, J; Batabyal, S; Biswas, S; Bhattacharyya, D; Habib, M; Das, AK; Nanda, PK; Samanta, I; Dandapat, P; Bandyopadhyay, S	Stray Dogs (Mongrels) Are Potent Reservoir of Drug-Resistant Pathogens: A Study in Peri-Urban Areas of Kolkata, India	2024	Escherichia coli; Klebsiella pneumoniae; multidrug resistant; ERIC-PCR; stray dogs	MICROBIAL DRUG RESISTANCE

A004	Lomiya, MAE; Raguvaran, R; Mondal, D; Dosar, S; Nair, SS; Jitha, KR; Chandni, AR; Thakur, NS; Yadav, N; Jambagi, K	Mitigating antimicrobial resistance, an approach to stewardship in canine urinary tract infection	2024	Antibiotic stewardship; Canine; India; Multidrug resistance; Uropathogens	VETERINARY RESEARCH COMMUNICATIONS
A005	Kyung, SM; Lee, JH; Lee, ES; Xiang, XR; Yoo, HS	Emergence and genomic chion of Proteus mirabilis harboring bla NDM-1 in Korean companion dogs	2024	Carbapenem; carbapenemase; multidrug resistance; NDM; Proteus mirabilis; whole-genome sequencing; epidemiology; One health	VETERINARY RESEARCH
A006	Scarpellini, R; De Mendizábal, LLV; Quevedo-Caraballo, S; Blanco, JL; García, ME; Pérez-Sancho, M; Fuentes, MP; Penelo, S; Esposito, E; Mondo, E; Piva, S	Active surveillance of antimicrobial resistance in companion animals: A pilot study in a Spanish Veterinary Teaching Hospital	2024	Antimicrobial resistance; Companion animals; Environmental surveillance; Carbapenem resistance; Active surveillance	COMPARATIVE IMMUNOLOGY MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES

A007	Tartor, YH; Ammar, AM; Abdelkhalek, A; Hassan, KA; Shaker, A; Elnahriry, SS; Nekouei, O; Elsohaby, I	Emergence of pandrug-resistant carbapenemase-producing Enterobacterales in dogs and cats: a cross-sectional study in Egypt	2024	carbapenem-resistant Enterobacterales; pandrug-resistant K. pneumoniae; Carba NP test; NG-Test 5; carbapenemase detection methods; healthy and diseased pets	FRONTIERS IN CELLULAR AND INFECTION MICROBIOLOGY
A008	Lee, CY; Selvarajah, GT; Zakaria, Z; Mustaffa-Kamal, F; Gan, HM; Voon, KGL; Fong, MWC; Ooi, PT	Whole genome sequencing of Streptococcus suis revealed potential drug resistance and zoonotic transmission in companion cat	2024	Streptococcus suis; companion animal; feline; genome; sequencing.	TROPICAL BIOMEDICINE
A009	Prosic, I; Milcic-Matic, N; Milic, N; Radalj, A; Aksentijevic, K; Ilic, M; Nisavic, J; Radojicic, M; Gajdov, V; Krnjaic, D	Molecular Prevalence of MecA and MecC Genes in Coagulase-Positive Staphylococci Isolated From Dogs with Dermatitis and Otitis in Belgrade, Serbia: A One Year Study	2024	dogs; ear infections; methicilin resistance; MRSA; MRSP; skin infections	ACTA VETERINARIA-BEOGRAD

A010	Yuan, Y; Hu, Y; Zhang, XL; Zhong, WH; Pan, SL; Wang, LQ; Zhou, ZY; Liu, HF; Zhang, SQ; Peng, GN; Wang, Y; Yan, QG; Luo, Y; Shi, KY; Zhong, ZJ	Characteristics of MDR E. coli strains isolated from Pet Dogs with clinic diarrhea: A pool of antibiotic resistance genes and virulence-associated genes	2024		PLOS ONE
A011	Abad-Fau, A; Sevilla, E; Oro, A; Martín-Burriel, I; Moreno, B; Morales, M; Bolea, R	Multidrug resistance in pathogenic Escherichia coli isolates from urinary tract infections in dogs, Spain	2024	dog; Escherichia coli; multidrug resistance; urinary tract infection; virulence factors	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE
A012	Zelaya, C; Arriagada, G; Galarce, N; Sanchez, F; Escobar, B; Miranda, M; Vilches, R; Varela, C; Ríos, MP; Matus, S; Sáenz, L; Cornejo, J; Lapierre, L	A preliminary report on critical antimicrobial resistance in Escherichia coli, Enterococcus faecalis, and Enterococcus faecium strains isolated from healthy dogs in Chile during 2021-2022	2024	Antimicrobial resistance; Prevalence; Companion animals; Dogs; Antibiotics	PREVENTIVE VETERINARY MEDICINE
A013	Leelapsawas, C; Sroithongkham, P; Payungporn, S; Nimsamer, P; Yindee, J;	First report of blaOXA-181-carrying IncX3 plasmids in multidrug-resistant Enterobacter hormaechei and Serratia nevei recovered from canine and feline opportunistic infections	2024	bla(OXA-181); carbapenemase; cats; dogs; Enterobacterales; MDR; WGS	MICROBIOLOGY SPECTRUM

	Collaud, A; Perreten, V; Chanchaithong, P				
A014	Marco-Fuertes, A; Marin, C; Gimeno-Cardona, C; Artal-Muñoz, V; Vega, S; Montoro-Dasi, L	Multidrug-Resistant Commensal and Infection-Causing Staphylococcus spp. Isolated from Companion Animals in the Valencia Region	2024	companion animals; antimicrobial resistance; Staphylococcus; methicillin-resistant Staphylococcus aureus; methicillin-resistant Staphylococcus pseudintermedius	VETERINARY SCIENCES
A015	Daaboul, D; Kassem, II; El Omari, K; Dabboussi, F; Oueslati, S; Naas, T; Osman, M	The occurrence of the carbapenemase gene, blaNDM-5, on a transmissible IncX3 plasmid in multidrug-resistant Escherichia coli isolated from a farm dog	2024	Antimicrobial resistance; Surveillance; ST1011; One Health; Canine; Lebanon	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE
A016	Aleshina, Y; Yeleussizova, A; Mendybayeva, A; Shevchenko, P; Rychshanova, R	Prevalence and antimicrobial resistance of Enterobacteriaceae in the north of Kazakhstan	2024	Antibiotic sensitivity; Citrobacter; Klebsiella; Microorganism; Proteus	OPEN VETERINARY JOURNAL

A017	Aurich, S; Wolf, SA; Prenger-Berninghoff, E; Thrukonda, L; Semmler, T; Ewers, C	Genotypic Characterization of Uropathogenic Escherichia coli from Companion Animals: Predominance of ST372 in Dogs and Human-Related ST73 in Cats	2024	ExPEC; UPEC; dog; cat; antimicrobial resistance genes; phylogroup B2; ST73; ST372	ANTIBIOTICS-BASEL
A018	Janczak, D; Górecki, P; Stryjek, R; Zasada, A	Multidrug resistance of Escherichia coli isolated from the urinary bladder of dogs and cats with suspected urinary tract infections	2024	Escherichia coli; urinary tract infection; public health; multidrug resistance; dogs; cats	ANNALS OF AGRICULTURAL AND ENVIRONMENTAL MEDICINE
A019	Moon, BY; Ali, MS; Kwon, DH; Heo, YE; Hwang, YJ; Kim, Ji; Lee, YJ; Yoon, SS; Moon, DC; Lim, SK	Antimicrobial Resistance in Escherichia coli Isolated from Healthy Dogs and Cats in South Korea, 2020-2022	2024	cephalosporins; quinolones; multidrug resistance; companion animals	ANTIBIOTICS-BASEL
A020	Cobo-Angel, C; Mosaddegh, A; Aprea, M; Guarino, C; Cummings, KJ; Cazer, C	Trends of feline Escherichia coli minimum inhibitory concentrations over 14 years illustrate the need for judicious antimicrobial use in cats	2023	Escherichia coli; antimicrobial resistance; feline; multidrug resistance; minimum inhibitory concentration	AMERICAN JOURNAL OF VETERINARY RESEARCH
A021	Heinsoo, I; Walker, DJ; Hjellegjerde, KB; Tang, JWY; Moores, AL	Canine Pyothorax: Comparison of Culture and Susceptibility Results to the BSAVA PROTECT ME Poster and Other	2023	thoracic empyema; pleural effusion; antibiotics;	ANIMALS

		Published Recommended Antimicrobial Use Guidelines		antimicrobial resistance	
A022	Moon, BY; Ali, MS; Choi, JH; Heo, YE; Lee, YH; Kang, HS; Kim, TS; Yoon, SS; Moon, DC; Lim, SK	Antimicrobial Resistance Profiles of <i>Enterococcus faecium</i> and <i>Enterococcus faecalis</i> Isolated from Healthy Dogs and Cats in South Korea	2023	antimicrobial resistance; <i>E. faecium</i> ; <i>E. faecalis</i> ; companion animals	MICROORGANISMS
A023	Razali, K; Nalbone, L; Giarratana, F	<i>Aerococcus viridans</i> and Public Health: Oral Carriage and Antimicrobial Resistance in Stray Dogs and Cats in Algeria	2023	microbial drug resistance; bacteria; pathogenic bacteria; resistance; dog and cat; oral cavity; public health	MICROBIAL DRUG RESISTANCE
A024	Rhea, S; Gensler, C; Atlaw, N; Pairis-Garcia, M; Lewbart, GA; Valentine, A; Cruz, M; Castillo, P; Velez, A; Trueba, G; Jacob, ME	Presence of Extended-Spectrum Beta-Lactamase-Producing <i>Escherichia coli</i> in Food-Producing and Companion Animals and Wildlife on Small-Holder Farms of Floreana Island, Galapagos Islands	2024	ESBL- <i>E. coli</i> ; Galapagos Islands; conservation; antimicrobial resistance; multidrug resistance; surveillance	VECTOR-BORNE AND ZOOLOGICAL DISEASES
A025	Yildiz, M; Sahin, O; Adiguzel, MC	Prevalence and antimicrobial resistance of <i>Campylobacter</i> species in	2024	antimicrobial resistance;	VETERINARY MEDICINE AND SCIENCE

		shelter-housed healthy and diarrheic cats and dogs in Turkey		Campylobacter; cats; dogs; shelter	
A026	Buranasinsup, S; Wiratsudakul, A; Chantong, B; Maklon, K; Suwanpakdee, S; Jiemtaweewoon, S; Sakcamduang, W	Prevalence and characterization of antimicrobial-resistant <i>Escherichia coli</i> isolated from veterinary staff, pets, and pet owners in Thailand	2023	Antimicrobial resistance; Companion animals; <i>Escherichia coli</i> ; Veterinary	JOURNAL OF INFECTION AND PUBLIC HEALTH
A027	Habib, I; Elbediwi, M; Mohteshamuddin, K; Mohamed, MYI; Lakshmi, GB; Abdalla, A; Anes, F; Ghazawi, A; Khan, M; Khalifa, H	Genomic profiling of extended-spectrum β -lactamase-producing <i>Escherichia coli</i> from Pets in the United Arab Emirates: Unveiling colistin resistance mediated by <i>mcr-1.1</i> and its probable transmission from chicken meat - A One Health perspective	2023	One health; UAE; Resistance; ESBL; <i>Mcr-1</i> ; Pets	JOURNAL OF INFECTION AND PUBLIC HEALTH
A028	Lee, GY; Lee, SI; Park, JH; Do Kim, S; Kim, GB; Yang, SJ	Detection and characterization of potential virulence determinants in <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> and <i>S. schleiferi</i> strains isolated from canine otitis externa in Korea	2023	<i>S. pseudintermedius</i> ; <i>S. schleiferi</i> ; canine otitis externa; virulence	JOURNAL OF VETERINARY SCIENCE
A029	Marco-Fuertes, A; Jordá, J; Marin, C;	Multidrug-Resistant <i>Escherichia coli</i> Strains to Last Resort Human	2023	antimicrobial resistance; cats;	ANTIBIOTICS-BASEL

	Lorenzo-Rebenaque, L; Montoro-Dasi, L; Vega, S	Antibiotics Isolated from Healthy Companion Animals in Valencia Region		commensal bacteria; dogs; one health	
A030	Shaker, AA; Samir, A; Zaher, HM; Abdel-Moein, KA	Occurrence of Major Human Extraintestinal Pathogenic Escherichia coli Sequence Types Among Diarrheic Pet Animals: A Potential Public Health Threat	2023	extraintestinal pathogenic E. coli; dog; cat; public health	VECTOR-BORNE AND ZOOLOGICAL DISEASES
A031	Wang, HR; Gu, YX; Zhou, GL; Chen, XL; Zhang, X; Shao, ZJ; Zhang, MJ	Helicobacter zhangjianzhongii sp. nov., isolated from dog feces	2023	Helicobacter zhangjianzhongii; novel species; genomic characteristics; phylogenetic analyses; antimicrobial susceptibility	FRONTIERS IN GENETICS
A032	Scarpellini, R; Assirelli, G; Giunti, M; Esposito, E; Mondo, E; Piva, S	Monitoring the Prevalence of Antimicrobial Resistance in Companion Animals: Results from Clinical Isolates in an Italian University Veterinary Hospital	2023		TRANSBOUNDARY AND EMERGING DISEASES

A033	Marin, C; Cerdà-Cuéllar, M; Rosario, I; Lorenzo-Rebenaque, L; Vega, S; Manzanares, A; Padilla, D; Real, F; Rodríguez-Ponce, E; Acosta-Hernández, B	Impact of genetic diversity and antibiotic-resistance of Salmonella isolated from feral cats: One Health approach	2023	Zoonotic; Antibiotic; PFGE; Free-living cats	COMPARATIVE IMMUNOLOGY MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES
A034	Das, S; Kabir, A; Chouhan, CS; Shahid, MAH; Habib, T; Kobir, MA; Hossain, MZ; Rahman, M; Nazir, KHMNH	Antimicrobial resistance patterns of Staphylococcus aureus isolated from apparently healthy pet cats of Bangladesh	2023	Pet cat; S. aureus; PCR; AMR; MDR	JOURNAL OF ADVANCED VETERINARY AND ANIMAL RESEARCH
A035	Phophi, L; Abouelkhair, M; Jones, R; Henton, M; Qekwana, DN; Kania, SA	The molecular epidemiology and antimicrobial resistance of Staphylococcus pseudintermedius canine clinical isolates submitted to a veterinary diagnostic laboratory in South Africa	2023		PLOS ONE
A036	Hayer, J; Salgado-Caxito, M; Opazo-Capurro, A; Munoz, PG; Millan, J; Pineiro, A; Munita, JM; Rivas, L; Benavides, JA	Multiple clonal transmissions of clinically relevant extended-spectrum beta-lactamase-producing Escherichia coli among livestock, dogs, and wildlife in Chile	2023	Domestic animals; Latin America; Antimicrobial resistance; Rodent;	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE

				Whole genome sequencing	
A037	Damborg, P; Pirolo, M; Poulsen, LS; Frimodt-Moller, N; Guardabassi, L	Dogs Can Be Reservoirs of Escherichia coli Strains Causing Urinary Tract Infection in Human Household Contacts	2023	Escherichia coli; transmission; whole-genome sequence; One Health	ANTIBIOTICS-BASEL
A038	Portilho, FVR; Nóbrega, J; de Almeida, BO; Mota, AR; de Paula, CL; Listoni, FJP; Bosco, SMG; Oliveira, AL; Cunha, MDRS; Ribeiro, MG	Microbial Complexity of Oral Cavity of Healthy Dogs Identified by Mass Spectrometry and Next-Generation Sequencing	2023	16S rRNA gene; canine oral microbiota; dog bites; MALDI-TOF MS; mecA gene; large-scale sequencing	ANIMALS
A039	Ratti, G; Facchin, A; Stranieri, A; Giordano, A; Paltrinieri, S; Scarpa, P; Maragno, D; Gazzonis, A; Penati, M; Luzzago, C; Dall'Ara, P; Lauzi, S	Fecal Carriage of Extended-Spectrum β -Lactamase-/AmpC-Producing Escherichia coli in Pet and Stray Cats	2023	cats; antimicrobial resistance; extended-spectrum beta-lactamase; AmpC; E. coli; resistance genes	ANTIBIOTICS-BASEL
A040	Taniyama, D; Maeda, T; Yokozawa, T; Takano, A; Oda, T; Li, SYR; Yoshida, H; Takahashi, T	Phenotypic and Genotypic Traits of Pasteurella multocida subsp. septica Isolates From the Wounds of Two Patients Due to Dog or Cat Biting, 2023	2023	japan; 2023; dog/cat biting; traits; pasteurella multocida subsp. septica	CUREUS JOURNAL OF MEDICAL SCIENCE

A041	Elfadadny, A; Uchiyama, J; Goto, K; Imanishi, I; Ragab, RF; Nageeb, WM; Iyori, K; Toyoda, Y; Tsukui, T; Ide, K; Kawamoto, K; Nishifuji, K	Antimicrobial resistance and genotyping of <i>Pseudomonas aeruginosa</i> isolated from the ear canals of dogs in Japan	2023	otitis; dog; antimicrobial resistance; multilocus sequence typing; <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE
A042	Miszczak, M; Korzeniowska-Kowal, A; Wzorek, A; Gamian, A; Rypula, K; Bierowiec, K	Colonization of methicillin-resistant <i>Staphylococcus</i> species in healthy and sick pets: prevalence and risk factors	2023	<i>Staphylococcus</i> ; Methicillin-resistant; Cats; Dogs; Risk factors	BMC VETERINARY RESEARCH
A043	Leite, DPDBM; Barbosa, IC; da Silva, RA; Fernandes, PR; Abad, ACA; da Silva, JG; Mota, RA; Porto, TS	Occurrence of antimicrobial-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> in a Brazilian veterinary hospital environment	2023	Canines; Disc-diffusion; Humans; Felines; OS MRSA; Genotypic profile	BRAZILIAN JOURNAL OF MICROBIOLOGY
A044	Moerer, M; Lübke-Becker, A; Bethe, A; Merle, R; Bäumer, W	Occurrence of Antimicrobial Resistance in Canine and Feline Bacterial Pathogens in Germany under the Impact of the TaHAV Amendment in 2018	2023	dog; cat; companion animals; legislation; antimicrobial susceptibility testing (AST); cumulative antimicrobial susceptibility	ANTIBIOTICS-BASEL

A045	Plókarz, D; Bierowiec, K; Rypula, K	Screening for Antimicrobial Resistance and Genes of Exotoxins in <i>Pseudomonas aeruginosa</i> Isolates from Infected Dogs and Cats in Poland	2023	<i>Pseudomonas aeruginosa</i> ; pets; antibiotic resistance; virulence-factor-encoding genes; exotoxins; disc diffusion method	ANTIBIOTICS-BASEL
A046	Srednik, ME; Perea, CA; Giacoboni, GI; Hicks, JA; Foxx, CL; Harris, B; Schlater, LK	Genomic Features of Antimicrobial Resistance in <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> Isolated from Dogs with Pyoderma in Argentina and the United States: A Comparative Study	2023	<i>Staphylococcus pseudintermedius</i> ; methicillin resistance; multi-drug resistance; SCCmec; clonal relationship; phylogeny; canine pyoderma	INTERNATIONAL JOURNAL OF MOLECULAR SCIENCES
A047	Subejano, MSEP; Penuliar, GM	Multidrug resistance and high genotypic diversity in <i>Campylobacter upsaliensis</i> from household dogs in Metro Manila, Philippines	2023	<i>Campylobacter upsaliensis</i> ; antimicrobial susceptibility testing; MLST	NEW MICROBIOLOGICA
A048	Cengiz, S; Okur, S; Oz, C; Turgut, F; Gumurcinler, B; Sevuk, NS; Kekec, AI; Cepoglu,	Prevalence and clonal diversity of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> and methicillin-resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i>	2023	cats; dogs; methicillin-resistant <i>S. aureus</i> ; <i>pseudintermedius</i>	ACTA MICROBIOLOGICA ET IMMUNOLOGICA HUNGARICA

	H; Sevimli, U; Adiguzel, MC	isolated from dogs and cats with eye discharge			
A049	Hansen-Jones, CL; Hill, KE; Cogger, N	Feline urinary tract pathogens in western Canada: Prevalence of bacterial species and antimicrobial resistance from 2012 to 2018	2023		CANADIAN VETERINARY JOURNAL-REVUE VETERINAIRE CANADIENNE
A050	Ju, CY; Ma, YP; Zhang, B; Zhou, GL; Wang, HR; Yu, MH; He, JM; Duan, YX; Zhang, MJ	Prevalence, genomic characterization and antimicrobial resistance of <i>Campylobacter</i> spp. isolates in pets in Shenzhen, China	2023	<p><i>Campylobacter upsaliensis</i>; <i>Campylobacter jejuni</i>; <i>Campylobacter helveticus</i>; whole-genome sequencing; antimicrobial resistance; matrix-assisted laser desorption ionization-time of flight mass spectrum; pets; virulence-associated genes</p>	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY

A051	Tong, YC; Li, PC; Yang, Y; Lin, QY; Liu, JT; Gao, YN; Zhang, YN; Jin, S; Qing, SZ; Xing, FS; Fan, YP; Liu, YQ; Wang, WL; Zhang, WM; Ma, WR	Detection of Antibiotic Resistance in Feline-Origin ESBL Escherichia coli from Different Areas of China and the Resistance Elimination of Garlic Oil to Cefquinome on ESBL E. coli	2023	feline origin; ESBL E; coli; garlic oil; antibiotics resistance elimination; cefquinome	INTERNATIONAL JOURNAL OF MOLECULAR SCIENCES
A052	Habib, I; Mohteshamuddin, K; Mohamed, MYI; Lakshmi, GB; Abdalla, A; Alkaabi, ABA	Domestic Pets in the United Arab Emirates as Reservoirs for Antibiotic-Resistant Bacteria: A Comprehensive Analysis of Extended-Spectrum Beta-Lactamase Producing Escherichia coli Prevalence and Risk Factors	2023	ESBL; dogs; cats; antimicrobial resistance; Middle East	ANIMALS
A053	Araújo, D; Castro, J; Matos, F; Oliveira, R; Ramos, C; Almeida, C; Silva, S	Exploring the prevalence and antibiotic resistance profile of Klebsiella pneumoniae and Klebsiella oxytoca isolated from clinically ill companion animals from North of Portugal	2023	Klebsiella spp; Companion animals; Prevalence; Antimicrobial resistance	RESEARCH IN VETERINARY SCIENCE
A054	Condas, LAZ; de Farias, MR; Siqueira, AK; Salerno, T; Chi, KD; Werner, J; de Vargas, AC; Bond, GB; Gono, T;	Molecular identification and antimicrobial resistance pattern of Nocardia isolated from 14 diseased dogs and cats	2023	Canine and feline nocardiosis; Comorbidity; Molecular	BRAZILIAN JOURNAL OF MICROBIOLOGY

	Matsuzawa, T; Ribeiro, MG			identification; Antimicrobial profile	
A055	Koontz, CW; Epstein, SE; Westropp, JL	Antimicrobial susceptibility patterns from urinary isolates obtained from cats (2013-2020)	2023	kidney; multidrug resistance; pyelonephritis; renal; subclinical bacteriuria; urinary tract; urinary tract infections	JOURNAL OF VETERINARY INTERNAL MEDICINE
A056	Morais, C; Costa, SS; Leal, M; Ramos, B; Andrade, M; Ferreira, C; Abrantes, P; Pomba, C; Couto, I	Genetic diversity and antimicrobial resistance profiles of <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> associated with skin and soft-tissue infections in companion animals in Lisbon, Portugal	2023	<i>Staphylococcus pseudintermedius</i> ; SSTIs; antimicrobial resistance; clonal lineage; MLST; companion animals; pets	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A057	Teng, L; Feng, MY; Liao, SH; Zheng, ZJ; Jia, CH; Zhou, X; Nambiar, RB; Ma, ZX; Yue, M	A Cross-Sectional Study of Companion Animal-Derived Multidrug-Resistant <i>Escherichia coli</i> in Hangzhou, China	2023	<i>Escherichia coli</i> ; multidrug resistance; carbapenem resistance; multilocus sequence type; companion animals; China	MICROBIOLOGY SPECTRUM

A058	Candellone, A; Badino, P; Girolami, F; Cerquetella, M; Nebbia, P; Aresu, L; Zoppi, S; Bergero, D; Odore, R	Concomitant Campylobacteriosis in a Puppy and in Its Caregiver: A One Health Perspective Paradigm in Human-Pet Relationship	2023	One Health approach; raw diet; Campylobacteriosis; zoonoses; puppy	VETERINARY SCIENCES
A059	Choi, JH; Ali, MS; Moon, BY; Kang, HY; Kim, SJ; Song, HJ; Mechesso, AF; Moon, DC; Lim, SK	Prevalence and Characterization of Extended-Spectrum β -Lactamase-Producing Escherichia coli Isolated from Dogs and Cats in South Korea	2023	beta-lactamase; bla(CTX-M); bla(CMY-2); companion animals; E.coli; mutation; quinolone	ANTIBIOTICS-BASEL
A060	Citron, LE; Cain, CL; Dietrich, J; Cole, SD	Genomic and clinical case characterisation of Staphylococcus haemolyticus isolated from dogs and cats in the United States, including strains with high-level mupirocin tolerance	2023	antimicrobial drug resistance; meticillin resistance; mupirocin; Staphylococcus haemolyticus	VETERINARY DERMATOLOGY
A061	Verdenius, CY; Broens, EM; Slenter, IJM; Djajadiningrat-Laanen, SC	Corneal stromal ulcerations in a referral population of dogs and cats in the Netherlands (2012-2019): Bacterial isolates and antibiotic resistance	2024	antibiotic susceptibility; bacteria; canine; cornea; feline; ulcer	VETERINARY OPHTHALMOLOGY

A062	Afshar, MF; Zakaria, Z; Cheng, CH; Ahmad, NI	Prevalence and multidrug-resistant profile of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> and methicillin-resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> in dogs, cats, and pet owners in Malaysia	2023	antimicrobial resistance; antimicrobial susceptibility testing; methicillin resistance; multilocus sequence typing; public health; zoonotic infections	VETERINARY WORLD
A063	Aslantas, Ö; Olgun, E; Bayirli, M; Büyükcaltay, K	Molecular Characterization of Methicillin- and Multidrug-Resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> Strain Isolated from a Case of Feline Otitis Externa	2023	Cat; Methicillin Resistance; <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> ; Whole-Genome Sequencing	ISRAEL JOURNAL OF VETERINARY MEDICINE
A064	Matos, A; Cunha, E; Baptista, L; Tavares, L; Oliveira, M	ESBL-Positive Enterobacteriaceae from Dogs of Santiago and Boa Vista Islands, Cape Verde: A Public Health Concern	2023	dogs; Cape Verde; antimicrobial resistance; ESBL; public health	ANTIBIOTICS-BASEL
A065	Pagnossin, D; Weir, W; Smith, A; Fuentes, M; Coelho, J; Oravcova, K	<i>Streptococcus canis</i> genomic epidemiology reveals the potential for zoonotic transfer	2023	<i>Streptococcus canis</i> ; genomic epidemiology; antimicrobial	MICROBIAL GENOMICS

				resistance; virulence; genotyping; zoonosis	
A066	Pintaric, S; Sttritof, Z; Perko, VM; Tumpa, A; Cvetniic, M; Hadzic, L	Detection of blaCTX-M genes in ESBL-producing Klebsiella isolates from animals in Croatia	2023	Klebsiella spp; ESBL; blaCTX-M; animals; multidrug resistance	ACTA VETERINARIA HUNGARICA
A067	Santana, JA; Paraguassu, AO; Santana, RST; Xavier, RGC; Freitas, PMC; Aburjaile, FF; Azevedo, VAD; Brenig, B; Bojesen, AM; Silva, ROS	Risk Factors, Genetic Diversity, and Antimicrobial Resistance of Staphylococcus spp. Isolates in Dogs Admitted to an Intensive Care Unit of a Veterinary Hospital	2023	methicillin resistance; S; pseudintermedius; aureus; nosocomial transmission; clonal dispersal	ANTIBIOTICS-BASEL
A068	Walter, H; Verspohl, J; Meissner, J; Oltmanns, H; Geks, AK; Busse, C	In Vitro Antimicrobial Activity of N-Acetylcysteine against Pathogens Most Commonly Associated with Infectious Keratitis in Dogs and Cats	2023	bacterial keratitis; N-acetylcysteine; antimicrobial; One Health; canine; feline	ANTIBIOTICS-BASEL
A069	Woerde, DJ; Reagan, KL; Byrne, BA; Weimer, BC; Epstein, SE; Schlesener, C; Huang, BHC; Sykes, JE	Characteristics of Extended-Spectrum β -Lactamase Producing Enterobacterales Isolated from Dogs and Cats, 2011-2021	2023	Escherichia coli; multidrug resistance; virulence; Enterobacterales	VETERINARY SCIENCES

A070	Yuan, TY; Liang, B; Jiang, BW; Sun, SW; Zhou, YF; Zhu, LW; Liu, J; Guo, XJ; Ji, X; Sun, Y	Virulence genes and antimicrobial resistance in Enterococcus strains isolated from dogs and cats in Northeast China	2023	KEYWORDS; antimicrobial resistance; cats; dogs; Enterococcus; virulence factor	JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE
A071	Aydin, F; Kayman, T; Abay, S; Hizlisoy, H; Saticioglu, IB; Karakaya, E; Sahin, O	MLST genotypes and quinolone resistance profiles of Campylobacter jejuni isolates from various sources in Turkey	2023	C; jejuni; Multilocus sequence typing (MLST); Quinolone resistance	INTERNATIONAL JOURNAL OF FOOD MICROBIOLOGY
A072	Fabregas, N; Perez, D; Vines, J; Cusco, A; Migura-Garcia, L; Ferrer, L; Francino, O	Diverse Populations of Staphylococcus pseudintermedius Colonize the Skin of Healthy Dogs	2023	Staphylococcus pseudintermedius; pyoderma; skin; WGS; long-reads; MLST; MRSP	MICROBIOLOGY SPECTRUM
A073	Burke, M; Santoro, D	Prevalence of multidrug- resistant coagulase- positive staphylococci in canine and feline dermatological patients over a 10-year period: a retrospective study	2023	coagulase-positive staphylococci; dermatology; multidrug resistance; dogs; cats	MICROBIOLOGY-SGM
A074	Fayez, M; Elmoslemany, A; Al Romaihi, AA; Azzawi, AY; Almubarak, A; Elsohaby, I	Prevalence and Risk Factors Associated with Multidrug Resistance and Extended-Spectrum β -lactamase	2023	cats; E; coli; ESBL; risk factors; antimicrobial	ANTIBIOTICS-BASEL

		Producing E. coli Isolated from Healthy and Diseased Cats		resistance; multidrug resistance	
A075	Alves, F; Castro, R; Pinto, M; Nunes, A; Pomba, C; Oliveira, M; Silveira, L; Gomes, JP; Oleastro, M	Molecular epidemiology of Clostridioides difficile in companion animals: Genetic overlap with human strains and public health concerns	2023	Clostridioides difficile; companion animals; one health; whole genome sequencing; SNP analysis; antimicrobial resistance; CDI trends	FRONTIERS IN PUBLIC HEALTH
A076	Bilen, EK; Demirbilek, SK; Yilmaz, Ö; Karadag, MA; Aner, H	Comparison of bacterial profile and antibiotic susceptibility isolated from surgical site after ventral midline and lateral flank approaches of ovariohysterectomy in queens and bitches	2023	Bacterial isolation; antimicrobial resistance; flank; midline; ovariohysterectomy	TURKISH JOURNAL OF VETERINARY & ANIMAL SCIENCES
A077	Kaplan, B; Gulaydin, O	Characterization of extended spectrum β -lactamase producing Escherichia coli strains isolated from urogenital system of dogs in Van province of Turkey	2023	AmpC; Dog; E; coli; ERIC-PCR; ESBL	IRANIAN JOURNAL OF VETERINARY RESEARCH
A078	Karakaya, E; Aydin, F; Kayman, T; Abay, S	Escherichia coli in different animal feces: phylotypes and virulence genes	2023	Identification; Escherichia coli; Feces; Phylogroup; Virulence genes	WORLD JOURNAL OF MICROBIOLOGY & BIOTECHNOLOGY

A079	Núñez-Samudio, V; Pimentel-Peralta, G; De La Cruz, A; Landires, I	Genetic Diversity and New Sequence Types of Escherichia coli Coharboring β -Lactamases and PMQR Genes Isolated from Domestic Dogs in Central Panama	2023	extended-spectrum beta-lactamase; canines; multilocus sequence typing; Escherichia coli; antimicrobial resistance; Panama	GENES
A080	Sladeczek, V; Senk, D; Stolar, P; Bzdil, J; Holy, O	Predominance of Acinetobacter pseudolwoffii among Acinetobacter species in domestic animals in the Czech Republic	2023	organ; prevalence; pathogenicity; species; susceptibility; veterinary	VETERINARNI MEDICINA
A081	Ribeiro, MG; Pereira, TT; Paz, PD Jr; de Almeida, BO; Cerviño, CSA; Rodrigues, CA; Santos, GTS; Freire, LMD; Portilho, FVR; Arabe, MFA; Paschoal, NR; Bello, TS; Megid, J; Langoni, H; Appolinário, CM; Borges, AS; Amorim, RM; Giuffrida, R; de Oliveira, JP;	Bacterial identification in cerebrospinal fluid of domestic species with neurologic signs: a retrospective case-series study in 136 animals (2005-2021)	2023	Livestock; Companion animals; Central nervous infections; Bacterial etiology; Multidrug resistance	BRAZILIAN JOURNAL OF MICROBIOLOGY

	Siqueira, AK; Listoni, FJP; Paes, AC				
A082	Haulisah, NA; Hassan, L; Jajere, SM; Ahmad, NI; Bejo, SK	High prevalence of antimicrobial resistance and multidrug resistance among bacterial isolates from diseased pets: Retrospective laboratory data (2015-2017)	2022		PLOS ONE
A083	Aurich, S; Prenger-Berninghoff, E; Ewers, C	Prevalence and Antimicrobial Resistance of Bacterial Uropathogens Isolated from Dogs and Cats	2022	urinary tract infection; prevalence; E; coli; enterococci; staphylococci; guidelines; MDR; nitrofurantoin (NIT)	ANTIBIOTICS-BASEL
A084	Bellato, A; Robino, P; Stella, MC; Scarrone, L; Scalas, D; Nebbia, P	Resistance to Critical Important Antibacterials in Staphylococcus pseudintermedius Strains of Veterinary Origin	2022	Staphylococcus pseudintermedius; antimicrobial resistance; critically important antimicrobials; antimicrobial susceptibility testing; cat; dog; Italy	ANTIBIOTICS-BASEL

A085	D'Août, C; Taylor, SS; Gelendi, S; Atkinson, C; Defauw, P	Bacteriuria in Cystocentesis Samples from Cats in the United Kingdom: Prevalence, Bacterial Isolates, and Antimicrobial Susceptibilities	2022	urinary tract infections; feline lower urinary tract disease; urine culture; antimicrobial resistance	ANIMALS
A086	Zenatto, K; Vieira, TR; Sambrano, GE; Cardoso, M	Antimicrobial Resistance Profile of Bacteria Isolated from Canine and Feline Samples at the Preventive Veterinary Laboratory of the Federal University of Rio Grande do Sul (UFRGS) - Brazil	2022	otitis; dermatitis; urinary infection; dogs; cats; antibiotic resistance; AMR	ACTA SCIENTIAE VETERINARIAE
A087	Wen, GL; Li, SH; Qin, Z; Yang, YJ; Bai, LX; Ge, WB; Liu, XW; Li, JY	Isolation, molecular typing and antimicrobial resistance of Clostridium difficile in dogs and cats in Lanzhou city of Northwest China	2022	Clostridium difficile; dog; cat; molecular typing; antimicrobial resistance	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE
A088	Kisaka, S; Makumbi, FE; Majalija, S; Muwanga, M; Thumbi, SM	The potential for the double risk of rabies and antimicrobial resistance in a high rabies endemic setting: detection of antibiotic resistance in bacterial isolates from infected dog bite wounds in Uganda	2022	Post-exposure treatment; Dog bite wound; Wound infection; Rabies; Antimicrobials; Antimicrobial resistance	ANTIMICROBIAL RESISTANCE AND INFECTION CONTROL

A089	Gourmelon, M; Boukerb, AM; Nabi, N; Banerji, S; Joensen, KG; Serghine, J; Cormier, A; Megraud, F; Lehours, P; Alter, T; Ingle, DJ; Kirk, MD; Nielsen, EM	Genomic Diversity of <i>Campylobacter lari</i> Group Isolates from Europe and Australia in a One Health Context	2022	<i>Campylobacter lari</i> group; whole-genome sequencing; virulence genes; genomic diversity; One Health	APPLIED AND ENVIRONMENTAL MICROBIOLOGY
A090	Menezes, J; da Silva, JM; Frosini, SM; Loeffler, A; Weese, S; Perreten, V; Schwarz, S; da Gama, LT; Amaral, AJ; Pomba, C	<i>mcr-1</i> colistin resistance gene sharing between <i>Escherichia coli</i> from cohabiting dogs and humans, Lisbon, Portugal, 2018 to 2020	2022		EUROSURVEILLANCE
A091	Penna, B; Silva, MB; Botelho, AMN; Ferreira, FA; Ramundo, MS; Silva-Carvalho, MC; Rabello, RF; Vieira-da-Motta, O; Figueiredo, AMS	Detection of the international lineage ST71 of methicillin-resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> in two cities in Rio de Janeiro State	2022	<i>Staphylococcus aureus</i> ; <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> ; MRSP; MRSA; Canine skin infections	BRAZILIAN JOURNAL OF MICROBIOLOGY
A092	Garces, A; Lopes, R; Silva, A; Sampaio, F;	Bacterial Isolates from Urinary Tract Infection in Dogs and Cats in Portugal, and Their Antibiotic Susceptibility	2022	urinary infection; bacteria; dog; cat;	ANTIBIOTICS-BASEL

	Duque, D; Brilhante-Simoes, P	Pattern: A Retrospective Study of 5 Years (2017-2021)		zoonoses; antibiotic resistance	
A093	Zhou, YF; Ji, X; Liang, B; Jiang, BW; Li, Y; Yuan, T; Zhu, LW; Liu, J; Guo, XJ; Sun, Y	Antimicrobial Resistance and Prevalence of Extended Spectrum β -Lactamase-Producing <i>Escherichia coli</i> from Dogs and Cats in Northeastern China from 2012 to 2021	2022	AMR; cats; dogs; E; coli; ESBL; MDR; phylogenetic groups	ANTIBIOTICS-BASEL
A094	Cavana, P; Robino, P; Stella, MC; Bellato, A; Crosaz, O; Fiora, SR; Nebbia, P	Staphylococci isolated from cats in Italy with superficial pyoderma and allergic dermatitis: Characterisation of isolates and their resistance to antimicrobials	2023		VETERINARY DERMATOLOGY
A095	Anyanwu, MU; Eze, UU; Nnamani, JC; Ikenna-Eze, NH; Akpa, PO; Okorie-Kanu, OJ; Anene, BM	Occurrence, antibiogram, high-level vancomycin and aminoglycoside resistance and potential virulence factors of enterococci in dogs in Nigeria	2022	aminoglycoside resistance; canine; enterococci; vancomycin resistance; virulence	JOURNAL OF THE HELLENIC VETERINARY MEDICAL SOCIETY
A096	Kalayci-Yüksek, F; Gümüs, D; Macunluoglu, AC; Eroglu, E; Camadan, D; Ang-Küçüker, M	Mobile resistance determinants, plasmid replicon types and phylogeny among <i>Escherichia coli</i> strains isolated from cats and dogs	2022	E; coli; integrons; plasmid-mediated resistance genes; plasmid types; phylogeny	JOURNAL OF THE HELLENIC VETERINARY MEDICAL SOCIETY

A097	Leelapsawas, C; Yindee, J; Nittayasut, N; Chueahiran, S; Boonkham, P; Suanpairintr, N; Chanchaithong, P	Emergence and multi-lineages of carbapenemase-producing <i>Acinetobacter baumannii-calcoaceticus</i> complex from canine and feline origins	2022	<i>Acinetobacter baumannii</i> ; carbapenemase; cat; dog; multi-lineages	JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE
A098	Smoglica, C; Evangelisti, G; Fani, C; Marsilio, F; Trotta, M; Messina, F; Di Francesco, CE	Antimicrobial Resistance Profile of Bacterial Isolates from Urinary Tract Infections in Companion Animals in Central Italy	2022	antimicrobial resistance; companion animals; urinary tract infections	ANTIBIOTICS-BASEL
A099	Ortiz, DA; Legenza, LM; Olson, BJ; Knapp, CC; Killian, SB; Meece, JK; Hall, MC; Fritsche, TR	Surveillance for multidrug resistant <i>Escherichia coli</i> carriage in cattle, dogs and humans reveals predominance of CMY-2, CTX-M-15 and CTX-M-9 groups of β -lactamases	2022	AmpC; CRE; DNA microarray; Surveillance; One Health; E; coli ESBL	COMPARATIVE IMMUNOLOGY AND MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES
A100	Scott, N; Seeraj, C; Satram, B; Sandy, NM; Seuradge, K; Seerattan, B; Seeram, I; Stewart-Johnson, A; Adesiyun, A	Occurrence of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> in pets and their owners in rural and urban communities in Trinidad	2022	MRSA; owners; pets; rural; Trinidad; urban	JOURNAL OF INFECTION IN DEVELOPING COUNTRIES

A101	Ekakoro, JE; Hendrix, GK; Guptill, LF; Ruple, A	Antimicrobial susceptibility and risk factors for resistance among <i>Escherichia coli</i> isolated from canine specimens submitted to a diagnostic laboratory in Indiana, 2010-2019	2022		PLOS ONE
A102	Banerjee, A; Pal, S; Goswami, P; Batabyal, K; Joardar, SN; Dey, S; Isore, DP; Dutta, TK; Bandyopadhyay, S; Samanta, I	Docking analysis of circulating CTX-M variants in multi-drug resistant, beta-lactamase and biofilm-producing <i>E. coli</i> isolated from pet animals and backyard livestock	2022	Backyard; Cats; Dogs; Docking; ESBL; Goats	MICROBIAL PATHOGENESIS
A103	Stefanska, I; Kwiecien, E; Kizerwetter-Swida, M; Chrobak-Chmiel, D; Rzewuska, M	Tetracycline, Macrolide and Lincosamide Resistance in <i>Streptococcus canis</i> Strains from Companion Animals and Its Genetic Determinants	2022	acquired-resistance genes; antimicrobial resistance; antimicrobial susceptibility testing; beta-hemolytic streptococci; companion animals; <i>Streptococcus canis</i> ; zoonotic agent	ANTIBIOTICS-BASEL

A104	Tamakan, H; Gocmen, H	Genetic Characterization of Methicillin Resistant Staphylococcus pseudintermedius in Dogs and Cats in Cyprus: Comparison of MRSP and MRSA Results	2022	Cat; Dog; Staphylococcus pseudintermedius; MRSP; MRSA	PAKISTAN JOURNAL OF ZOOLOGY
A105	Sealey, JE; Hammond, A; Mounsey, O; Gould, VC; Reyher, KK; Avison, MB	Molecular ecology and risk factors for third-generation cephalosporin-resistant Escherichia coli carriage by dogs living in urban and nearby rural settings	2022		JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY
A106	Tumpa, A; Stritof, Z; Pintaric, S	Prevalence and antimicrobial susceptibility of Enterococcus spp. from urine of dogs and cats in northwestern Croatia	2022	Enterococci; Urinary tract infections; Multidrug resistance; HLAR; Dog; Cat	RESEARCH IN VETERINARY SCIENCE
A107	Perestrelo, S; Carreira, GC; Valentin, L; Fischer, J; Pfeifer, Y; Werner, G; Schmiedel, J; Falgenhauer, L; Imirzalioglu, C; Chakraborty, T; Käsbohrer, A	Comparison of approaches for source attribution of ESBL-producing Escherichia coli in Germany	2022		PLOS ONE

A108	Zara, ES; Vital, PG	Phylogroup typing and carbapenem resistance of <i>Escherichia coli</i> from agricultural samples in Metro Manila, Philippines	2022	agricultural soil; animal feces; carbapenem resistance; fresh produce; gastrointestinal disease; <i>Escherichia coli</i> ; Philippines; phylogroup; irrigation water	JOURNAL OF ENVIRONMENTAL SCIENCE AND HEALTH PART B-PESTICIDES FOOD CONTAMINANTS AND AGRICULTURAL WASTES
A109	Murawska, M; Sypecka, M; Bartosik, J; Kwiecien, E; Rzewuska, M; Salamaszynska-Guz, A	Should We Consider Them as a Threat? Antimicrobial Resistance, Virulence Potential and Genetic Diversity of <i>Campylobacter</i> spp. Isolated from Varsovian Dogs	2022	<i>Campylobacter jejuni</i> ; antimicrobial resistance; virulence factors; PFGE; dogs	ANTIBIOTICS-BASEL
A110	Furuya, Y; Matsuda, M; Harada, S; Kumakawa, M; Shirakawa, T; Uchiyama, M; Akama, R; Ozawa, M; Kawanishi, M; Shimazaki, Y; Sekiguchi, H	Nationwide Monitoring of Antimicrobial-Resistant <i>Escherichia coli</i> and <i>Enterococcus</i> spp. Isolated From Diseased and Healthy Dogs and Cats in Japan	2022	<i>Escherichia coli</i> ; <i>Enterococcus</i> spp; monitoring; antimicrobial-resistant; companion animals	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE

A111	Nobrega, D; Peirano, G; Pitout, JDD	Escherichia coli sequence type 73 bloodstream infections in a centralized Canadian region and their association with companion animals: an ecological study	2022	Bloodstream infections; Cats; Dogs; Escherichia coli; Population-based surveillance	INFECTION
A112	Cui, LL; Zhao, XN; Li, RB; Han, Y; Hao, GJ; Wang, GS; Sun, SH	Companion Animals as Potential Reservoirs of Antibiotic Resistant Diarrheagenic Escherichia coli in Shandong, China	2022	antimicrobial resistance; Escherichia coli; ESBLs; phenotype; companion animals; diarrheagenic	ANTIBIOTICS-BASEL
A113	Gruel, G; Couvin, D; Guyomard-Rabenirina, S; Arlet, G; Bambou, JC; Pot, M; Roy, X; Talarmin, A; Tressieres, B; Ferdinand, S; Breurec, S	High Prevalence of blaCTXM-1/IncI1-Iy/ST3 Plasmids in Extended-Spectrum β -Lactamase-Producing Escherichia coli Isolates Collected From Domestic Animals in Guadeloupe (French West Indies)	2022	Enterobacteriaceae; Escherichia coli; ESBL; pets; shelter; nanopore; plasmid	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A114	Finsterwalder, SK; Loncaric, ; Cabal, A; Szostak, MP; Barf, LM; Marz, M; Allerberger, F; Burgener, IA; Tichy, A;	Dogs as carriers of virulent and resistant genotypes of Clostridioides difficile	2022	antimicrobial resistance; multilocus sequence typing; One Health; whole-genome sequencing	ZOONOSES AND PUBLIC HEALTH

	Fessler, AT; Schwarz, S; Monecke, S; Ehricht, R; Ruppitsch, W; Spergser, J; Künzel, F				
A115	Yudhanto, S; Hung, CC; Maddox, CW; Varga, C	Antimicrobial Resistance in Bacteria Isolated From Canine Urine Samples Submitted to a Veterinary Diagnostic Laboratory, Illinois, United States	2022	urinary tract infection; bacteria; antimicrobial resistance; Illinois; dog; USA (America)	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE
A116	Adiguzel, MC; Schaefer, K; Rodriguez, T; Ortiz, J; Sahin, O	Prevalence, Mechanism, Genetic Diversity, and Cross-Resistance Patterns of Methicillin-Resistant Staphylococcus Isolated from Companion Animal Clinical Samples Submitted to a Veterinary Diagnostic Laboratory in the Midwestern United States	2022	methicillin-resistant Staphylococcus; companion animals; clinical cases; antimicrobial resistance; genetic diversity; PBP2a; mec genes; veterinary diagnostic laboratory	ANTIBIOTICS-BASEL
A117	Kuang, X; Yang, RS; Ye, XQ; Sun, J; Liao, XP; Liu, YH; Yu, Y	NDM-5-Producing Escherichia coli Co-Harboring mcr-1 Gene in Companion Animals in China	2022	NDM-5; MCR-1; companion animals	ANIMALS
A118	Medina-Pizzali, ML; Venkatesh, A; Riveros, M; Cuicapuza, D;	Whole-Genome Characterisation of ESBL-Producing E. coli Isolated from	2022	phylogenomic analysis; one health; ESBL-producing E.	ANTIBIOTICS-BASEL

	Salmon-Mulanovich, G; Mäusezahl, D; Hartinger, SM	Drinking Water and Dog Faeces from Rural Andean Households in Peru		coli; carbapenem resistance; whole-genome sequencing	
A119	Pumphrey, SA; Wayne, AS	Patterns of bacterial culture and antimicrobial susceptibility test results for dogs with retrobulbar abscesses: 133 cases (2002-2019)	2022		JAVMA-JOURNAL OF THE AMERICAN VETERINARY MEDICAL ASSOCIATION
A120	Teng, L; Liao, SH; Zhou, X; Jia, CH; Feng, MY; Pan, H; Ma, ZX; Yue, M	Prevalence and Genomic Investigation of Multidrug-Resistant Salmonella Isolates from Companion Animals in Hangzhou, China	2022	Salmonella; pets; prevalence; antimicrobial resistance; whole genome sequencing	ANTIBIOTICS-BASEL
A121	Ferradas, C; Cotter, C; Shahbazian, JH; Iverson, SA; Baron, P; Misic, AM; Brazil, AM; Rankin, SC; Nachamkin, I; Ferguson, JM; Peng, RD; Bilker, WB; Lautenbach, E; Morris, DO; Lescano, AG; Davis, MF	Risk factors for antimicrobial resistance among Staphylococcus isolated from pets living with a patient diagnosed with methicillin-resistant Staphylococcus aureus infection	2022	antimicrobial resistance; domestic animals; multidrug resistance; Staphylococcus	ZOONOSES AND PUBLIC HEALTH

A122	Martins, E; Maboni, G; Battisti, R; da Costa, L; Selva, HL; Levitzki, ED; Gressler, LT	High rates of multidrug resistance in bacteria associated with small animal otitis: A study of cumulative microbiological culture and antimicrobial susceptibility	2022	External otitis; Cats and dogs; Microbiological profile; Antimicrobial susceptibility; Multidrug resistance	MICROBIAL PATHOGENESIS
A123	Melo, RT; Oliveira, RP; Silva, BF; Monteiro, GP; Saut, JPE; Costa, LRM; Dias, SD; Rossi, DA	Phylogeny and Virulence Factors of Escherichia coli Isolated from Dogs with Pyometra	2022	E. coli; canine pyometra; urine; uterus; virulence genes	VETERINARY SCIENCES
A124	Redding, LE; Tu, V; Abbas, A; Alvarez, M; Zackular, JP; Gu, C; Bushman, FD; Kelly, DJ; Barnhart, D; Lee, J; Bittinger, KL	Genetic and phenotypic characteristics of Clostridium (Clostridioides) difficile from canine, bovine, and pediatric populations	2022	Clostridioides difficile; Zoonosis; Phylogenetics; Antimicrobial resistance; Animal reservoir	ANAEROBE
A125	Menezes, MP; Borzi, MM; Ruaro, MA; Cardozo, MV; Rabelo, RC; Verbisck, NV; Moraes, PC	Multidrug-Resistant Bacteria Isolated From Surgical Site of Dogs, Surgeon's Hands and Operating Room in a Veterinary Teaching Hospital in Brazil	2022	antimicrobial resistance; community pathogen; enterobacteria; Enterococcus spp; methicillin-resistant	TOPICS IN COMPANION ANIMAL MEDICINE

				Staphylococcus; surgical environment	
A126	Tegegne, HA; Madec, JY; Haenni, M	Is methicillin-susceptible Staphylococcus aureus (MSSA) CC398 a true animal-independent pathogen?	2022	MSSA; CC398; t571; Whole genome sequencing; Antimicrobial resistance; Animal	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE
A127	Algammal, AM; El-Tarabili, RM; Alfifi, KJ; Al-Otaibi, AS; Hashem, MEA; El-Maghraby, MM; Mahmoud, AE	Virulence determinant and antimicrobial resistance traits of Emerging MDR Shiga toxigenic E.coli in diarrheic dogs	2022	STEC; Dogs; Antibiogram; MDR; Antimicrobial resistance genes; Virulence determinants	AMB EXPRESS
A128	Zhang, ZB; Zhang, L; Dai, HG; Zhang, HX; Song, Y; An, Q; Wang, JZ; Xia, ZF	Multidrug-Resistant Klebsiella pneumoniae Complex From Clinical Dogs and Cats in China: Molecular Characteristics, Phylogroups, and Hypervirulence-Associated Determinants	2022	Klebsiella pneumoniae complex; dog; cat; whole-genome sequence; multidrug resistance	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE
A129	Aslantas, Ö	Investigation of Faecal Carriage of High-Level Gentamicin Resistant Enterococci in Dogs and Cats	2022	Cat; Dog; Enterococci; Faecal carriage; High Level Gentamicin	ISRAEL JOURNAL OF VETERINARY MEDICINE

				Resistance; Virulence genes	
A130	Marques, C; Belas, A; Menezes, J; da Silva, JM; Cavaco-Silva, P; Trigueiro, G; Gama, LT; Pomba, C	Human and Companion Animal <i>Proteus mirabilis</i> Sharing	2022	<i>Proteus mirabilis</i> ; companion animals; humans; sharing; reservoirs	MICROBIOLOGY RESEARCH
A131	Moon, DC; Choi, JH; Boby, N; Kim, SJ; Song, HJ; Park, HS; Gil, MC; Yoon, SS; Lim, SK	Prevalence of Bacterial Species in Skin, Urine, Diarrheal Stool, and Respiratory Samples in Cats	2022	prevalence; nationwide surveillance; companion animals; infections	PATHOGENS
A132	Soonthornsit, J; Apiratwarrasakul, S; Phumthanakorn, N	Clinical characteristics, antimicrobial resistance and treatment outcomes of multidrug-resistant <i>Escherichia coli</i> infection in dogs and cats at a veterinary teaching hospital in Thailand	2022	<i>Escherichia coli</i> ; dogs; cats; multidrug-resistant; treatment outcomes	THAI JOURNAL OF VETERINARY MEDICINE
A133	Ribeiro, RAC; Gomes, DO; Queiroz, CL; Araújo, CDC; Costa, PB; Crivellenti, SBC; Crivellenti, LZ; Lima, AMC	Canine Cystitis - Biofilm Formation by Bacterial Isolates	2022	sessile bacteria; urine; simple cystitis; antibiotic resistance	ACTA SCIENTIAE VETERINARIAE

A134	Weese, JS; O'Brien, T; Bateman, S	Fecal shedding of extended-spectrum beta-lactamase-producing Enterobacterales in cats admitted to an animal shelter	2022	Antimicrobial resistance; gastrointestinal; microbiota; surveillance	JOURNAL OF FELINE MEDICINE AND SURGERY
A135	Fessler, AT; Scholtzek, AD; Schug, AR; Kohn, B; Weingart, C; Hanke, D; Schink, AK; Bethe, A; Luebke-Becker, A; Schwarz, S	Antimicrobial and Biocide Resistance among Canine and Feline Enterococcus faecalis, Enterococcus faecium, Escherichia coli, Pseudomonas aeruginosa, and Acinetobacter baumannii Isolates from Diagnostic Submissions	2022	dog; cat; infections; E; faecalis; faecium; coli; P; aeruginosa; A; baumannii; antimicrobial resistance (AMR); biocide susceptibility	ANTIBIOTICS-BASEL
A136	Fessler, AT; Scholtzek, AD; Schug, AR; Kohn, B; Weingart, C; Schink, AK; Bethe, A; Luebke-Becker, A; Schwarz, S	Antimicrobial and Biocide Resistance among Feline and Canine Staphylococcus aureus and Staphylococcus pseudintermedius Isolates from Diagnostic Submissions	2022	dog; cat; infections; S; aureus; MRSA; pseudintermedius; MRSP; antimicrobial resistance; biocide susceptibility	ANTIBIOTICS-BASEL
A137	Thomson, P; Garcia, P; Miles, J; Isla, D; Yanez, C; Santibanez, R; Nunez, A; Flores-Yanez, C; del Rio, C; Cuadra, F	Isolation and Identification of Staphylococcus Species Obtained from Healthy Companion Animals and Humans	2022	antimicrobial susceptibility testing; human; dogs; cats; Staphylococcus spp; resistance	VETERINARY SCIENCES

A138	Jonker, A; Gouws, J; Kapp, ER; Henning, A	Isolation of a multidrug-resistant <i>Escherichia coli</i> pathotype Stx2:Cnf1:Cnf2:Eae as a potential cause of hemorrhagic diarrhea and secondary septicemia in a dog	2022	antimicrobial resistance; canine; <i>Escherichia coli</i> ; virulence factors	JOURNAL OF VETERINARY DIAGNOSTIC INVESTIGATION
A139	Maeda, T; Tsuyuki, Y; Goto, M; Yoshida, H; Fujita, T; Takahashi, T	Dog/cat-origin quinolone-resistant <i>Streptococcus agalactiae</i> isolates with point mutations in quinolone resistance-determining regions: Relatedness with clonal complex 10	2022	Clonal complex; Companion animals; Point mutation; Quinolone-resistance; <i>Streptococcus agalactiae</i>	JOURNAL OF INFECTION AND CHEMOTHERAPY
A140	Ribeiro, MG; de Moraes, ABC; Alves, AC; Bolaños, CAD; de Paula, CL; Portilho, FVR; de Nardi, G Jr; Lara, GHB; Martins, LDA; Moraes, LS; Riseti, RM; Guerra, ST; Bello, TS; Siqueira, AK; Bertolini, AB; Rodrigues, CA; Paschoal, NR; de Almeida, BO; Listoni,	<i>Klebsiella</i> -induced infections in domestic species: a case-series study in 697 animals (1997-2019)	2022	<i>Klebsiella pneumoniae</i> ; Livestock; Companion animals; Clinical and epidemiological aspects; Multidrug-resistant bacteria	BRAZILIAN JOURNAL OF MICROBIOLOGY

	FJP; Sánchez, LFG; Paes, AC				
A141	Allen, JL; Doidge, NP; Bushell, RN; Browning, GF; Marena, MS	Healthcare-associated infections caused by chlorhexidine-tolerant <i>Serratia marcescens</i> carrying a promiscuous IncHI2 multi-drug resistance plasmid in a veterinary hospital	2022		PLOS ONE
A142	Butaye, P; Stegger, M; Moodley, A; Damborg, P; Williams, A; Halliday-Simmonds, I; Guardabassi, L	One Health Genomic Study of Human and Animal <i>Klebsiella pneumoniae</i> Isolated at Diagnostic Laboratories on a Small Caribbean Island	2022	<i>Klebsiella pneumoniae</i> ; One Health; vervet; animal; whole genome sequencing	ANTIBIOTICS-BASEL
A143	Chantharothaiphachit, T; Phongaran, D; Angkittitrakul, S; Aunpromma, S; Chuanchuen, R	Clinically healthy household dogs and cats as carriers of multidrug-resistant <i>Salmonella enterica</i> with variable R plasmids	2022	antibiotic resistance; cats; dogs; class 1 integrons; <i>Salmonella enterica</i> ; plasmid	JOURNAL OF MEDICAL MICROBIOLOGY
A144	Cormier, AC; Chalmers, G; Zamudio, R; Mulvey, MR; Mather, AE; Boerlin, P	Diversity of blaCTX-M-1-carrying plasmids recovered from <i>Escherichia coli</i> isolated from Canadian domestic animals	2022		PLOS ONE

A145	Iannino, F; Di Donato, G; Salucci, S; Ruggieri, E; Vincifori, G; Danzetta, ML; Dalla Villa, P; Di Giannatale, E; Lotti, G; De Massis, F	Campylobacter and risk factors associated with dog ownership: a retrospective study in household and shelter dogs	2022	Campylobacter; Campylobacteriosis; Dog; Risk factors; Zoonosis; Shelter; Antimicrobial resistance	VETERINARIA ITALIANA
A146	Razali, K; Kaidi, R; Giarratana, F; Ait-Oudhia, KH	Staphylococci and zoonotic potential: oral carriage and antibiotic susceptibility in healthy dogs and cats in Algeria	2022	Algeria; Antibiotic susceptibility; bites; Dog and cat; Oral cavity; Staphylococci	JOURNAL OF THE HELLENIC VETERINARY MEDICAL SOCIETY
A147	Maksimovic, Z; Dizdarevic, J; Babic, S; Rifatbegovic, M	Antimicrobial Resistance in Coagulase-Positive Staphylococci Isolated from Various Animals in Bosnia and Herzegovina	2022	Staphylococcus aureus; Staphylococcus pseudintermedius; mecA; methicillin resistance; animals; MRSP	MICROBIAL DRUG RESISTANCE
A148	Cocca, G; Piva, S; Del Magno, S; Scarpellini, R; Giacometti, F; Serraino, A; Giunti, M	Prevalence and Patterns of Antimicrobial Resistance among Escherichia coli and Staphylococcus spp. in a Veterinary University Hospital	2021	intensive care unit; dogs; cats; carbapenems; multi drug resistance	VETERINARY SCIENCES

A149	Liu, FL; Kuan, NL; Yeh, KS	Presence of the Extended-Spectrum- β -Lactamase and Plasmid-Mediated AmpC-Encoding Genes in Escherichia coli from Companion Animals-A Study from a University-Based Veterinary Hospital in Taipei, Taiwan	2021	extended-spectrum-beta-lactamase; plasmid-mediated AmpC; Escherichia coli; companion animals	ANTIBIOTICS-BASEL
A150	Pehlivanoglu, F; Sababoglu, E	CHARACTERISATION OF AmpC / ESBL GENES IN SOME PATHOGEN GRAM-NEGATIVES ISOLATED FROM CLINICAL CASES OF LIVESTOCK AND COMPANION ANIMALS	2021	beta-lactamase; dog; Enterobacterales; Pseudomonas aeruginosa; ruminant	ACTA VETERINARIA-BEOGRAD
A151	Sato, T; Yokota, SI; Tachibana, T; Tamai, S; Maetani, S; Tamura, Y; Horiuchi, M	Isolation of Human Lineage, Fluoroquinolone-Resistant and Extended- β -Lactamase-Producing Escherichia coli Isolates from Companion Animals in Japan	2021	fluoroquinolone-resistance; ESBL; Escherichia coli; dogs; cats	ANTIBIOTICS-BASEL
A152	Dégi, J; Imre, K; Herman, V; Bucur, I; Radulov, I; Petrec, OC; Cristina, RT	Antimicrobial Drug-Resistant Salmonella in Urban Cats: Is There an Actual Risk to Public Health?	2021	Salmonella; zoonotic; cats; public health	ANTIBIOTICS-BASEL
A153	Nittayasut, N; Yindee, J; Boonkham, P; Yata, T;	Multiple and High-Risk Clones of Extended-Spectrum Cephalosporin-Resistant and	2021	bla (CTX-M); carbapenemase; pet;	ANTIBIOTICS-BASEL

	Suanpairintr, N; Chanchaithong, P	blaNDM-5-Harboured Uropathogenic Escherichia coli from Cats and Dogs in Thailand		clones; uropathogenic Escherichia coli	
A154	Qekwana, DN; Odoi, A; Oguttu, JW	Efficacy Profiles of Antimicrobials Evaluated against Staphylococcus Species Isolated from Canine Clinical Specimens	2021	antimicrobial resistance; efficacy; Staphylococcus; principal components analysis; PCA; factor analysis; eigenvalues	ANIMALS
A155	Finisterra, L; Duarte, B; Peixe, L; Novais, C; Freitas, AR	Industrial dog food is a vehicle of multidrug-resistant enterococci carrying virulence genes often linked to human infections	2021	Pet food; Enterococcus; One health; vanA; optrA; poxA	INTERNATIONAL JOURNAL OF FOOD MICROBIOLOGY
A156	Hayashi, W; Izumi, K; Yoshida, S; Takizawa, S; Sakaguchi, K; Iyori, K; Minoshima, K; Takano, S; Kitagawa, M; Nagano, Y; Nagano, N	Antimicrobial Resistance and Type III Secretion System Virulotypes of Pseudomonas aeruginosa Isolates from Dogs and Cats in Primary Veterinary Hospitals in Japan: Identification of the International High-Risk Clone Sequence Type 235	2021	Pseudomonas aeruginosa; companion animal; T3SS; ST235	MICROBIOLOGY SPECTRUM
A157	Moon, DC; Mechesso, AF; Kang, HY; Kim, SJ;	Imipenem Resistance Mediated by blaOXA-913 Gene in Pseudomonas aeruginosa	2021	bla (OXA-913); imipenem; P; aeruginosa;	ANTIBIOTICS-BASEL

	Choi, JH; Song, HJ; Yoon, SS; Lim, SK			resistance mechanism	
A158	Bierowiec, K; Miszczak, M; Korzeniowska-Kowal, A; Wzorek, A; Plókarz, D; Gamian, A	Epidemiology of Staphylococcus pseudintermedius in cats in Poland	2021		SCIENTIFIC REPORTS
A159	Dazio, V; Nigg, A; Schmidt, JS; Brillhante, M; Campos-Madueno, EI; Mauri, N; Kuster, SP; Brawand, SG; Willi, B; Endimiani, A; Perreten, V; Schuller, S	Duration of carriage of multidrug-resistant bacteria in dogs and cats in veterinary care and co-carriage with their owners	2021	Carbapenemase-producing Enterobacterales; Extended-spectrum beta-lactamase; Transmission; Co-carriage; Companion animal	ONE HEALTH
A160	Fonseca, JD; Mavrides, DE; Graham, PA; McHugh, TD	Results of urinary bacterial cultures and antibiotic susceptibility testing of dogs and cats in the UK	2021		JOURNAL OF SMALL ANIMAL PRACTICE
A161	Mavrides, DE; Morgan, AL; Na, JG; Graham, PA; McHugh, TD	Antimicrobial resistance profiles of bacteria associated with lower respiratory tract infections in cats and dogs in England	2022		VETERINARY RECORD

A162	Carvalho, I; Cunha, R; Martins, C; Martínez-Alvarez, S; Chenouf, NS; Pimenta, P; Pereira, AR; Ramos, S; Sadi, M; Martins, A; Façanha, J; Rabbi, F; Capita, R; Alonso-Calleja, C; Dapkevicius, MDNE; Igrejas, G; Torres, C; Poeta, P	Antimicrobial Resistance Genes and Diversity of Clones among Faecal ESBL-Producing <i>Escherichia coli</i> Isolated from Healthy and Sick Dogs Living in Portugal	2021	antimicrobial resistance; dogs; <i>Escherichia coli</i> ; ESBL; CTX-M-15; CTX-M-1; CTX-M-32; CTX-M-55; CTX-M-14; qAmpC; CMY-2	ANTIBIOTICS-BASEL
A163	Sim, JJ; Lau, SF; Omar, S; Watanabe, M; Aslam, MW	A Retrospective Study on Bacteriology, Clinicopathologic and Radiographic Features in 28 Cats Diagnosed with Pyothorax	2021	feline; pyothorax; radiograph; bacteria; antimicrobial resistance	ANIMALS
A164	Singleton, DA; Pongchaikul, P; Smith, S; Bengtsson, RJ; Baker, K; Timofte, D; Steen, S; Jones, M; Roberts, L; Sánchez-Vizcaíno, F; Dawson, S; Noble, PJM;	Temporal, Spatial, and Genomic Analyses of Enterobacteriaceae Clinical Antimicrobial Resistance in Companion Animals Reveals Phenotypes and Genotypes of One Health Concern	2021	antimicrobial resistance; companion animal; surveillance; digital health; <i>Escherichia coli</i> ; one health	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY

	Radford, AD; Pinchbeck, GL; Williams, NJ				
A165	Phumthanakorn, N; Prapasarakul, N; Yindee, J; Gronsang, D	Frequency, Distribution, and Antimicrobial Resistance of Coagulase-Negative Staphylococci Isolated from Clinical Samples in Dogs and Cats	2022	antimicrobial resistance; cats; coagulase-negative staphylococci; dogs; SCCmec	MICROBIAL DRUG RESISTANCE
A166	János, D; Viorel, H; Ionica, I; Corina, P; Tiana, F; Roxana, D	Carriage of Multidrug Resistance Staphylococci in Shelter Dogs in Timisoara, Romania	2021	staphylococci; dogs; resistance; public health	ANTIBIOTICS-BASEL
A167	Curran, K; Leeper, H; O'Reilly, K; Jacob, J; Bermudez, LE	An Analysis of the Infections and Determination of Empiric Antibiotic Therapy in Cats and Dogs with Cancer-Associated Infections	2021	antibiotics; infection; patients; cancer; treatment; empiric; dogs; cats	ANTIBIOTICS-BASEL
A168	Nocera, FP; Ambrosio, M; Fiorito, F; Cortese, L; De Martino, L	On Gram-Positive- and Gram-Negative-Bacteria-Associated Canine and Feline Skin Infections: A 4-Year Retrospective Study of the University Veterinary Microbiology Diagnostic Laboratory of Naples, Italy	2021	Gram-positive and Gram-negative bacteria; pet animals; skin infections; antibiotic resistance	ANIMALS
A169	Papic, B; Golob, M; Zdovc, I; Kusar, D; Avbersek, J	Genomic insights into the emergence and spread of methicillin-resistant	2021	Antimicrobial susceptibility testing; Epidemiology;	VETERINARY MICROBIOLOGY

		Staphylococcus pseudintermedius in veterinary clinics		Methicillin-resistant Staphylococcus; pseudintermedius (MRSP); Small animal clinic; Whole-genome sequencing (WGS)	
A170	Iyori, K; Shishikura, T; Shimoike, K; Minoshima, K; Imanishi, I; Toyoda, Y	Influence of hospital size on antimicrobial resistance and advantages of restricting antimicrobial use based on cumulative antibiograms in dogs with Staphylococcus pseudintermedius infections in Japan	2021		VETERINARY DERMATOLOGY
A171	Rumi, MV; Nuske, E; Mas, J; Argüello, A; Gutkind, G; Di Conza, J	Antimicrobial resistance in bacterial isolates from companion animals in Buenos Aires, Argentina: 2011-2017 retrospective study	2021	antimicrobial resistance; cats; dogs; E; coli; Enterobacterales; Enterococcus; multidrug-resistant; Pseudomonas; Staphylococcus; Streptococcus; trends	ZOONOSES AND PUBLIC HEALTH

A172	Benavides, JA; Salgado-Caxito, M; Opazo-Capurro, A; Muñoz, PG; Piñeiro, A; Medina, MO; Rivas, L; Munita, J; Millán, J	ESBL-Producing <i>Escherichia coli</i> Carrying CTX-M Genes Circulating among Livestock, Dogs, and Wild Mammals in Small-Scale Farms of Central Chile	2021	antimicrobial resistance; bla; (CTX-M); Chile; domestic animals; E; <i>coli</i> ; extended-spectrum beta-lactamases; wildlife	ANTIBIOTICS-BASEL
A173	Yang, C; Shao, WF; Wei, LL; Chen, LX; Zhu, AH; Pan, ZM	Subtyping <i>Salmonella</i> isolated from pet dogs with multilocus sequence typing (MLST) and clustered regularly interspaced short palindromic repeats (CRISPRs)	2021	<i>Salmonella</i> ; Pet; Multilocus sequence typing; Clustered regularly interspaced short palindromic repeats; Molecular subtyping	AMB EXPRESS
A174	Rynhoud, H; Forde, BM; Beatson, SA; Abraham, S; Meler, E; Magalhaes, RJS; Gibson, JS	Molecular Epidemiology of Clinical and Colonizing Methicillin-Resistant <i>Staphylococcus</i> Isolates in Companion Animals	2021	virulence; resistance; methicillin resistant <i>Staphylococcus</i> <i>aureus</i> ; methicillin resistant <i>Staphylococcus</i> <i>pseudintermedius</i> ; molecular	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE

				epidemiology; colonized	
A175	Amphaiphan, C; Yano, T; Som-in, M; Kungwong, P; Wongsawan, K; Pusoonthornthum, R; Salman, MD; Tangtrongsup, S	Antimicrobial drug resistance profile of isolated bacteria in dogs and cats with urologic problems at Chiang Mai University Veterinary Teaching Hospital, Thailand (2012-2016)	2021	antimicrobial resistance; antimicrobial susceptibility; dogs; urinary tract infection	ZOONOSES AND PUBLIC HEALTH
A176	Hattab, J; Mosca, F; Di Francesco, CE; Aste, G; Marruchella, G; Guardiani, P; Tiscar, PG	Occurrence, antimicrobial susceptibility, and pathogenic factors of <i>Pseudomonas aeruginosa</i> in canine clinical samples	2021	antimicrobial susceptibility; biofilm; dog infection; extracellular pathogenic factors; <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	VETERINARY WORLD
A177	Troscianczyk, A; Nowakiewicz, A; Gnat, S; Lagowski, D; Osinska, M	Are dogs and cats a reservoir of resistant and virulent <i>Enterococcus faecalis</i> strains and a potential threat to public health?	2021	antimicrobials; gene expression; genotyping; PCR (polymerase chain reaction); virulence	JOURNAL OF APPLIED MICROBIOLOGY
A178	Salgado-Caxito, M; Benavides, JA; Munita, JM; Rivas, L; García, P;	Risk factors associated with faecal carriage of extended-spectrum	2021	Antimicrobial resistance; Companion animals;	PREVENTIVE VETERINARY MEDICINE

	Listoni, FJP; Moreno-Switt, AI; Paes, AC	cephalosporin-resistant <i>Escherichia coli</i> among dogs in Southeast Brazil		Deworming; <i>E. coli</i> ; Extended-spectrum beta-lactamase; Latin America	
A179	Carvalho, I; Chenouf, NS; Cunha, R; Martins, C; Pimenta, P; Pereira, AR; Martínez-Alvarez, S; Ramos, S; Silva, V; Igrejas, G; Torres, C; Poeta, P	Antimicrobial Resistance Genes and Diversity of Clones among ESBL- and Acquired AmpC-Producing <i>Escherichia coli</i> Isolated from Fecal Samples of Healthy and Sick Cats in Portugal	2021	antimicrobial resistance; <i>E. coli</i> ; cats; public health; extended spectrum beta-lactamase (ESBL); AmpC beta-lactamase; CTX-M; CMY-2	ANTIBIOTICS-BASEL
A180	Chueahiran, S; Yindee, J; Boonkham, P; Suanpairintr, N; Chanchaithong, P	Methicillin-Resistant <i>Staphylococcus aureus</i> Clonal Complex 398 as a Major MRSA Lineage in Dogs and Cats in Thailand	2021	MRSA; clonal complex 398; antimicrobial resistance; cat; dog	ANTIBIOTICS-BASEL
A181	Mustapha, M; Audu, Y; Ezema, KU; Abdulkadir, JU; Lawal, JR; Balami, AG; Adamu, L; Bukar-Kolo, YM	ANTIMICROBIAL SUSCEPTIBILITY PROFILES OF <i>ESCHERICHIA COLI</i> ISOLATES FROM DIARRHEIC DOGS IN MAIDUGURI, BORNO STATE, NIGERIA	2021	<i>Escherichia coli</i> ; dogs; diarrhea; antimicrobial susceptibility	MACEDONIAN VETERINARY REVIEW

A182	Yoshida, H; Goto, M; Fukushima, Y; Maeda, T; Tsuyuki, Y; Takahashi, T	Intracellular Invasion Ability and Associated Microbiological Characteristics of <i>Streptococcus canis</i> in Isolates from Japan	2021		JAPANESE JOURNAL OF INFECTIOUS DISEASES
A183	Zhang, ZB; Lei, L; Zhang, HX; Dai, HG; Song, Y; Li, L; Wang, Y; Xia, ZF	Molecular Investigation of <i>Klebsiella pneumoniae</i> from Clinical Companion Animals in Beijing, China, 2017-2019	2021	Klebsiella pneumonia; companion animals; carbapenem-resistant; hypervirulent; multidrug-resistant	PATHOGENS
A184	Sellera, FP; Fuga, B; Fontana, H; Esposito, F; Cardoso, B; Konno, S; Berl, C; Cappellanes, MH; Cortez, M; Ikeda, M; de Souza, CM; Cerdeira, L; Lincopan, N	Detection of IncN-pST15 one-health plasmid harbouring blaKPC-2 in a hypermucoviscous <i>Klebsiella pneumoniae</i> CG258 isolated from an infected dog, Brazil	2021	carbapenemase; global priority pathogens; one health; pets; plasmidome	TRANSBOUNDARY AND EMERGING DISEASES
A185	Dazio, V; Nigg, A; Schmidt, JS; Brillhante, M; Mauri, N; Kuster, SP; Brawand, SG; Schüpbach-Regula, G; Willi, B; Endimiani, A; Perreten, V; Schuller, S	Acquisition and carriage of multidrug-resistant organisms in dogs and cats presented to small animal practices and clinics in Switzerland	2021	carbapenemase-producing enterobacterales; extended-spectrum beta-lactamase; risk factors; transmission	JOURNAL OF VETERINARY INTERNAL MEDICINE

A186	Nakaminami, H; Okamura, Y; Tanaka, S; Wajima, T; Murayama, N; Noguchi, N	Prevalence of antimicrobial-resistant staphylococci in nares and affected sites of pet dogs with superficial pyoderma	2021	antimicrobial resistance; pet dog; Staphylococcus aureus; Staphylococcus pseudintermedius; Staphylococcus schleiferi	JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE
A187	Schmitt, K; Kuster, SP; Zurfluh, K; Jud, RS; Sykes, JE; Stephan, R; Willi, B	Transmission Chains of Extended-Spectrum Beta-Lactamase-Producing Enterobacteriaceae at the Companion Animal Veterinary Clinic-Household Interface	2021	antimicrobial resistance; multidrug resistance; canine; feline; ESBL; home; hospital; high-risk clone Klebsiella pneumoniae ST307	ANTIBIOTICS-BASEL
A188	Darwich, L; Seminati, C; Burballa, A; Nieto, A; Durán, I; Tarradas, N; Molina-López, RA	Antimicrobial susceptibility of bacterial isolates from urinary tract infections in companion animals in Spain	2021	antimicrobial resistance; companion animals; urinary tract infections	VETERINARY RECORD
A189	Hernando, E; Vila, A; D'Ippolito, P; Rico, AJ; Rodon, J; Roura, X	Cats From Spain	2021	bacterial prevalence; seasonality; UTI; urinary culture; canine; feline	TOPICS IN COMPANION ANIMAL MEDICINE

A190	Ruiz-Ripa, L; Simón, C; Ceballos, S; Ortega, C; Zarazaga, M; Torres, C; Gómez-Sanz, E	S. pseudintermedius and S. aureus lineages with transmission ability circulate as causative agents of infections in pets for years	2021	MRSP; MRSA; MRSP-ST71; MRSA-CC398; Pets; Infection; Tn559	BMC VETERINARY RESEARCH
A191	Li, YL; Fernández, R; Durán, I; Molina-López, RA; Darwich, L	Antimicrobial Resistance in Bacteria Isolated From Cats and Dogs From the Iberian Peninsula	2021	antimicrobial resistance; bacteria; cats; dogs; Iberian Peninsula	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A192	Bjöersdorff, OG; Lindberg, S; Kiil, K; Persson, S; Guardabassi, L; Damborg, P	Dogs are carriers of Clostridioides difficile lineages associated with human community-acquired infections	2021	Clostridioides difficile; Dog; Environment; Zoonosis; Whole-genome sequencing; Core genome MLST; Antimicrobial susceptibility testing	ANAEROBE
A193	Ramos, PJG; Shiel, RE; Pérez, CF; Boeta, AMR; Chamizo, MRP; Aguado, JIB; Duro, NR; Ortiz-Díez, G	Antimicrobial resistance increased over an 8-years period in Enterobacteriaceae cultured from canine urine samples	2021		JOURNAL OF SMALL ANIMAL PRACTICE

A194	Chai, MH; Sukiman, MZ; Liew, YW; Shapawi, MS; Roslan, FS; Hashim, SN; Mohamad, NM; Ariffin, SMZ; Ghazali, MF	Detection, molecular characterization, and antibiogram of multi-drug resistant and methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> (MRSA) isolated from pets and pet owners in Malaysia	2021	Antibiogram; Methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> ; Multidrug-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> ; Pet animals; Pet owners	IRANIAN JOURNAL OF VETERINARY RESEARCH
A195	Elnageh, HR; Hiblu, M; Abbassi, MS; Abouzeed, YM; Ahmed, MO	Prevalence and antimicrobial resistance of <i>Salmonella</i> serotypes isolated from cats and dogs in Tripoli, Libya	2021	Antimicrobial resistance; Libya; Pets; <i>Salmonella</i> ; S. Kentucky	VETERINARIA ITALIANA
A196	Vera, MCM; Enríquez, CC	Isolation of <i>Morganella morganii</i> and <i>Staphylococcus aureus</i> in a canine patient with skin and soft tissue injury: case report	2021	bacteria; dog; skin; necrosis; slough	REVISTA DE INVESTIGACIONES VETERINARIAS DEL PERU
A197	Shimizu, T; Tsuyuki, Y; Shimoike, K; Iyori, K; Miyamoto, T; Harada, K	Antimicrobial resistance and multilocus sequence types of <i>Stenotrophomonas maltophilia</i> isolated from dogs and cats in Japan	2021	antimicrobial resistance; companion animals; multilocus sequence type; <i>Stenotrophomonas maltophilia</i>	JOURNAL OF MEDICAL MICROBIOLOGY

A198	Tinmaz, T; Çelik, B; Halaç, B; Bağcigil, AF	Characterization of Pasteurella multocida isolates recovered from the oral flora of cats	2021	Antimicrobial susceptibility; capsular typing; cat; oral swab; Pasteurella multocida	ANKARA UNIVERSITESI VETERINER FAKULTESI DERGISI
A199	Munro, MJL; Byrne, BA; Sykes, JE	Feline mycobacterial disease in northern California: Epidemiology, clinical features, and antimicrobial susceptibility	2021	atypical bacteria; antimicrobial; cutaneous; panniculitis; systemic; treatment	JOURNAL OF VETERINARY INTERNAL MEDICINE
A200	Rey, LMR; Guaitolini, CRD; Fazoli, KGZ; da Silva, LL; Fendriço, TT; dos Santos, IC; Zaniolo, MM; Martins, LD; Gonçalves, DD	Microbiome and Antimicrobial Resistance in Members of the Enterobacteriaceae Family from Vaginal and Preputial Mucous Isolates of Stray Dogs	2020	antibiotics; reproductive mucosae; enterobacteria; Unique Health; border region	ACTA SCIENTIAE VETERINARIAE
A201	Askari, A; Ghanbarpour, R; Akhtardanesh, B; Aflatoonian, MR; Sharifi, H; Jajarmi, M; Molaei, R	Detection of zoonotic diarrheagenic pathotypes of Escherichia coli in healthy household dogs	2020	Escherichia coli; Virulence; Dog; Zoonotic enteropathogens	IRANIAN JOURNAL OF MICROBIOLOGY
A202	Gómez-Beltrán, DA; Villar, D; López-Osorio, S; Ferguson, D;	Prevalence of Antimicrobial Resistance in Bacterial Isolates from Dogs and Cats in a Veterinary Diagnostic Laboratory in Colombia from 2016-2019	2020	antimicrobial resistance; multidrug resistance; dogs; cats; Colombia	VETERINARY SCIENCES

	Monsalve, LK; Chaparro-Gutiérrez, JJ				
A203	Razali, K; Kaidi, R; Abdelli, A; Menoueri, MN; Ait-Oudhia, K	Oral flora of stray dogs and cats in Algeria: Pasteurella and other zoonotic bacteria	2020	Algeria; bite; dogs and cats; oral flora; Pasteurella	VETERINARY WORLD
A204	Scarborough, R; Bailey, K; Galgut, B; Williamson, A; Hardefeldt, L; Gilkerson, J; Browning, G	Use of Local Antibigram Data and Antimicrobial Importance Ratings to Select Optimal Empirical Therapies for Urinary Tract Infections in Dogs and Cats	2020	veterinary; antimicrobial; antibiotic; susceptibility; resistance; stewardship; guidelines; feline; canine; urine	ANTIBIOTICS-BASEL
A205	Thanissery, R; McLaren, MR; Rivera, A; Reed, AD; Betrapally, NS; Burdette, T; Winston, JA; Jacob, M; Callahan, BJ; Theriot, CM	Clostridioides difficile carriage in animals and the associated changes in the host fecal microbiota	2020	C. difficile; C. hiranonis; Microbiome; Ribotype; Antibiotic resistance; Animal; Canine; Equine; Feline	ANAEROBE
A206	Sfaciotte, RAP; Parussolo, L; Melo, FD; Wildemann, P; Bordignon, G; Israel, ND; Leitzke, M; Wosiacki,	Identification and Characterization of Multidrug-Resistant Extended-Spectrum Beta-Lactamase-Producing Bacteria from Healthy and Diseased Dogs and	2021	multidrug resistance; veterinary hospital; TEM; CTX-M; small animals; ESBL	MICROBIAL DRUG RESISTANCE

	SR; Salbego, FZ; da Costa, UM; Ferraz, SM	Cats Admitted to a Veterinary Hospital in Brazil			
A207	Camargo, VE; Arias, MVB; Perugini, MRE	Clinical and microbiological characteristics of dogs in sepsis in an academic veterinary hospital in the north of Parana	2020	Clinics; microbiology; sepsis; dogs; bacteria; blood culture; bacteremia; Brazil	PESQUISA VETERINARIA BRASILEIRA
A208	Flament-Simon, SC; de Toro, M; García, V; Blanco, JE; Blanco, M; Alonso, MP; Goicoa, A; Díaz-González, J; Nicolas-Chanoine, MH; Blanco, J	Molecular Characteristics of Extraintestinal Pathogenic E. coli (ExPEC), Uropathogenic E. coli (UPEC), and Multidrug Resistant E. coli Isolated from Healthy Dogs in Spain. Whole Genome Sequencing of Canine ST372 Isolates and Comparison with Human Isolates Causing Extraintestinal Infections	2020	Escherichia coli; dogs; virulence genes; antibiotic resistance; WGS; ST372; clonal structure	MICROORGANISMS
A209	Jung, WK; Shin, S; Park, YK; Noh, SM; Shin, SR; Yoo, HS; Park, SC; Park, YH; Park, KT	Distribution and antimicrobial resistance profiles of bacterial species in stray dogs, hospital-admitted dogs, and veterinary staff in South Korea	2020	Dog; Antimicrobial resistance; Staphylococcus spp; Enterobacterales	PREVENTIVE VETERINARY MEDICINE
A210	Ortiz-Díez, G; López, R; Sánchez-Díaz, AM; Turrientes, MC; Baquero,	Epidemiology of the colonization and acquisition of methicillin-resistant staphylococci and vancomycin-resistant	2020	Methicillin-resistant Staphylococcus spp.; Vancomycin-resistant Enterococcus spp.;	COMPARATIVE IMMUNOLOGY AND MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES

	MR; Luque, R; Maroto, A; Fernández, C; Ayllón, T	enterococci in dogs hospitalized in a clinic veterinary hospital in Spain		Dogs; Veterinary hospital; Risk factors	
A211	Souza, MM; Bordin, JT; Pavan, ACL; Rodrigues, RGA; Sfaciotte, RAP; Vignoto, VKC; Ferrante, M; Wosiacki, SR	Antimicrobial resistance evaluation of bacteria isolated from infections in small animals in the Umuarama region, Parana	2020	Antimicrobial resistance; bacteria; infection; small animals; Brazil; antibiotics; multiresistance; dogs; cats	PESQUISA VETERINARIA BRASILEIRA
A212	Eliasi, UL; Sebola, D; Oguttu, JW; Qekwana, DN	Antimicrobial resistance patterns of Pseudomonas aeruginosa isolated from canine clinical cases at a veterinary academic hospital in South Africa	2020	antimicrobial resistance; Pseudomonas aeruginosa; dogs; multi-drug resistance; veterinary	JOURNAL OF THE SOUTH AFRICAN VETERINARY ASSOCIATION
A213	de Jong, A; Youala, M; El Garch, F; Simjee, S; Rose, M; Morrissey, I; Moyaert, H	Antimicrobial susceptibility monitoring of canine and feline skin and ear pathogens isolated from European veterinary clinics: results of the ComPath Surveillance programme	2020		VETERINARY DERMATOLOGY
A214	Banerjee, A; Batabyal, K; Singh, AD; Joardar, SN; Dey, S; Isore, DP; Sar,	Multi-drug resistant, biofilm-producing high-risk clonal lineage of Klebsiella in companion and household animals	2020	companion animals; ESBL; goats; Klebsiella; sheep	LETTERS IN APPLIED MICROBIOLOGY

	TK; Dutta, TK; Bandyopadhyay, S; Samanta, I				
A215	Kidsley, AK; White, RT; Beatson, SA; Saputra, S; Schembri, MA; Gordon, D; Johnson, JR; O'Dea, M; Mollinger, JL; Abraham, S; Trott, DJ	Companion Animals Are Spillover Hosts of the Multidrug-Resistant Human Extraintestinal <i>Escherichia coli</i> Pandemic Clones ST131 and ST1193	2020	<i>Escherichia coli</i> ; companion animals; ST131; genomics; virulence genes	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A216	Chen, JW; Huang, HH; Chang, SM; Scaria, J; Chiu, YL; Chen, CM; Ko, WC; Wang, JL	Antibiotic-Resistant <i>Escherichia coli</i> and Sequence Type 131 in Fecal Colonization in Dogs in Taiwan	2020	dog; ST131; ESBL; fecal colonization; <i>Escherichia coli</i>	MICROORGANISMS
A217	Kidsley, AK; O'Dea, M; Saputra, S; Jordan, D; Johnson, JR; Gordon, DM; Turni, C; Djordjevic, SP; Abraham, S; Trott, DJ	Genomic analysis of phylogenetic group B2 extraintestinal pathogenic <i>E. coli</i> causing infections in dogs in Australia	2020	<i>Escherichia coli</i> ; Companion animals; Dogs; Cats; Genomics; Virulence genes	VETERINARY MICROBIOLOGY
A218	Loayza-Villa, F; Salinas, L; Tijet, N; Villavicencio, F; Tamayo, R; Salas, S; Rivera, R; Villacis, J;	Diverse <i>Escherichia coli</i> lineages from domestic animals carrying colistin resistance gene <i>mcr-1</i> in an Ecuadorian household	2020	Antimicrobial resistance; <i>mcr-1</i> ; IncI2 plasmids; Commensal <i>E. coli</i> ;	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE

	Satan, C; Ushiña, L; Muñoz, O; Zurita, J; Melano, R; Reyes, J; Trueba, GA			Companion animals; Horizontal gene transfer	
A219	Ngbede, EO; Poudel, A; Kalalah, A; Yang, Y; Adekanmbi, F; Adikwu, AA; Adamu, AM; Mamfe, LM; Daniel, ST; Useh, NM; Kwaga, JKP; Adah, MI; Kelly, P; Butaye, P; Wang, CM	Identification of mobile colistin resistance genes (mcr-1.1, mcr-5 and mcr-8.1) in Enterobacteriaceae and <i>Alcaligenes faecalis</i> of human and animal origin, Nigeria	2020	Mobile colistin resistance; Nigeria; <i>Enterobacteriaceae</i> ; <i>Alcaligenes faecalis</i> ; mcr; Whole-genome sequencing	INTERNATIONAL JOURNAL OF ANTIMICROBIAL AGENTS
A220	Shnaiderman-Torban, A; Navon-Venezia, S; Kelmer, E; Cohen, A; Paitan, Y; Arielly, H; Steinman, A	Extended-Spectrum β -Lactamase-Producing <i>Enterobacterale</i> Shedding by Dogs and Cats Hospitalized in an Emergency and Critical Care Department of a Veterinary Teaching Hospital	2020	ESBL-PE; antibiotic resistance; companion animals; emergency and critical care	ANTIBIOTICS-BASEL
A221	Tsuyuki, Y; Nakazawa, S; Kubo, S; Goto, M; Takahashi, T	Antimicrobial susceptibility patterns of anaerobic bacteria identified from clinical specimens of diseased dogs and cats	2020	antimicrobial resistance; companion animals; identification; Japan; veterinary anaerobes	JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE

A222	Wang, YN; Zhou, JH; Li, XR; Ma, LN; Cao, XA; Hu, W; Zhao, L; Jing, WX; Lan, X; Li, YQ; Gong, XW; Chen, QW; Stipkvits, L; Szathmary, S; Tarasiuk, K; Pejsak, Z; Liu, YS	Genetic diversity, antimicrobial resistance and extended-spectrum β -lactamase type of <i>Escherichia coli</i> isolates from chicken, dog, pig and yak in Gansu and Qinghai Provinces, China	2020	<i>Escherichia coli</i> ; Multilocus sequence typing; PCR phylogenetic typing; Drug resistance; Extended-spectrum beta-lactamase; ESBL	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE
A223	Wu, X; Angkititrakul, S; Richards, AL; Pulsrikarn, C; Khaengair, S; Keosengthong, A; Siriwong, S; Suksawat, F	Risk of Antimicrobial Resistant Non-Typhoidal <i>Salmonella</i> during Asymptomatic Infection Passage between Pet Dogs and Their Human Caregivers in Khon Kaen, Thailand	2020	antimicrobial resistance; non-typhoidal <i>Salmonella</i> ; asymptomatic infection passage; pet dogs; humans	ANTIBIOTICS-BASEL
A224	Huang, YH; Kuan, NL; Yeh, KS	Characteristics of Extended-Spectrum β -Lactamase-Producing <i>Escherichia coli</i> From Dogs and Cats Admitted to a Veterinary Teaching Hospital in Taipei, Taiwan From 2014 to 2017	2020	extended-spectrum-beta-lactamases; <i>Escherichia coli</i> ; CTX-M; multilocus sequence typing; multidrug resistance	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE
A225	Corsini, CMM; Silva, VO; Carvalho, OV; Sepulveda, RV; Valente,	Emergence of multidrug-resistant bacteria isolated from surgical site infection in dogs and cats	2020	nosocomial infection; minimal inhibitory	ARQUIVO BRASILEIRO DE MEDICINA

	FL; Reis, ECC; Moreira, MAS; Silva, A; Borges, APB			concentration; resistant pathogens	VETERINARIA ZOOTECNIA	E
A226	Eklund, M; Aaltonen, K; Sironen, T; Raunio-Saarnisto, M; Grönthal, T; Nordgren, H; Pitkälä, A; Vapalahti, O; Rantala, M	Comparison of Streptococcus halichoeri isolates from canine and fur animal infections: biochemical patterns, molecular characteristics and genetic relatedness	2020	Bacterial typing; Blue fox; Dog; Finnracon; Mink; Streptococcus	ACTA VETERINARIA SCANDINAVICA	
A227	Qekwana, DN; Naidoo, V; Oguttu, JW; Odoi, A	Occurrence and Predictors of Bacterial Respiratory Tract Infections and Antimicrobial Resistance Among Isolates From Dogs Presented With Lower Respiratory Tract Infections at a Referral Veterinary Hospital in South Africa	2020	respiratory tract infections; dog; canine; antimicrobial resistance; multidrug resistance; logistic regression; Generalized Estimating Equations; South Africa	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE	
A228	Bourély, C; Coeffic, T; Caillon, J; Thibaut, S; Cazeau, G; Jouy, E; Jarrige, N; Chauvin, C;	Trends in antimicrobial resistance among Escherichia coli from defined infections in humans and animals	2020		JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY	

	Madec, JY; Haenni, M; Leblond, A; Gay, E				
A229	Kidsley, AK; O'Dea, M; Ebrahimie, E; Mohammadi-Dehcheshmeh, M; Saputra, S; Jordan, D; Johnson, JR; Gordon, D; Turni, C; Djordjevic, SP; Abraham, S; Trott, DJ	Genomic analysis of fluoroquinolone-susceptible phylogenetic group B2 extraintestinal pathogenic <i>Escherichia coli</i> causing infections in cats	2020	<i>Escherichia coli</i> ; Companion animals; Genomics; Virulence genes	VETERINARY MICROBIOLOGY
A230	Lee, GY; Yang, SJ	Comparative assessment of genotypic and phenotypic correlates of <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> strains isolated from dogs with otitis externa and healthy dogs	2020	Methicillin-resistant; <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> ; Otitis externa; Dogs; Antimicrobial resistance; Virulence factors; Antimicrobial peptide	COMPARATIVE IMMUNOLOGY MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES
A231	Wei, LL; Yang, C; Shao, WF; Sun, TZ; Wang, JY; Zhou, ZK; Chen, CF; Zhu, AH; Pan, ZM	Prevalence and drug resistance of <i>Salmonella</i> in dogs and cats in Xuzhou, China	2020	dogs; cats; <i>Salmonella</i> ; prevalence; serotype; antimicrobial resistance	JOURNAL OF VETERINARY RESEARCH

A232	Soimala, T; Lübke-Becker, A; Hanke, D; Eichhorn, I; Fessler, AT; Schwarz, S; Eule, JC	Molecular and phenotypic characterization of methicillin-resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> from ocular surfaces of dogs and cats suffering from ophthalmological diseases	2020	Antimicrobial resistance; dru typing; MRSP; MLST; spa typing; whole genome sequencing	VETERINARY MICROBIOLOGY
A233	van Damme, CMM; Broens, EM; Auxilia, ST; Schlotter, YM	Clindamycin resistance of skin derived <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> is higher in dogs with a previous antibiotic history	2020		VETERINARY DERMATOLOGY
A234	Jung, WK; Shin, S; Park, YK; Lim, SK; Moon, DC; Park, KT; Park, YH	Distribution and antimicrobial resistance profiles of bacterial species in stray cats, hospital-admitted cats, and veterinary staff in South Korea	2020	Cat; Antimicrobial resistance; <i>Staphylococcus</i> spp; Enterobacteriaceae; Enterococcus spp	BMC VETERINARY RESEARCH
A235	Iseppi, R; Di Cerbo, A; Messi, P; Sabia, C	Antibiotic Resistance and Virulence Traits in Vancomycin-Resistant Enterococci (VRE) and Extended-Spectrum β -Lactamase/AmpC-producing (ESBL/AmpC) Enterobacteriaceae from Humans and Pets	2020	virulence factors; VRE; ESBL; humans; dogs; cats	ANTIBIOTICS-BASEL

A236	Yoshida, H; Fukushima, Y; Katayama, Y; Tsuyuki, Y; Mizutani, T; Takahashi, T	Draft Genome Sequences of Seven <i>Streptococcus canis</i> Strains Isolated from Diseased Companion Animals in Japan	2020		MICROBIOLOGY RESOURCE ANNOUNCEMENTS
A237	Kang, JH; Hwang, CY	First detection of multiresistance pRE25-like elements from <i>Enterococcus</i> spp. in <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> isolated from canine pyoderma	2020	Multidrug resistance; pRE25-like elements; <i>Staphylococcus pseudintermedius</i>	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE
A238	Pepin-Puget, L; El Garch, F; Bertrand, X; Valot, B; Hocquet, D	Genome analysis of enterobacteriaceae with non-wild type susceptibility to third-generation cephalosporins recovered from diseased dogs and cats in Europe	2020	Whole-Genome sequencing; Bacterial pathogens; Animals; Resistance; Antibiotics	VETERINARY MICROBIOLOGY
A239	Sevilla, E; Mainar-Jaime, RC; Moreno, B; Martín-Burriel, I; Morales, M; Andrés-Lasheras, S; Chirino-Trejo, M; Badiola, JJ; Bolea, R	Antimicrobial resistance among canine enteric <i>Escherichia coli</i> isolates and prevalence of attaching-effacing and extraintestinal pathogenic virulence factors in Spain	2020	dog; <i>Escherichia coli</i> ; antimicrobial resistance; virulence factors; Spain	ACTA VETERINARIA HUNGARICA

A240	Taniguchi, Y; Koide, S; Maeyama, Y; Tamai, K; Hayashi, W; Tanaka, H; Jimura, M; Suzuki, M; Nagano, Y; Arakawa, Y; Nagano, N	Predominance of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> SCCmec type II-CC5 and SCCmec type IV-CC1/CC8 among companion animal clinical isolates in Japan: Findings from phylogenetic comparison with human clinical isolates	2020	Methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> (MRSA); Sequence type; SCCmec type; Polymerase chain reaction-based open reading frame typing (POT); Companion animals	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE
A241	Troscianczyk, A; Nowakiewicz, A; Gnat, S; Wójcik, M; Wdowiak-Wróbel, S; Kalita, M	Contamination of the urban environment with excrements of companion animals as an underestimated source of <i>Staphylococcus</i> species posing a threat to public health	2020	methicillin-resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> ; antimicrobial resistance; multilocus sequence typing	ACTA VETERINARIA HUNGARICA
A242	Robbins, SN; Goggs, R; Lhermie, G; Lalonde-Paul, DF; Menard, J	Antimicrobial Prescribing Practices in Small Animal Emergency and Critical Care	2020	antibiotic; prescription; stewardship; dogs; cats; resistance	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE

A243	Vega-Manriquez, XD; Ubiarco-López, A; Verdugo-Rodríguez, A; Hernández-Chiñas, U; Navarro-Ocaña, A; Ahumada-Cota, RE; Ramírez-Badillo, D; de León, NHD; Eslava, CA	Pet dogs potential transmitters of pathogenic Escherichia coli with resistance to antimicrobials	2020	E; coli; Diarrhea; Virulence genes; Phylogroups; Antibiotics resistance	ARCHIVES OF MICROBIOLOGY
A244	Hong, JS; Song, W; Jeong, SH	Molecular Characteristics of NDM-5-Producing Escherichia coli from a Cat and a Dog in South Korea	2020	NDM-5; Escherichia coli; dog; cat	MICROBIAL DRUG RESISTANCE
A245	Joosten, P; Ceccarelli, D; Odent, E; Sarrazin, S; Graveland, H; Van Gompel, L; Battisti, A; Caprioli, A; Franco, A; Wagenaar, JA; Mevius, D; Dewulf, J	Antimicrobial Usage and Resistance in Companion Animals: A Cross-Sectional Study in Three European Countries	2020	antimicrobial use; antimicrobial resistance; companion animals; critically important antimicrobials; colistin resistance; one health	ANTIBIOTICS-BASEL
A246	Subbiah, M; Caudell, MA; Mair, C; Davis, MA; Matthews, L; Quinlan, RJ; Quinlan, MB; Lyimo,	Antimicrobial resistant enteric bacteria are widely distributed amongst people, animals and the environment in Tanzania	2020		NATURE COMMUNICATIONS

	B; Buza, J; Keyyu, J; Call, DR				
A247	Elnageh, HR; Hiblu, MA; Abbassi, MS; Abouzeed, YM; Ahmed, MO	Prevalence and antimicrobial resistance of Staphylococcus species isolated from cats and dogs	2020	Coagulase-negative staphylococci; Libya; mecA gene; pet animals; Staphylococcus	OPEN VETERINARY JOURNAL
A248	Hizlisoy, H; Bekdik, IK; Aslan, Ö; Gümüşsoy, KS; Hizlisoy, S	Putative virulence genes and antibiotic resistance profiles of Campylobacter jejuni isolated from cats	2020	Campylobacter jejuni; virulence; antibiotic resistance; ERIC-PCR	VETERINARSKI ARHIV
A249	Ma, GC; Worthing, KA; Ward, MP; Norris, JM	Commensal Staphylococci Including Methicillin-Resistant Staphylococcus aureus from Dogs and Cats in Remote New South Wales, Australia	2020	Staphylococcus; Dog; Cat; MRSA; Commensal	MICROBIAL ECOLOGY
A250	Sharma, SK; Yadav, R; Mehta, SC; Kataria, AK	Detection and analysis of antibiotic resistance variability among Staphylococcus aureus isolates from animal and human sources	2020	Staphylococcus aureus; antibiotic resistance; animal; human; DMRT analysis	VETERINARSKI ARHIV
A251	Shoaib, M; Rahman, SU; Aqib, Al; Ashfaq, K; Naveed, A; Kulyar, MFEA;	Diversified Epidemiological Pattern and Antibiogram of mecA Gene in	2020	Antibiotics; Environment; Owners; Pets; Risk	mekA; PAKISTAN VETERINARY JOURNAL

	Bhutta, ZA; Younas, MS; Sarwar, I; Naseer, MA; Ghaffar, A	Staphylococcus aureus Isolates of Pets, Pet Owners and Environment		factors; Staphylococcus aureus	
A252	Chen, YY; Liu, ZH; Zhang, YR; Zhang, ZB; Lei, L; Xia, ZF	Increasing Prevalence of ESBL-Producing Multidrug Resistance Escherichia coli From Diseased Pets in Beijing, China From 2012 to 2017	2019	multidrug resistance; antimicrobial drug usage; companion animals; ESBL; Escherichia coli	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A253	KuKanich, K; Lubbers, B; Salgado, B	Amoxicillin and amoxicillin-clavulanate resistance in urinary Escherichia coli antibiograms of cats and dogs from the Midwestern United States	2020	amoxicillin; antibiograms; Escherichia coli; stewardship; urinary tract infection	JOURNAL OF VETERINARY INTERNAL MEDICINE
A254	McGovern, DA; Gaschen, F; Habil; Roy, A	Antimicrobial Susceptibility Patterns and Clinical Parameters in 208 Dogs with Positive Urine Cultures (2012-2014)	2019		JOURNAL OF THE AMERICAN ANIMAL HOSPITAL ASSOCIATION
A255	Bourély, C; Cazeau, G; Jarrige, N; Jouy, E; Haenni, M; Lupo, A; Madec, JY; Leblond, A; Gay, E	Co-resistance to Amoxicillin and Tetracycline as an Indicator of Multidrug Resistance in Escherichia coli Isolates From Animals	2019	antimicrobial resistance; multidrug resistance; E. coli; animal health; RESAPATH	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY

A256	Elghaieb, H; Freitas, AR; Abbassi, MS; Novais, C; Zouari, M; Hassen, A; Peixe, L	Dispersal of linezolid-resistant enterococci carrying <i>poxA</i> or <i>opxA</i> in retail meat and food-producing animals from Tunisia	2019		JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY
A257	Li, JY; Bi, ZW; Ma, SZ; Chen, BL; Cai, C; He, JJ; Schwarz, S; Sun, CT; Zhou, YQ; Yin, J; Hulth, A; Wang, YQ; Shen, ZQ; Wang, SL; Wu, CM; Nilsson, LE; Walsh, TR; Börjesson, S; Shen, JZ; Sun, Q; Wang, Y	Inter-host Transmission of Carbapenemase-Producing <i>Escherichia coli</i> among Humans and Backyard Animals	2019		ENVIRONMENTAL HEALTH PERSPECTIVES
A258	Menandro, ML; Dotto, G; Mondin, A; Martini, M; Ceglie, L; Pasotto, D	Prevalence and characterization of methicillin-resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> from symptomatic companion animals in Northern Italy: Clonal diversity and novel sequence types	2019	Dog; Cat; Methicillin-resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> ; Antimicrobial-resistance; Microarray; Multilocus sequence typing	COMPARATIVE IMMUNOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES

A259	Nigg, A; Brilhante, M; Dazio, V; Clément, M; Collaud, A; Brawand, SG; Willi, B; Endimiani, A; Schuller, S; Perreten, V	Shedding of OXA-181 carbapenemase-producing <i>Escherichia coli</i> from companion animals after hospitalisation in Switzerland: an outbreak in 2018	2019		EUROSURVEILLANCE
A260	Dokuzeylül, B; Çelik, B; Sigirci, BD; Kahraman, BB; Saka, SÜ; Kayar, A; Seyyal, AK; Or, ME	Clinical efficacy of marbofloxacin in dogs and cats diagnosed with lower urinary tract disorders	2019	antimicrobials; cat; dog; marbofloxacin; urinary tract infection	MEDYCYNA WETERYNARYJNA-VET ERINARY MEDICINE-SCIENCE AND PRACTICE
A261	Thepmanee, J; Rodroo, J; Awaiwanont, N; Intanon, M; Lampang, KN; Thitaram, N; Thongkorn, K	Investigation of Extended-Spectrum Beta-Lactamase (ESBL)-producing <i>Escherichia coli</i> and antimicrobial resistance in dogs with periodontal disease	2019	<i>Escherichia coli</i> ; Extended spectrum beta-lactamases; Periodontal disease; Dog	THAI JOURNAL OF VETERINARY MEDICINE
A262	Bourély, C; Cazeau, G; Jouy, E; Haennie, M; Madec, JY; Jarrige, N; Leblond, A; Gay, E	Antimicrobial resistance of <i>Pasteurella multocida</i> isolated from diseased food-producing animals and pets	2019	<i>Pasteurella multocida</i> ; Antimicrobial resistance; Food-Producing animal; Dog; Cat; Time series; RESAPATH	VETERINARY MICROBIOLOGY

A263	Loncaric, I; Lepuschitz, S; Ruppitsch, W; Trstan, A; Andreadis, T; Bouchlis, N; Marbach, H; Schauer, B; Szostak, MP; Fessler, AT; Künzel, F; Licka, T; Springer, B; Allerberger, F; Monecke, S; Ehricht, R; Schwarz, S; Spergser, J	Increased genetic diversity of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> (MRSA) isolated from companion animals	2019	mecA; mecC; <i>S. aureus</i> ; MRSA; Animals; Antimicrobial resistance	VETERINARY MICROBIOLOGY
A264	Gagetti, P; Wattam, AR; Giacoboni, G; De Paulis, A; Bertona, E; Corso, A; Rosato, AE	Identification and molecular epidemiology of methicillin resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> strains isolated from canine clinical samples in Argentina	2019	MRSP; Antibiotic resistance; Zoonosis; Small animals	BMC VETERINARY RESEARCH
A265	Kizerwetter-Swida, M; Chrobak-Chmiel, D; Rzewuska, M	High-level mupirocin resistance in methicillin-resistant staphylococci isolated from dogs and cats	2019	<i>Staphylococcus aureus</i> ; <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> ; <i>Staphylococcus haemolyticus</i> ; ileS2	BMC VETERINARY RESEARCH

A266	Moyaert, H; de Jong, A; Simjee, S; Rose, M; Youala, M; El Garch, F; Vila, T; Klein, U; Rzewuska, M; Morrissey, I	Survey of antimicrobial susceptibility of bacterial pathogens isolated from dogs and cats with respiratory tract infections in Europe: ComPath results	2019	antimicrobial susceptibility monitoring; cats; ComPath; dogs; resistance; respiratory tract infection	JOURNAL OF APPLIED MICROBIOLOGY
A267	Smith, A; Wayne, AS; Fellman, CL; Rosenbaum, MH	Usage patterns of carbapenem antimicrobials in dogs and cats at a veterinary tertiary care hospital	2019	antimicrobial resistance; antimicrobial stewardship; guidelines; imipenem; meropenem	JOURNAL OF VETERINARY INTERNAL MEDICINE
A268	Bortolami, A; Zendri, F; Maciuca, EI; Wattret, A; Ellis, C; Schmidt, V; Pinchbeck, G; Timofte, D	Diversity, Virulence, and Clinical Significance of Extended-Spectrum β -Lactamase- and pAmpC-Producing <i>Escherichia coli</i> From Companion Animals	2019	ESBL; <i>Escherichia coli</i> ; virulence; antimicrobial resistance; companion animals; United Kingdom	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A269	Karkaba, A; Hill, K; Benschop, J; Pleydell, E; Grinberg, A	Carriage and population genetics of extended spectrum β -lactamase-producing <i>Escherichia coli</i> in cats and dogs in New Zealand	2019	Extended spectrum beta-lactamase-producing; <i>Escherichia coli</i> ; AmpC-producing <i>Escherichia coli</i> ;	VETERINARY MICROBIOLOGY

				Multilocus sequence typing; Antimicrobial treatment; Horizontal gene transfer	
A270	Krapf, M; Müller, E; Reissig, A; Slickers, P; Braun, SD; Müller, E; Ehricht, R; Monecke, S	Molecular characterisation of methicillin-resistant Staphylococcus pseudintermedius from dogs and the description of their SCCmec elements	2019	Staphylococcus pseudintermedius; MRSP; Methicillin resistance; SCCmec; Microarray; Molecular characterisation	VETERINARY MICROBIOLOGY
A271	Loncaric, I; Tichy, A; Handler, S; Szostak, MP; Tickert, M; Diab-Elschahawi, M; Spergser, J; Künzel, F	Prevalence of Methicillin-Resistant Staphylococcus sp. (MRS) in Different Companion Animals and Determination of Risk Factors for Colonization with MRS	2019	MRSA; methicillin resistance; animals; antibiotic resistance; SCCmec typing; dru typing; risk factors	ANTIBIOTICS-BASEL
A272	Marques, C; Betas, A; Aboim, C; Cavaco-Silva, P; Trigueiro, G; Gama, LT; Pomba, C	Evidence of Sharing of Klebsiella pneumoniae Strains between Healthy Companion Animals and Cohabiting Humans	2019	Klebsiella pneumoniae; animal-human sharing; clonal relatedness; companion animals; dog; humans	JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY

A273	Aslantas, Ö	Isolation and Molecular Characterization of Thermophilic Campylobacter spp. in Dogs and Cats	2019	Thermophilic campylobacter; Antimicrobial resistance; Virulence; flaA-SVR typing	KAFKAS UNIVERSITESI VETERINER FAKULTESI DERGISI
A274	Büttner, JN; Schneider, M; Csokai, J; Müller, E; Eule, JC	Microbiota of the conjunctival sac of 120 healthy cats	2019	antimicrobial; bacteria; eye; feline; fungi; ocular surface	VETERINARY OPHTHALMOLOGY
A275	LaLonde-Paul, D; Cummings, KJ; Rodriguez-Rivera, LD; Wu, J; Lawhon, SD	Ciprofloxacin resistance among Campylobacter jejuni isolates obtained from shelter dogs in Texas	2019	antimicrobial resistance; Campylobacter spp; dog; epidemiology; public health; veterinary medicine	ZOONOSES AND PUBLIC HEALTH
A276	Bourne, JA; Chong, WL; Gordon, DM	Genetic structure, antimicrobial resistance and frequency of human associated Escherichia coli sequence types among faecal isolates from healthy dogs and cats living in Canberra, Australia	2019		PLOS ONE
A277	Aslantas, Ö; Tek, E	Isolation of Ampicillin and Vancomycin Resistant Enterococcus faecium from Dogs and Cats	2019	Ampicillin resistance; Cat; Dog; Enterococcus	KAFKAS UNIVERSITESI VETERINER FAKULTESI DERGISI

				faecium; Vancomycin resistance	
A278	Lee, GY; Lee, HH; Hwang, SY; Hong, J; Lyoo, KS; Yang, SJ	Carriage of <i>Staphylococcus schleiferi</i> from canine otitis externa: antimicrobial resistance profiles and virulence factors associated with skin infection	2019	Staphylococcal otitis externa; dogs; methicillin resistance; virulence factors	JOURNAL OF VETERINARY SCIENCE
A279	Marques, C; Menezes, J; Belas, A; Aboim, C; Cavaco-Silva, P; Trigueiro, G; Gama, LT; Pomba, C	<i>Klebsiella pneumoniae</i> causing urinary tract infections in companion animals and humans: population structure, antimicrobial resistance and virulence genes	2019		JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY
A280	Tabatabaei, S; Najafifar, A; Badouei, MA; Salehi, TZ; Tamai, IA; Khaksar, E; Abbassi, MS; Ghazisaeeedi, F	Genetic characterisation of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> and <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> in pets and veterinary personnel in Iran: new insights into emerging methicillin-resistant <i>S. pseudintermedius</i> (MRSP)	2019	Methicillin-resistant staphylococci; MRSA; MRSP; SCCmec; Virulence; Resistance	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE
A281	Umeda, K; Hase, A; Matsuo, M; Horimoto, T; Ogasawara, J	Prevalence and genetic characterization of cephalosporin-resistant Enterobacteriaceae among dogs and cats in an animal shelter	2019	cephalosporin-resistant Enterobacteriaceae; beta-lactamase; PFGE; MLST; companion animal	JOURNAL OF MEDICAL MICROBIOLOGY

A282	Andrade, ACS; dos Santos, IC; Barbosa, LN; Caetano, ICD; Zaniolo, MM; Fonseca, BD; Martins, LD; Gonçalves, DD	Antimicrobial Resistance and Extended-Spectrum Beta-Lactamase Production in Enterobacteriaceae Isolates from Household Cats (<i>Felis silvestris catus</i>)	2019	Enterobacteriaceae; ESBL; felines; bacterial resistance; micro-organism; health	ACTA SCIENTIAE VETERINARIAE
A283	Qekwana, DN; Oguttu, JW; Odoi, A	Geographic distribution of staphylococcus spp. infections and antimicrobial resistance among dogs from Gauteng Province presented at a veterinary teaching hospital in South Africa	2019	Moran's I; Spatial empirical Bayesian smoothing; Staphylococcus; Antimicrobial resistance; Multi-drug resistance; Spatial scan statistics	SPATIAL AND SPATIO-TEMPORAL EPIDEMIOLOGY
A284	Wei, YX; Sun, MC; Zhang, YH; Gao, J; Kong, FY; Liu, DB; Yu, H; Du, JX; Tang, RX	Prevalence, genotype and antimicrobial resistance of <i>Clostridium difficile</i> isolates from healthy pets in Eastern China	2019	<i>Clostridium difficile</i> ; MLST; <i>tcdA</i> ; <i>tcdB</i> ; Drug resistance	BMC INFECTIOUS DISEASES
A285	Abbas, G; Khan, I; Mohsin, M; Sajjad-ur-Rahman; Younas, T; Ali, S	High rates of CTX-M group-1 extended-spectrum β -lactamases producing <i>Escherichia coli</i> from pets and their owners in Faisalabad, Pakistan	2019	antimicrobial resistance; ESBL-producing <i>E. coli</i> ; pets; zoonosis;	INFECTION AND DRUG RESISTANCE

				multidrug resistance; one-health	
A286	DeStefano, IM; Wayne, AS; Rozanski, EA; Babyak, JM	Parenterally administered vancomycin in 29 dogs and 7 cats (2003-2017)	2019	acute renal failure; antibiotic resistance; antibiotic stewardship; glycopeptide	JOURNAL OF VETERINARY INTERNAL MEDICINE
A287	Levicán, A; Flores, O; Sanchez, S; Bascuñan, MG; Lopez, R; Ojeda, K; Hernandez, E; Salah, P	Faecal shedding of campylobacteria among domestic and wild animals from an urban coastal area	2019	Arcobacter; Campylobacter; domestic and wild animals; Helicobacter	AUSTRAL JOURNAL OF VETERINARY SCIENCES
A288	Marques, C; Belas, A; Aboim, C; Trigueiro, G; Cavaco-Silva, P; Gama, LT; Pomba, C	Clonal relatedness of Proteus mirabilis strains causing urinary tract infections in companion animals and humans	2019	Proteus mirabilis; Urinary tract infection; Companion animal; Human; Clonal relatedness	VETERINARY MICROBIOLOGY
A289	Kaspar, U; von Lützu, A; Schlattmann, A; Roesler, U; Köck, R; Becker, K	Zoonotic multidrug-resistant microorganisms among small companion animals in Germany	2018		PLOS ONE
A290	Yadav, R; Kumar, A; Singh, VK; Jayshree; Yadav, SK	Prevalence and antibiotyping of Staphylococcus aureus and methicillin-resistant S. aureus (MRSA) in domestic animals in India	2018	Staphylococcus aureus; Prevalence; Resistance; Antibiotype; MRSA; Domestic animals	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE

A291	Torkan, S; Vazirian, B; Khamesipour, F; Dida, GO	Prevalence of thermotolerant Campylobacter species in dogs and cats in Iran	2018	Campylobacter; cat; dog; PCR; Iran; thermotolerant	VETERINARY MEDICINE AND SCIENCE
A292	Boehmer, T; Vogler, AJ; Thomas, A; Sauer, S; Hergenroether, M; Straubinger, RK; Birdsell, D; Keim, P; Sahl, JW; Williamson, CHD; Riehm, JM	Phenotypic characterization and whole genome analysis of extended-spectrum beta- lactamase-producing bacteria isolated from dogs in Germany	2018		PLOS ONE
A293	Rahman, MM; Amin, KB; Rahman, SMM; Khair, A; Rahman, M; Hossain, A; Rahman, AKMA; Parvez, MS; Miura, N; Alam, MM	Investigation of methicillin-resistant Staphylococcus aureus among clinical isolates from humans and animals by culture methods and multiplex PCR	2018	Staphylococcus aureus; MRSA; Animals; Humans; Bangladesh	BMC VETERINARY RESEARCH
A294	Worthing, KA; Brown, J; Gerber, L; Trott, DJ; Abraham, S; Norris, JM	Methicillin-resistant staphylococci amongst veterinary personnel, personnel-owned pets, patients and the hospital environment of two small animal veterinary hospitals	2018	Antimicrobial resistance; Staphylococci; MRSA; MRSP; Companion animals; Veterinary; Zoonosis; One health; Infection control	VETERINARY MICROBIOLOGY

A295	Awosile, BB; McClure, JT; Saab, ME; Heider, LC	Antimicrobial resistance in bacteria isolated from cats and dogs from the Atlantic Provinces, Canada from 1994-2013	2018		CANADIAN VETERINARY JOURNAL-REVUE VETERINAIRE CANADIENNE
A296	Qekwana, DN; Phophi, L; Naidoo, V; Oguttu, JW; Odoi, A	Antimicrobial resistance among Escherichia coli isolates from dogs presented with urinary tract infections at a veterinary teaching hospital in South Africa	2018	Antimicrobial resistance; E.coli; Urinary tract infections; Dog; Canine; Multidrug resistance; Extensive drug resistance; Pan-drug resistance	BMC VETERINARY RESEARCH
A297	Kimura, Y; Harada, K; Shimizu, T; Sato, T; Kajino, A; Usui, M; Tamura, Y; Tsuyuki, Y; Miyamoto, T; Ohki, A; Watarai, M	Species distribution, virulence factors and antimicrobial resistance of Acinetobacter spp. isolates from dogs and cats: a preliminary study	2018	Acinetobacter spp; antimicrobial resistance; virulence factor	MICROBIOLOGY AND IMMUNOLOGY
A298	Teichmann-Knorrn, S; Reese, S; Wolf, G; Hartmann, K; Dorsch, R	Prevalence of feline urinary tract pathogens and antimicrobial resistance over five years	2018		VETERINARY RECORD

A299	Pillay, S; Zishiri, OT; Adeleke, MA	Prevalence of virulence genes in Enterococcus species isolated from companion animals and livestock	2018		ONDERSTEPSPOORT JOURNAL OF VETERINARY RESEARCH
A300	Rusdi, B; Laird, T; Abraham, R; Ash, A; Robertson, ID; Mukerji, S; Coombs, GW; Abraham, S; O'Dea, MA	Carriage of critically important antimicrobial resistant bacteria and zoonotic parasites amongst camp dogs in remote Western Australian indigenous communities	2018		SCIENTIFIC REPORTS
A301	Mitchell, KE; Turton, JF; Lloyd, DH	Isolation and identification of Acinetobacter spp. from healthy canine skin	2018		VETERINARY DERMATOLOGY
A302	Rampacci, E; Bottinelli, M; Stefanetti, V; Hyatt, DR; Sgariglia, E; Coletti, M; Passamonti, F	Antimicrobial susceptibility survey on bacterial agents of canine and feline urinary tract infections: Weight of the empirical treatment	2018	Antimicrobial agents; Cats; Dogs; Urinary tract infection	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE
A303	Kaspersen, H; Urdahl, AM; Simm, R; Slette-meås, JS; Lagesen, K; Norström, M	Occurrence of quinolone resistant E-coli originating from different animal species in Norway	2018	Antimicrobial resistance; Quinolone resistance; E. coli; QREC; Population density	VETERINARY MICROBIOLOGY

A304	Zogg, AL; Simmen, S; Zurfluh, K; Stephan, R; Schmitt, SN; Nüesch-Inderbinen, M	High Prevalence of Extended-Spectrum β -Lactamase Producing Enterobacteriaceae Among Clinical Isolates From Cats and Dogs Admitted to a Veterinary Hospital in Switzerland	2018	extended-spectrum beta-lactamase; clinical; genotypes; cats; dogs	FRONTIERS IN VETERINARY SCIENCE
A305	Andrés-Lasheras, S; Martín-Burriel, I; Mainar-Jaime, RC; Morales, M; Kuijper, E; Blanco, JL; Chirino-Trejo, M; Bolea, R	Preliminary studies on isolates of Clostridium difficile from dogs and exotic pets	2018	Clostridium difficile; Dog; Exotic; Metronidazole-resistance; PCR-ribotyping; MLST	BMC VETERINARY RESEARCH
A306	de Jong, A; Muggeo, A; El Garch, F; Moyaert, H; de Champs, C; Guillard, T	Characterization of quinolone resistance mechanisms in Enterobacteriaceae isolated from companion animals in Europe (CoMPATH II study)	2018	Plasmid-mediated quinolone resistance (PMQR); Quinolone resistance determining region (QRDR); Fluoroquinolones; qnr; aac(6')-Ib-cr; oqxAB; qepA; Dogs; Cats	VETERINARY MICROBIOLOGY
A307	Worthing, KA; Abraham, S; Pang, S; Coombs, GW; Saputra, S; Jordan,	Molecular Characterization of Methicillin-Resistant Staphylococcus	2018	antimicrobial resistance; MRSA;	MICROBIAL DRUG RESISTANCE

	D; Wong, HS; Abraham, RJ; Trott, DJ; Norris, JM	aureus Isolated from Australian Animals and Veterinarians		veterinary microbiology	
A308	Zogg, AL; Zurfluh, K; Schmitt, S; Nüesch-Inderbilen, M; Stephan, R	Antimicrobial resistance, multilocus sequence types and virulence profiles of ESBL producing and non-ESBL producing uropathogenic Escherichia coli isolated from cats and dogs in Switzerland	2018	Uropathogenic; Escherichia coli; Cats; Dogs; MIST; Virulence	VETERINARY MICROBIOLOGY
A309	Liu, BG; Wu, H; Zhai, YJ; He, ZP; Sun, HR; Cai, T; He, DD; Liu, JH; Wang, SM; Pan, YS; Yuan, L; Hu, GZ	Prevalence and molecular characterization of oqxAB in clinical Escherichia coli isolates from companion animals and humans in Henan Province, China	2018	OqxAB; Multidrug efflux pump; Antimicrobial susceptibility; Southern hybridization; Conjugation experiments	ANTIMICROBIAL RESISTANCE AND INFECTION CONTROL
A310	Marques, C; Belas, A; Franco, A; Aboim, C; Gama, LT; Pomba, C	Increase in antimicrobial resistance and emergence of major international high-risk clonal lineages in dogs and cats with urinary tract infection: 16 year retrospective study	2018		JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY

A311	Coura, FM; Diniz, AN; Oliveira, CA; Lage, AP; Lobato, FCF; Heinemann, MB; Silva, ROS	Detection of virulence genes and the phylogenetic groups of <i>Escherichia coli</i> isolated from dogs in Brazil	2018	dogs; <i>Escherichia coli</i> ; pathovars; phylogroups	CIENCIA RURAL
A312	Magstadt, DR; Schuler, AM; Coetzee, JF; Krull, AC; O'Connor, AM; Cooper, VL; Engelken, TJ	Treatment history and antimicrobial susceptibility results for <i>Mannheimia haemolytica</i> , <i>Pasteurella multocida</i> , and <i>Histophilus somni</i> isolates from bovine respiratory disease cases submitted to the Iowa State University Veterinary Diagnostic Laboratory from 2013 to 2015	2018	Antimicrobial resistance; bovine respiratory disease; <i>Histophilus</i> ; <i>Mannheimia</i> ; <i>Pasteurella</i> ; susceptibility testing	JOURNAL OF VETERINARY DIAGNOSTIC INVESTIGATION
A313	Siugzdaite, J; Gabinaitiene, A; Kerziene, S; Laurusevicius, SA; Laurusevicius, T	Antimicrobial resistance of <i>Escherichia coli</i> isolated from healthy dogs in Lithuania	2018	antimicrobial resistance; commensal <i>E. coli</i> ; healthy dogs	VETERINARSKI ARHIV
A314	Suter, A; Voelter, K; Hartnack, S; Spiess, BM; Pot, SA	Septic keratitis in dogs, cats, and horses in Switzerland: associated bacteria and antibiotic susceptibility	2018	bacterial resistance; cat; dog; horse; susceptibility test; ulcerative keratitis	VETERINARY OPHTHALMOLOGY

A315	Worthing, KA; Abraham, S; Coombs, GW; Pang, S; Saputra, S; Jordan, D; Trott, DJ; Norris, JM	Clonal diversity and geographic distribution of methicillin-resistant <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> from Australian animals: Discovery of novel sequence types	2018	Antimicrobial resistance; Staphylococcal infections; MRSP	VETERINARY MICROBIOLOGY
A316	Zhang, PLC; Shen, X; Chalmers, G; Reid-Smith, RJ; Slavic, D; Dick, H; Boerlin, P	Prevalence and mechanisms of extended-spectrum cephalosporin resistance in clinical and fecal <i>Enterobacteriaceae</i> isolates from dogs in Ontario, Canada	2018	Canine; Antimicrobial resistance; <i>Enterobacteriaceae</i> ; <i>Escherichia coli</i>	VETERINARY MICROBIOLOGY
A317	Haenni, M; Châtre, P; Dupieux-Chabert, C; Métayer, V; Bes, M; Madec, JY; Laurent, F	Molecular Epidemiology of Methicillin-Resistant <i>Staphylococcus aureus</i> in Horses, Cats, and Dogs Over a 5-Year Period in France	2017	MRSA; <i>mecA</i> ; clone; horses; cats; dogs; veterinary microbiology	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A318	Sato, T; Harada, K; Usui, M; Tsuyuki, Y; Shiraishi, T; Tamura, Y; Yokota, S	Tigecycline Susceptibility of <i>Klebsiella pneumoniae</i> Complex and <i>Escherichia coli</i> Isolates from Companion Animals: The Prevalence of Tigecycline-Nonsusceptible <i>K-pneumoniae</i> Complex, Including Internationally Expanding Human Pathogenic Lineages	2018	tigecycline; antimicrobial susceptibility; companion animals; <i>Klebsiella pneumoniae</i> ; <i>Escherichia coli</i>	MICROBIAL DRUG RESISTANCE

A319	Alvarez-Pérez, S; Blanco, JL; Harmanus, C; Kuijper, EJ; García, ME	Prevalence and characteristics of Clostridium perfringens and Clostridium difficile in dogs and cats attended in diverse veterinary clinics from the Madrid region	2017	Antimicrobial resistance; Cat; Clostridium difficile; Clostridium perfringens; Dog; Genetic diversity	ANAEROBE
A320	Kawamura, K; Sugawara, T; Matsuo, N; Hayashi, K; Norizuki, C; Tamai, K; Kondo, T; Arakawa, Y	Spread of CTX-Type Extended-Spectrum -Lactamase-Producing Escherichia coli Isolates of Epidemic Clone B2-O25-ST131 Among Dogs and Cats in Japan	2017	extended-spectrum beta-lactamase; Escherichia coli; B2-O25-ST131; companion animals	MICROBIAL DRUG RESISTANCE
A321	Baede, VO; Broens, EM; Spaninks, MP; Timmerman, AJ; Graveland, H; Wagenaar, JA; Duim, B; Hordijk, J	Raw pet food as a risk factor for shedding of extended-spectrum beta-lactamase-producing Enterobacteriaceae in household cats	2017		PLOS ONE
A322	Saputra, S; Jordan, D; Mitchell, T; Wong, HS; Abraham, RJ; Kidsley, A; Turnidge, J; Trott, DJ; Abraham, S	Antimicrobial resistance in clinical Escherichia coli isolated from companion animals in Australia	2017	E. coli; Antimicrobial resistance; Risk factors; Urinary tract infections; Companion animals; Dogs; Cats; Horses	VETERINARY MICROBIOLOGY

A323	Sfaciotte, RAP; Coronel, LG; Snak, A; Bordin, JT; Wildemann, P; Melo, FD; Vignoto, VKC; Ferraz, SM; Wosiacki, SR; Osaki, SC	Antimicrobial Resistance Phenotypic Profile of Isolates from Clinical Infections in Dogs	2017	ESBL; MRS; multidrug resistance; public health; VRE	ACTA SCIENTIAE VETERINARIAE
A324	Qekwana, DN; Sebola, D; Oguttu, JW; Odoi, A	Antimicrobial resistance patterns of Staphylococcus species isolated from cats presented at a veterinary academic hospital in South Africa	2017	Staphylococcus spp.; Antimicrobial resistance; Veterinary hospital; Cats; South Africa	BMC VETERINARY RESEARCH
A325	Bertelloni, F; Salvadori, C; Lotti, G; Cerri, D; Ebani, VV	ANTIMICROBIAL RESISTANCE IN ENTEROCOCCUS STRAINS ISOLATED FROM HEALTHY DOMESTIC DOGS	2017	Enterococcus spp.; dogs; feces; antimicrobial resistance; high-level aminoglycoside resistance (HLAR)	ACTA MICROBIOLOGICA ET IMMUNOLOGICA HUNGARICA
A326	Loiacono, M; Martino, PA; Albonico, F; Dell'Orco, F; Ferretti, M; Zanzani, S; Mortarino, M	High-resolution melting analysis of gyrA codon 84 and grlA codon 80 mutations conferring resistance to fluoroquinolones in Staphylococcus pseudintermedius isolates from canine clinical samples	2017	Fluoroquinolone resistance; high-resolution melting; Staphylococcus pseudintermedius	JOURNAL OF VETERINARY DIAGNOSTIC INVESTIGATION

A327	Srisanga, S; Angkititrakul, S; Sringam, P; Ho, PTL; Vo, ATT; Chuanchuen, R	Phenotypic and genotypic antimicrobial resistance and virulence genes of <i>Salmonella enterica</i> isolated from pet dogs and cats	2017	<i>Salmonella enterica</i> ; antimicrobial resistance; integrons; pets; virulence factors	JOURNAL OF VETERINARY SCIENCE
A328	Risseti, RM; Zastempowska, E; Twaruzek, M; Lassa, H; Pantoja, JCF; de Vargas, APC; Guerra, ST; Bolaños, CAD; de Paula, CL; Alves, AC; Colhado, BS; Portilho, FVR; Tasca, C; Lara, GHB; Ribeiro, MG	Virulence markers associated with <i>Trueperella pyogenes</i> infections in livestock and companion animals	2017	bovine mastitis; domestic animals; pathogenicity; <i>Trueperella pyogenes</i> ; virulence factors	LETTERS IN APPLIED MICROBIOLOGY
A329	Shimizu, T; Harada, K; Tsuyuki, Y; Kimura, Y; Miyamoto, T; Hatoya, S; Hikasa, Y	In vitro efficacy of 16 antimicrobial drugs against a large collection of β -lactamase-producing isolates of extraintestinal pathogenic <i>Escherichia coli</i> from dogs and cats	2017	extended-spectrum beta-lactamases; <i>Escherichia coli</i> ; companion animals; antimicrobial treatment	JOURNAL OF MEDICAL MICROBIOLOGY
A330	Yukawa, S; Tsuyuki, Y; Sato, T; Fukuda, A; Usui, M; Tamura, Y	Antimicrobial Resistance of <i>Pseudomonas aeruginosa</i> Isolated from	2017		JAPANESE JOURNAL OF INFECTIOUS DISEASES

		Dogs and Cats in Primary Veterinary Hospitals in Japan			
A331	Abdel-Moein, KA; El-Hariri, MD; Wasfy, MO; Samir, A	Occurrence of ampicillin-resistant Enterococcus faecium carrying esp gene in pet animals: An upcoming threat for pet lovers	2017	Pets; Ampicillin-resistant Enterococcus faecium esp gene; Public health	JOURNAL OF GLOBAL ANTIMICROBIAL RESISTANCE
A332	Aslantas, Ö; Yilmaz, ES	Prevalence and molecular characterization of extended-spectrum β -lactamase (ESBL) and plasmidic AmpC β -lactamase (pAmpC) producing Escherichia coli in dogs	2017	dog; Escherichia coli; ESBL; molecular characterization; pAmpC	JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE
A333	Ben Said, L; Dziri, R; Sassi, N; Lozano, C; Ben Slama, K; Ouzari, I; Torres, C; Klibi, N	SPECIES DISTRIBUTION, ANTIBIOTIC RESISTANCE AND VIRULENCE TRAITS IN CANINE AND FELINE ENTEROCOCCI IN TUNISIA	2017	Enterococcus; pets; resistance genes; virulence genes; linezolid resistance	ACTA VETERINARIA HUNGARICA

A334	<p>Reimschuessel, R; Grabenstein, M; Guag, J; Nemser, SM; Song, K; Qiu, J; Clothier, KA; Byrne, BA; Marks, SL; Cadmus, K; Pabilonia, K; Sanchez, S; Rajeev, S; Ensley, S; Frana, TS; Jergens, AE; Chappell, KH; Thakur, S; Byrum, B; Cui, J; Zhang, Y; Erdman, MM; Rankin, SC; Daly, R; Das, S; Ruesch, L; Lawhon, SD; Zhang, S; Baszler, T; Diaz-Campos, D; Hartmann, F; Okwumabua, O</p>	<p>Multilaboratory Survey To Evaluate Salmonella Prevalence in Diarrheic and Nondiarrheic Dogs and Cats in the United States between 2012 and 2014</p>	2017	<p>Salmonella; diarrhea; fecal organisms; pets; WGS</p>	<p>JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY</p>
A335	<p>Qekwana, DN; Oguttu, JW; Sithole, F; Odoi, A</p>	<p>Patterns and predictors of antimicrobial resistance among Staphylococcus spp. from canine clinical cases presented at a veterinary academic hospital in South Africa</p>	2017	<p>Staphylococcus aureus; Staphylococcus pseudintermedius; multidrug resistance;</p>	<p>BMC VETERINARY RESEARCH</p>

				MDR; Antimicrobial resistance; AMR; dogs; canine; predictors; risk factors	
A336	Saputra, S; Jordan, D; Worthing, KA; Norris, JM; Wong, HS; Abraham, R; Trott, DJ; Abraham, S	Antimicrobial resistance in coagulase-positive staphylococci isolated from companion animals in Australia: A one year study	2017		PLOS ONE
A337	Szczepanska, B; Andrzejewska, M; Spica, D; Klawe, JJ	Prevalence and antimicrobial resistance of <i>Campylobacter jejuni</i> and <i>Campylobacter coli</i> isolated from children and environmental sources in urban and suburban areas	2017	Campylobacter; Children; Pets; Poultry meat; Surface water; Fountains; Antimicrobial resistance	BMC MICROBIOLOGY
A338	Grönthal, T; Eklund, M; Thomson, K; Piiparinen, H; Sironen, T; Rantala, M	Antimicrobial resistance in <i>Staphylococcus pseudintermedius</i> and the molecular epidemiology of methicillin-resistant <i>S-pseudintermedius</i> in small animals in Finland	2017		JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY
A339	Liu, XQ; Liu, HX; Li, YQ; Hao, CJ	Association between virulence profile and fluoroquinolone resistance in <i>Escherichia coli</i> isolated from dogs and cats in China	2017	<i>Escherichia coli</i> ; dogs; cats; virulence genes; fluoroquinolone resistance; MLST	JOURNAL OF INFECTION IN DEVELOPING COUNTRIES

A340	Moyaert, H; Morrissey, I; de Jong, A; El Garch, F; Klein, U; Ludwig, C; Thiry, J; Youala, M	Antimicrobial Susceptibility Monitoring of Bacterial Pathogens Isolated from Urinary Tract Infections in Dogs and Cats Across Europe: ComPath Results	2017	surveillance; antimicrobial resistance; companion animals	MICROBIAL DRUG RESISTANCE
A341	Zangenah, S; Andersson, AF; Özenci, V; Bergman, P	Genomic analysis reveals the presence of a class D beta-lactamase with broad substrate specificity in animal bite associated Capnocytophaga species	2017		EUROPEAN JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY & INFECTIOUS DISEASES
A342	Xia, J; Fang, LX; Cheng, K; Xu, GH; Wang, XR; Liao, XP; Liu, YH; Sun, J	Clonal Spread of 16S rRNA Methyltransferase-Producing <i>Klebsiella pneumoniae</i> ST37 with High Prevalence of ESBLs from Companion Animals in China	2017	<i>Klebsiella pneumoniae</i> ; 16S rRNA methyltransferases; companion animals; MLST	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A343	Harada, K; Shimizu, T; Mukai, Y; Kuwajima, K; Sato, T; Kajino, A; Usui, M; Tamura, Y; Kimura, Y; Miyamoto, T; Tsuyuki, Y; Ohki, A; Kataoka, Y	Phenotypic and molecular characterization of antimicrobial resistance in <i>Enterobacter</i> spp. isolates from companion animals in Japan	2017		PLOS ONE

A344	Karkaba, A; Benschop, J; Hill, KE; Grinberg, A	Characterisation of methicillin-resistant <i>Staphylococcus aureus</i> clinical isolates from animals in New Zealand, 2012-2013, and subclinical colonisation in dogs and cats in Auckland	2017	Antimicrobial resistance; Antibiotic; MRSA; <i>Staphylococcus aureus</i> ; New Zealand	NEW ZEALAND VETERINARY JOURNAL
A345	Karkaba, A; Grinberg, A; Benschop, J; Pleydell, E	Characterisation of extended-spectrum -lactamase and AmpC -lactamase-producing Enterobacteriaceae isolated from companion animals in New Zealand	2017	Antimicrobial resistance; multidrug resistance; ESBL; AmpC; MLST; Enterobacteriaceae; <i>Escherichia coli</i>	NEW ZEALAND VETERINARY JOURNAL
A346	Serrano, I; Oliveira, M; Santos, JP; Bilocq, F; Leitao, A; Tavares, L; Pirnay, JP; De Vos, D	Antimicrobial resistance and genomic rep-PCR fingerprints of <i>Pseudomonas aeruginosa</i> strains from animals on the background of the global population structure	2017	Animal origin; Antimicrobials; Environment; MDR; Non clonal; Population; <i>Pseudomonas aeruginosa</i> ; Rep PCR; Serotype; XDR	BMC VETERINARY RESEARCH
A347	Fungwithaya, P; Brikshavana, P; Chanchaithong, P; Prapasarakul, N	Distribution of methicillin-resistant coagulase-positive staphylococci (MRCoPS) in a surgical unit and	2017	dog; methicillin-resistant coagulase-positive staphylococci;	JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE

		cystotomy operation sites in a veterinary teaching hospital		Staphylococcus pseudintermedius; surgical patient; veterinary hospital	
A348	Orden, C; Blanco, JL; Alvarez-Pérez, S; Garcia-Sancho, M; Rodriguez-Franco, F; Sainz, A; Villaescusa, A; Harmanus, C; Kuijper, E; Garcia, ME	Isolation of Clostridium difficile from dogs with digestive disorders, including stable metronidazole-resistant strains	2017	Antimicrobial resistance; Clostridium difficile; Digestive disorders; Dog	ANAEROBE
A349	Wedley, AL; Dawson, S; Maddox, TW; Coyne, KP; Pinchbeck, GL; Clegg, P; Nuttall, T; Kirchner, M; Williams, NJ	Carriage of antimicrobial resistant Escherichia coli in dogs: Prevalence, associated risk factors and molecular characteristics	2017	Antimicrobial resistance; Extended spectrum beta-lactamase; Dog; Microarray; Risk analysis	VETERINARY MICROBIOLOGY
A350	Schultz, E; Cloeckaert, A; Doublet, B; Madec, JY; Haenni, M	Detection of SGI1/PGI1 Elements and Resistance to Extended-Spectrum Cephalosporins in Proteae of Animal Origin in France	2017	SGI1; PGI1; Proteus; ESBL; AmpC; animal; dog	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY

A351	Bang, K; An, JU; Kim, W; Dong, HJ; Kim, J; Cho, S	Antibiotic resistance patterns and genetic relatedness of <i>Enterococcus faecalis</i> and <i>Enterococcus faecium</i> isolated from military working dogs in Korea	2017	<i>Enterococcus faecalis</i> ; <i>Enterococcus faecium</i> ; antibiotic resistance; large-breed dog; pulsed-field gel electrophoresis	JOURNAL OF VETERINARY SCIENCE
A352	Oh, Yi; Kim, HJ; Kim, YM; Kim, SS; Kim, JK; Kim, HW; Kang, BJ; Youn, HY	Antimicrobial Resistance of Bacterial Isolates from Positive Urine Culture in Four Hundred Five Dogs Between 2013-2014	2017	dog; bacteriuria; coagulase-negative staphylococci; multidrug-resistance	INTERNATIONAL JOURNAL OF APPLIED RESEARCH IN VETERINARY MEDICINE
A353	Yesilmen, S; Vural, A; Erkan, ME; Yildirim, IH	Isolation and determination of antimicrobial resistance of <i>Arcobacter</i> species isolated from animal faeces in the Diyarbakir region of Turkey using the 16S rDNA-RFLP method	2017	cattle; sheep; goats; dogs; chickens; rabbits; antibiogram	VETERINARNI MEDICINA
A354	Zappa, V; Bolaños, CAD; de Paula, CL; Callefe, JLR; Alves, AC; de Moraes, ABC; Guerra, ST; Cabrini, MC; Melville, PA; Ribeiro, MG	Antimicrobial multiple resistance index, minimum inhibitory concentrations, and extended-spectrum beta-lactamase producers of <i>Proteus mirabilis</i> and <i>Proteus vulgaris</i> strains isolated from	2017	<i>Proteus</i> sp; Multidrug resistant; Extended-spectrum beta-lactamase; Livestock; Companion animals	SEMINA-CIENCIAS AGRARIAS

		domestic animals with various clinical manifestations of infection			
A355	Liu, XQ; Liu, HX; Li, YQ; Hao, CJ	High Prevalence of β -lactamase and Plasmid-Mediated Quinolone Resistance Genes in Extended-Spectrum Cephalosporin-Resistant <i>Escherichia coli</i> from Dogs in Shaanxi, China	2016	<i>Escherichia coli</i> ; beta-lactamases; PMQR; cephalosporin resistance; dog	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A356	Courtice, R; Sniatynski, M; Rubin, JE	Antimicrobial resistance and beta-lactamase production of <i>Escherichia coli</i> causing canine urinary tract infections: Passive surveillance of laboratory isolates in Saskatoon, Canada, 2014	2016		CANADIAN VETERINARY JOURNAL-REVUE VETERINAIRE CANADIENNE
A357	Ludwig, C; de Jong, A; Moyaert, H; El Garch, F; Janes, R; Klein, U; Morrissey, I; Thiry, J; Youala, M	Antimicrobial susceptibility monitoring of dermatological bacterial pathogens isolated from diseased dogs and cats across Europe (ComPath results)	2016	antimicrobial susceptibility monitoring; companion animals; minimal inhibitory concentrations; resistance surveillance; skin;	JOURNAL OF APPLIED MICROBIOLOGY

				wound and ear infection	
A358	Guillard, T; de Jong, A; Limelette, A; Lebreil, AL; Madoux, J; de Champs, C	Characterization of quinolone resistance mechanisms in Enterobacteriaceae recovered from diseased companion animals in Europe	2016	Quinolone resistance determining region; Plasmid-mediated quinolone resistance; Fluoroquinolones; Dogs; Cats	VETERINARY MICROBIOLOGY
A359	Kadlec, K; Weiss, S; Wendlandt, S; Schwarz, S; Tonpitak, W	Characterization of canine and feline methicillin-resistant Staphylococcus pseudintermedius (MRSP) from Thailand	2016	Dog; Cat; Multi-resistant; drug typing; spa typing; Multi-locus sequence typing	VETERINARY MICROBIOLOGY
A360	Siqueira, AK; Michael, GB; Domingos, DF; Ferraz, MMG; Ribeiro, MG; Schwarz, S; Leite, DS	Diversity of class 1 and 2 integrons detected in Escherichia coli isolates from diseased and apparently healthy dogs	2016	IS440-sul3; Co-located resistance; Extended-spectrum beta-lactamases; AmpC beta-lactamases; Companion animals	VETERINARY MICROBIOLOGY

A361	Marques, C; Gama, LT; Belas, A; Bergström, K; Beurlet, S; Briend-Marchal, A; Broens, EM; Costa, M; Criel, D; Damborg, P; van Dijk, MAM; van Dongen, AM; Dorsch, R; Espada, CM; Gerber, B; Kritsepi-Konstantinou, M; Loncaric, I; Mion, D; Misic, D; Movilla, R; Overesch, G; Perreten, V; Roura, X; Steenbergen, J; Timofte, D; Wolf, G; Zanoni, RG; Schmitt, S; Guardabassi, L; Pomba, C	European multicenter study on antimicrobial resistance in bacteria isolated from companion animal urinary tract infections	2016	Antimicrobial resistance; Temporal trends; MRSA; MRSP; Dog; Cat	BMC VETERINARY RESEARCH
A362	Morrissey, I; Moyaert, H; de Jong, A; El Garch, F; Klein, U; Ludwig, C; Thiry, J; Youala, M	Antimicrobial susceptibility monitoring of bacterial pathogens isolated from respiratory tract infections in dogs and cats across Europe: ComPath results	2016	Respiratory tract infection; Resistance; Antimicrobial susceptibility	VETERINARY MICROBIOLOGY

				monitoring; Companion animals	
A363	Kasai, T; Saegusa, S; Shirai, M; Murakami, M; Kato, Y	New categories designated as healthcare-associated and community-associated methicillin-resistant <i>Staphylococcus</i> <i>pseudintermedius</i> in dogs	2016	dog; methicillin resistance; SCCmec; <i>Staphylococcus</i> <i>pseudintermedius</i>	MICROBIOLOGY AND IMMUNOLOGY
A364	Tysnes, KR; Luyckx, K; Cantas, L; Robertson, LJ	Treatment of feline giardiasis during an outbreak of diarrhoea in a cattery: potential effects on faecal <i>Escherichia</i> <i>coli</i> resistance patterns	2016		JOURNAL OF FELINE MEDICINE AND SURGERY
A365	Aski, HS; Tabatabaei, M	Occurrence of virulence-associated genes in <i>Pasteurella multocida</i> isolates obtained from different hosts	2016	<i>Pasteurella multocida</i> ; Virulence factors; Capsular type; PCR	MICROBIAL PATHOGENESIS
A366	Yousfi, M; Mairi, A; Touati, A; Hassissene, L; Brasme, L; Guillard, T; De Champs, C	Extended spectrum β -lactamase and plasmid mediated quinolone resistance in <i>Escherichia coli</i> fecal isolates from healthy companion animals in Algeria	2016	ESBL; Healthy pets; <i>Escherichia coli</i> ; Fecal carriage; PMQR; Algeria	JOURNAL OF INFECTION AND CHEMOTHERAPY
A367	Harada, K; Shimizu, T; Mukai, Y; Kuwajima, K; Sato, T; Usui, M; Tamura, Y; Kimura, Y; Miyamoto,	Phenotypic and Molecular Characterization of Antimicrobial Resistance in <i>Klebsiella</i> spp. Isolates from Companion Animals in Japan: Clonal Dissemination of	2016	<i>Klebsiella</i> spp.; dogs; cats; extended-spectrum beta-lactamases;	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY

	T; Tsuyuki, Y; Ohki, A; Kataoka, Y	Multidrug-Resistant Extended-Spectrum β -Lactamase-Producing <i>Klebsiella pneumoniae</i>		multidrug resistance; clonal dissemination	
A368	Couto, N; Monchique, C; Belas, A; Marques, C; Gama, LT; Pomba, C	Trends and molecular mechanisms of antimicrobial resistance in clinical staphylococci isolated from companion animals over a 16 year period	2016		JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY
A369	Jones-Dias, D; Manageiro, V; Graça, R; Sampaio, DA; Albuquerque, T; Themudo, P; Vieira, L; Ferreira, E; Clemente, L; Caniça, M	QnrS1-and Aac(6')-Ib-cr-Producing <i>Escherichia coli</i> among Isolates from Animals of Different Sources: Susceptibility and Genomic Characterization	2016	pathogenicity; <i>E. coli</i> ; clone; PMQR; multidrug resistance; veterinary	FRONTIERS IN MICROBIOLOGY
A370	De Martino, L; Nocera, FP; Mallardo, K; Nizza, S; Masturzo, E; Fiorito, F; Iovane, G; Catalanotti, P	An update on microbiological causes of canine otitis externa in Campania Region, Italy	2016		ASIAN PACIFIC JOURNAL OF TROPICAL BIOMEDICINE
A371	Ferreira, TSP; Moreno, LZ; Felizardo, MR; de Gobbi, DDS; Filsner, PHDN; Gomes, VTD; Moreno, M; Moreno, AM	Pheno- and genotypic characterization of <i>Pasteurella multocida</i> isolated from cats, dogs and rabbits from Brazil	2016	<i>Pasteurella multocida</i> ; Virulence genes; Resistance; PFGE	COMPARATIVE IMMUNOLOGY MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES

A372	Wu, MT; Burnham, CAD; Westblade, LF; Bard, JD; Lawhon, SD; Wallace, MA; Stanley, T; Burd, E; Hindler, J; Humphries, RM	Evaluation of Oxacillin and Cefoxitin Disk and MIC Breakpoints for Prediction of Methicillin Resistance in Human and Veterinary Isolates of Staphylococcus intermedius Group	2016		JOURNAL OF CLINICAL MICROBIOLOGY
A373	Habib, I; Anjum, AA; Rabbani, M; Ahmad, MUD; Ali, MA; Nawaz, M; Kamran, M; Khan, HM	OCCURRENCE OF ANTIMICROBIAL RESISTANT BACTERIA IN DOGS SUFFERING FROM ENTERITIS	2016	Dogs; enteritis; Salmonella; E. coli and multiple drug resistance	JOURNAL OF ANIMAL AND PLANT SCIENCES
A374	Renzi, F; Zähringer, U; Chandler, CE; Ernst, RK; Cornelis, GR; Ittig, SJ	Modification of the 1-Phosphate Group during Biosynthesis of Capnocytophaga canimorsus Lipid A	2016		INFECTION AND IMMUNITY
A375	Bell, AG; Coombs, GW; Cater, B; Douglass, C	First report of a mecA-positive multidrug-resistant Staphylococcus pseudintermedius isolated from a dog in New Zealand	2016	Staphylococcus pseudintermedius; MRSP; canine pyoderma; mecA; multi-drug resistant	NEW ZEALAND VETERINARY JOURNAL
A376	de Oliveira, CA; Silva, ROS; Diniz, AN; Pires, PS; Salvarani, FM; de Assis, RA; Lobato, FCF	Antimicrobial susceptibility of Clostridium perfringens isolated from domestic and wild animal species in Brazil	2016	Resistance; sensibility antibiotics; buffalo; cattle; dogs; carnivores	SEMINA-CIENCIAS AGRARIAS

A377	Sahintürk, P; Arslan, E; Büyükcangaz, E; Sonal, S; Sen, A; Ersoy, F; Webber, MA; Piddock, LJV; Cengiz, M	High level fluoroquinolone resistance in Escherichia coli isolated from animals in Turkey is due to multiple mechanisms	2016	Fluoroquinolone resistance; E. coli; animals; PCR; qRT-PCR	TURKISH JOURNAL OF VETERINARY & ANIMAL SCIENCES
A378	Tiwari, R; Yadav, SK; Singh, S	Methicillin Resistant Staphylococcus aureus Isolated from Wounds of Livestock and Companion Animals of Uttar Pradesh India: A Preliminary Study	2016	Staphylococcus aureus; animals; wounds; MRSA; antibiotic resistance	INTERNATIONAL JOURNAL OF PHARMACOLOGY
A379	Torkan, S; Bahadoranian, MA; Khamesipour, F; Anyanwu, MU	Detection of virulence and antimicrobial resistance genes in Escherichia coli isolates from diarrhoeic dogs in Iran	2016	antimicrobial resistance; diarrhoea; dogs; Escherichia coli; gene; virulence	ARCHIVOS DE MEDICINA VETERINARIA
A380	Abatcha, MG; Zakaria, Z; Gurmeet, KD; Thong, KT	Antibiograms, Resistance Genes, Class I Integrons and PFGE profiles of Zoonotic Salmonella in Malaysia	2015		TROPICAL BIOMEDICINE
A381	Woerde, DJ; Martin, PA; Govendir, M	Susceptibility of rapidly growing mycobacteria isolated from Australian cats to ivermectin, moxidectin, ceftiofur and florfenicol	2015		JOURNAL OF FELINE MEDICINE AND SURGERY
A382	Damborg, P; Morsing, MK; Petersen, T;	CTX-M-1 and CTX-M-15-producing Escherichia coli in dog faeces from public gardens	2015	ESBL; Canine; Environment;	ACTA VETERINARIA SCANDINAVICA

	Bortolaia, V; Guardabassi, L			Antibiotic resistance; Zoonoses; CTX-M	
A383	Liu, XQ; Thungrat, K; Boothe, DM	Multilocus Sequence Typing and Virulence Profiles in Uropathogenic Escherichia coli Isolated from Cats in the United States	2015		PLOS ONE
A384	Beça, N; Bessa, LJ; Mendes, A; Santos, J; Leite-Martins, L; Matos, AJF; da Costa, PM	Coagulase-Positive Staphylococcus: Prevalence and Antimicrobial Resistance	2015		JOURNAL OF THE AMERICAN ANIMAL HOSPITAL ASSOCIATION
A385	Thungrat, K; Price, SB; Carpenter, DM; Boothe, DM	Antimicrobial susceptibility patterns of clinical Escherichia coli isolates from dogs and cats in the United States: January 2008 through January 2013	2015	Antimicrobials; Resistance; E. coli; Infections	VETERINARY MICROBIOLOGY
A386	Garbacz, K; Piechowicz, L; Mroczkowska, A	Distribution of toxin genes among different spa types and phage types of animal Staphylococcus aureus	2015	Animal S. aureus; spa typing; Phage typing; Toxin genes	ARCHIVES OF MICROBIOLOGY
A387	Jackson, CR; Davis, JA; Frye, JG; Barrett, JB; Hiott, LM	Diversity of Plasmids and Antimicrobial Resistance Genes in Multidrug-Resistant Escherichia coli Isolated from Healthy Companion Animals	2015	Escherichia coli; antimicrobial resistance; plasmids; dogs; cats	ZOONOSES AND PUBLIC HEALTH

A388	Schultz, E; Haenni, M; Mereghetti, L; Siebor, E; Neuwirth, C; Madec, JY; Cloeckaert, A; Doublet, B	Survey of multidrug resistance integrative mobilizable elements SGI1 and PGI1 in <i>Proteus mirabilis</i> in humans and dogs in France, 2010-13	2015		JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY
A389	Meireles, D; Leite-Martins, L; Bessa, LJ; Cunha, S; Fernandes, R; de Matos, A; Manaia, CM; da Costa, PM	Molecular characterization of quinolone resistance mechanisms and extended-spectrum β -lactamase production in <i>Escherichia coli</i> isolated from dogs	2015	Dogs; <i>Escherichia coli</i> ; Antimicrobial resistance; beta-Lactamases; Quinolones	COMPARATIVE IMMUNOLOGY AND MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES
A390	Iseppi, R; Messi, P; Anacarso, I; Bondi, M; Sabia, C; Condò, C; de Niederhausern, S	Antimicrobial resistance and virulence traits in <i>Enterococcus</i> strains isolated from dogs and cats	2015	Antibiotic-resistances; Bacteriocin-like substances; Enterococci; Pets; Virulence factors	NEW MICROBIOLOGICA
A391	Wong, C; Epstein, SE; Westropp, JL	Antimicrobial Susceptibility Patterns in Urinary Tract Infections in Dogs (2010-2013)	2015	Antimicrobial resistance; Bacterial resistance; Culture and susceptibility; Pyelonephritis; Uropathogens	JOURNAL OF VETERINARY INTERNAL MEDICINE

A392	Leite-Martins, L; Mahu, MI; Costa, AL; Bessa, LJ; Vaz-Pires, P; Loureiro, L; Niza-Ribeiro, J; de Matos, AJF; da Costa, PM	Prevalence of antimicrobial resistance in faecal enterococci from vet-visiting pets and assessment of risk factors	2015		VETERINARY RECORD
A393	Toledo, Z; Simaluiza, RJ; Ochoa, S; Fernández, H	Occurrence and Antimicrobial Susceptibility of <i>Campylobacter jejuni</i> and <i>C-coli</i> in Dog Feces from Public Parks in Southern Ecuador	2015	<i>Campylobacter</i> ; dogs; environmental contamination; antimicrobial susceptibility; epidemiology	ACTA SCIENTIAE VETERINARIAE
A394	Ruzauskas, M; Couto, N; Kerziene, S; Siugzdiniene, R; Klimiene, I; Virgailis, M; Pomba, C	Prevalence, species distribution and antimicrobial resistance patterns of methicillin-resistant staphylococci in Lithuanian pet animals	2015	<i>Staphylococcus</i> ; Methicillin-resistance; Kennels; Antimicrobial resistance; Pets; <i>MecC</i>	ACTA VETERINARIA SCANDINAVICA
A395	Baede, VO; Wagenaar, JA; Broens, EM; Duim, B; Dohmen, W; Nijssse, R; Timmerman, AJ; Hordijk, J	Longitudinal Study of Extended-Spectrum- β -Lactamase- and AmpC-Producing Enterobacteriaceae in Household Dogs	2015		ANTIMICROBIAL AGENTS AND CHEMOTHERAPY

A396	Ho, PL; Liu, MCJ; Lo, WU; Lai, ELY; Lau, TCK; Law, OK; Chow, KH	Prevalence and characterization of hybrid blaCTX-M among Escherichia coli isolates from livestock and other animals	2015	Extended-spectrum beta-lactamases; Enterobacteriaceae; Cefotaxime resistance; Antimicrobial resistance; Plasmids; Molecular epidemiology	DIAGNOSTIC MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASE
A397	Lund, HS; Skogtun, G; Sorum, H; Eggertsdóttir, AV	Antimicrobial susceptibility in bacterial isolates from Norwegian cats with lower urinary tract disease	2015		JOURNAL OF FELINE MEDICINE AND SURGERY
A398	KuKanich, KS; Lubbers, BV	Review of Enterococci Isolated from Canine and Feline Urine Specimens from 2006 to 2011	2015		JOURNAL OF THE AMERICAN ANIMAL HOSPITAL ASSOCIATION
A399	Ribeiro, MG; Riseti, RM; Bolaños, CAD; Caffaro, KA; de Moraes, ACB; Lara, GHB; Zamprogna, TO; Paes, AC; Listoni, FJP; Franco, MMJ	Trueperella pyogenes multispecies infections in domestic animals: a retrospective study of 144 cases (2002 to 2012)	2015	horse; livestock; cattle; Arcanobacterium pyogenes; Trueperella pyogenes;; goat; antimicrobial susceptibility pattern;	VETERINARY QUARTERLY

				overview; buffalo; pig; sheep; Brazil; dog	
A400	Rodrigues, CG; Melo, RT; Fonseca, BB; Martins, PA; Ferreira, FA; Araújo, MBJ; Rossi, DA	Occurrence and characterization of <i>Campylobacter</i> spp. isolates in dogs, cats and children	2015	<i>Campylobacter</i> spp.; dogs; cats; children; diarrhoea; infection; epidemiology; virulence genes	PESQUISA VETERINARIA BRASILEIRA
A401	Ruzauskas, M; Couto, N; Siugzdiniene, R; Klimiene, I; Virgailis, M; Vaskeviciute, L; Mockeliunas, R; Pomba, C	Methicillin-resistant coagulase-negative <i>Staphylococcus</i> spp. prevalence in Lithuanian dogs: a cross-sectional study	2015	resistance; genes; pure-breed dogs; kennels; <i>Staphylococcus haemolyticus</i>	VETERINARSKI ARHIV
A402	Dorsch, R; von Vopelius-Feldt, C; Wolf, G; Straubinger, RK; Hartmann, K	Feline urinary tract pathogens: prevalence of bacterial species and antimicrobial resistance over a 10-year period	2015		VETERINARY RECORD
A403	Beever, L; Bond, R; Graham, PA; Jackson, B; Lloyd, DH; Loeffler, A	Increasing antimicrobial resistance in clinical isolates of <i>Staphylococcus intermedius</i> group bacteria and emergence of MRSP in the UK	2015		VETERINARY RECORD

A404	Gharsa, H; Ben Slama, K; Gómez-Sanz, E; Lozano, C; Zarazaga, M; Messadi, L; Boudabous, A; Torres, C	Molecular Characterization of Staphylococcus aureus from Nasal Samples of Healthy Farm Animals and Pets in Tunisia	2015	toxic shock syndrome toxin (TSST-1); Animals; Tunisia; Nasal carriage; Panton-Valentine leukocidin (PVL); Staphylococcus aureus	VECTOR-BORNE AND ZOONOTIC DISEASES
A405	Rzewuska, M; Stefanska, I; Kizerwetter-Swida, M; Chrobak-Chmiel, D; Szczygielska, P; Lesniak, M; Binek, M	Characterization of Extended-Spectrum- β -Lactamases Produced by Escherichia coli Strains Isolated from Dogs in Poland	2015	Escherichia coli; extended-spectrum beta-lactamases; dog infections; multidrug resistance	POLISH JOURNAL OF MICROBIOLOGY
A406	Torkan, S; Khamesipour, F; Anyanwu, MU	Detection of virulence and antibacterial resistance genes in Salmonella isolates from diarrhoeic dogs in Iran	2015	Salmonella; virulence; antibacterial resistance genes; diarrhoeic; dogs; Iran	REVUE DE MEDECINE VETERINAIRE
A407	Mohamed, MF; Hammac, GK; Guptill, L; Seleem, MN	Antibacterial Activity of Novel Cationic Peptides against Clinical Isolates of Multi-Drug Resistant Staphylococcus pseudintermedius from Infected Dogs	2014		PLOS ONE

A408	Albrechtova, K; Papousek, I; De Nys, H; Pauly, M; Anoh, E; Mossoun, A; Dolejska, M; Masarikova, M; Metzger, S; Couacy-Hymann, E; Akoua-Koffi, C; Wittig, RM; Klimes, J; Cizek, A; Leendertz, FH; Literak, I	Low Rates of Antimicrobial-Resistant Enterobacteriaceae in Wildlife in Tai National Park, Cote d'Ivoire, Surrounded by Villages with High Prevalence of Multiresistant ESBL-Producing <i>Escherichia coli</i> in People and Domestic Animals	2014		PLOS ONE
A409	Nebbia, P; Tramuta, C; Odore, R; Nucera, D; Zanatta, R; Robino, P	Genetic and phenotypic characterisation of <i>Escherichia coli</i> producing cefotaximase-type extended-spectrum β -lactamases: first evidence of the ST131 clone in cats with urinary infections in Italy	2014		JOURNAL OF FELINE MEDICINE AND SURGERY
A410	Poonsuk, K; Chuanchuen, R	The Multidrug-Resistant <i>Pseudomonas aeruginosa</i> Clinical Isolates from Dogs and Cats Expressed Three Multidrug Efflux Systems Simultaneously	2014	cat; dog; multidrug efflux system; multidrug resistance; <i>Pseudomonas aeruginosa</i>	THAI JOURNAL OF VETERINARY MEDICINE
A411	Ruzauskas, M; Siugzdiniene, R; Klimiene, I; Virgailis, M;	Prevalence of methicillin-resistant <i>Staphylococcus haemolyticus</i> in	2014	<i>Staphylococcus haemolyticus</i> ; Methicillin-resistance;	ANNALS OF CLINICAL MICROBIOLOGY AND ANTIMICROBIALS

	Mockeliunas, R; Vaskeviciute, L; Zienius, D	companion animals: a cross-sectional study		Kennels; Antimicrobial resistance; Companion animals	
A412	Harada, K; Niina, A; Shimizu, T; Mukai, Y; Kuwajima, K; Miyamoto, T; Kataoka, Y	Phenotypic and molecular characterization of antimicrobial resistance in <i>Proteus mirabilis</i> isolates from dogs	2014		JOURNAL OF MEDICAL MICROBIOLOGY
A413	Leite-Martins, LR; Mahú, MIM; Costa, AL; Mendes, A; Lopes, E; Mendonça, DMV; Niza-Ribeiro, JJR; de Matos, AJF; da Costa, PM	Prevalence of antimicrobial resistance in enteric <i>Escherichia coli</i> from domestic pets and assessment of associated risk markers using a generalized linear mixed model	2014	Antimicrobial resistance; Escherichia coli; Prevalence; markers Pets; coli; Risk	PREVENTIVE VETERINARY MEDICINE
A414	Siqueira, EGM; Rahal, SC; Ribeiro, MG; Paes, AC; Listoni, FP; Vassalo, FG	Exogenous bacterial osteomyelitis in 52 dogs: a retrospective study of etiology and in vitro antimicrobial susceptibility profile (2000-2013)	2014	osteomyelitis; antimicrobial sensitivity; etiology; dog canine;	VETERINARY QUARTERLY
A415	Kataoka, Y; Umino, Y; Ochi, H; Harada, K; Sawada, T	Antimicrobial Susceptibility of Enterococcal Species Isolated from Antibiotic-Treated Dogs and Cats	2014	antimicrobial susceptibility; companion animal; enterococci; multidrug resistance	JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE

A416	Windahl, U; Holst, BS; Nyman, A; Grönlund, U; Bengtsson, B	Characterisation of bacterial growth and antimicrobial susceptibility patterns in canine urinary tract infections	2014	Urinary tract; Bacterial infection; Dog; Antimicrobial	BMC VETERINARY RESEARCH
A417	Albrechtova, K; Kubelova, M; Mazancova, J; Dolejska, M; Literak, I; Cizek, A	High Prevalence and Variability of CTX-M-15-Producing and Fluoroquinolone-Resistant Escherichia coli Observed in Stray Dogs in Rural Angola	2014		MICROBIAL DRUG RESISTANCE
A418	Couto, N; Belas, A; Couto, I; Perreten, V; Pomba, C	Genetic Relatedness, Antimicrobial and Biocide Susceptibility Comparative Analysis of Methicillin-Resistant and -Susceptible Staphylococcus pseudintermedius from Portugal	2014		MICROBIAL DRUG RESISTANCE
A419	Khazandi, M; Bird, PS; Owens, J; Wilson, G; Meyer, JN; Trott, DJ	In vitro efficacy of cefovecin against anaerobic bacteria isolated from subgingival plaque of dogs and cats with periodontal disease	2014	Cefovecin; Antimicrobial susceptibility; Periodontal disease; Porphyromonas; Solobacterium	ANAEROBE
A420	Silva, JO; Reis, ACM; Quesada-Gómez, C; Pinheiro, AQ; Freire, RS;	In vitro effect of antibiotics on biofilm formation by Bacteroides fragilis group strains isolated from intestinal	2014	Bacteroides fragilis; Biofilm; Antimicrobials resistance; Intestinal microbiota	ANAEROBE

	Oriá, RB; De Carvalho, CBM	microbiota of dogs and their antimicrobial susceptibility			
A421	Davis, JA; Jackson, CR; Fedorka-Cray, PJ; Barrett, JB; Brousse, JH; Gustafson, J; Kucher, M	Carriage of methicillin-resistant staphylococci by healthy companion animals in the US	2014	antimicrobial resistance; cats; dogs; Staphylococcus; veterinary	LETTERS IN APPLIED MICROBIOLOGY
A422	Sato, T; Yokota, S; Ichihashi, R; Miyauchi, T; Okubo, T; Usui, M; Fujii, N; Tamura, Y	Isolation of Escherichia coli Strains with AcrAB-TolC Efflux Pump-Associated Intermediate Interpretation or Resistance to Fluoroquinolone, Chloramphenicol and Aminopenicillin from Dogs Admitted to a University Veterinary Hospital	2014	AcrAB; antimicrobial resistance; canine; efflux pump; Escherichia coli	JOURNAL OF VETERINARY MEDICAL SCIENCE
A423	Osugui, L; de Castro, AFP; Iovine, R; Irino, K; Carvalho, VM	Virulence genotypes, antibiotic resistance and the phylogenetic background of extraintestinal pathogenic Escherichia coli isolated from urinary tract infections of dogs and cats in Brazil	2014	Extraintestinal pathogenic Escherichia coli; (ExPEC); Urinary tract infections (UTI); Dogs; Cats; Virulence factors; Phylogenetic groups; Antibiotic resistance	VETERINARY MICROBIOLOGY

A424	Bortolaia, V; Hansen, KH; Nielsen, CA; Fritsche, TR; Guardabassi, L	High diversity of plasmids harbouring bla _{CMY-2} among clinical <i>Escherichia coli</i> isolates from humans and companion animals in the upper Midwestern USA	2014	AmpC; antimicrobial resistance; dogs; cats	JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY
A425	Ewers, C; Bethe, A; Stamm, I; Grobbel, M; Kopp, PA; Guerra, B; Stubbe, M; Doi, Y; Zong, ZY; Kola, A; Schaufler, K; Semmler, T; Fruth, A; Wieler, LH; Guenther, S	CTX-M-15-D-ST648 <i>Escherichia coli</i> from companion animals and horses: another pandemic clone combining multiresistance and extraintestinal virulence?	2014	ESBLs; antimicrobial resistance; MLST	JOURNAL OF ANTIMICROBIAL CHEMOTHERAPY
A426	Alp, E; Elmali, F; Ersoy, S; Kucuk, C; Doganay, M	Incidence and risk factors of surgical site infection in general surgery in a developing country	2014	Surgery; Antimicrobial prophylaxis; Duration; Multidrug resistant; Infection; <i>Acinetobacter</i> spp	SURGERY TODAY
A427	Chung, YS; Kwon, KH; Shin, S; Kim, JH; Park, YH; Yoon, JW	Characterization of Veterinary Hospital-Associated Isolates of <i>Enterococcus</i> Species in Korea	2014	Antibiotic resistance; enterococci; veterinary hospitals	JOURNAL OF MICROBIOLOGY AND BIOTECHNOLOGY

A428	Kroemer, S; El Garch, F; Galland, D; Petit, JL; Woehrle, F; Boulouis, HJ	Antibiotic susceptibility of bacteria isolated from infections in cats and dogs throughout Europe (2002-2009)	2014	Antimicrobial susceptibility; Fluoroquinolone; Marbofloxacin; Cats; Dogs; Survey; Otitis; Dermatological infection; Respiratory; Urinary	COMPARATIVE IMMUNOLOGY AND MICROBIOLOGY AND INFECTIOUS DISEASES
A429	Okubo, T; Sato, T; Yokota, S; Usui, M; Tamura, Y	Comparison of broad-spectrum cephalosporin-resistant <i>Escherichia coli</i> isolated from dogs and humans in Hokkaido, Japan	2014	<i>Escherichia coli</i> ; Antimicrobial; beta-lactamase; Dog	JOURNAL OF INFECTION AND CHEMOTHERAPY
A430	Philbey, AW; Mather, HA; Gibbons, JF; Thompson, H; Taylor, DJ; Coia, JE	Serovars, bacteriophage types and antimicrobial sensitivities associated with salmonellosis in dogs in the UK (1954-2012)	2014		VETERINARY RECORD
A431	Amar, C; Kittl, S; Spreng, D; Thomann, A; Korczak, BM; Burnens, AP; Kuhnert, P	Genotypes and antibiotic resistance of canine <i>Campylobacter jejuni</i> isolates	2014	Dog; Zoonosis; Prevalence; Multi locus sequence typing; <i>Campylobacter</i>	VETERINARY MICROBIOLOGY
A432	Lehner, G; Linek, M; Bond, R; Lloyd, DH; Prenger-Berninghoff, E;	Case-control risk factor study of methicillin-resistant <i>Staphylococcus</i>	2014	Pyoderma; Otitis; Veterinary; MRSP; Antimicrobial	VETERINARY MICROBIOLOGY

	Thom, N; Straube, I; Verheyen, K; Loeffler, A	pseudintermedius (MRSP) infection in dogs and cats in Germany		resistance; Infection control	
A433	Chah, KF; Gómez-Sanz, E; Nwanta, JA; Asadu, B; Agbo, IC; Lozano, C; Zarazaga, M; Torres, C	Methicillin-resistant coagulase-negative staphylococci from healthy dogs in Nsukka, Nigeria	2014	methicillin-resistant; S. sciuri; resistant genes; dogs	BRAZILIAN JOURNAL OF MICROBIOLOGY
A434	Maluping, RP; Paul, NC; Moodley, A	Antimicrobial susceptibility of methicillin-resistant Staphylococcus pseudintermedius isolated from veterinary clinical cases in the UK	2014	Dogs; Drug resistance, microbial; SCCmec type	BRITISH JOURNAL OF BIOMEDICAL SCIENCE
A435	Ojo, OE; Bello, AO; Amosun, EA; Ajadi, RA	Multidrug resistant verocytotoxin-producing Escherichia coli O157:H7 in the faeces of diarrhoeic and non-diarrhoeic dogs in Abeokuta, Nigeria	2014	dogs; E. coli O157:H7; faeces; multi-drug resistance; verocytotoxin	VETERINARSKI ARHIV
A436	Tramuta, C; Robino, P; Nucera, D; Salvarani, S; Banche, G; Malabaila, A; Nebbia, P	Molecular characterization and antimicrobial resistance of faecal and urinary Escherichia coli isolated from dogs and humans in Italy	2014	Antibiotic resistance; Dog; Escherichia coli; Human; Phylogenetic; Virulence factors	VETERINARIA ITALIANA

Termo de Autorização para Publicação de Teses e Dissertações

Na qualidade de titular dos direitos de autor da publicação, autorizo a Universidade da Região de Joinville (UNIVILLE) a disponibilizar em ambiente digital institucional, Biblioteca Digital de Teses e Dissertações (BDTD/IBICT) e/ou outras bases de dados científicas, sem ressarcimento dos direitos autorais, de acordo com a Lei nº 9610/98, o texto integral da obra abaixo citada, para fins de leitura, impressão e/ou download, a título de divulgação da produção científica brasileira, a partir desta data 21/03/2025.

1. Identificação do material bibliográfico: () Tese (X) Dissertação () Trabalho de Conclusão

2. Identificação da Tese ou Dissertação:

Autor: Daiane Dalmarco

Orientador: Andréa Lima dos Santos Schneider

Coorientador: Paulo Henrique Condeixa de França

Data de Defesa: 27/02/2025

Título: RESISTÊNCIA ANTIMICROBIANA EM ISOLADOS DE ANIMAIS DE COMPANHIA: UMA ABORDAGEM CIENCIOMÉTRICA

Instituição de Defesa: Universidade da Região de Joinville (UNIVILLE)

3. Informação de acesso ao documento:

Pode ser liberado para publicação integral (X) Sim () Não

Havendo concordância com a publicação eletrônica, torna-se imprescindível o envio do(s) arquivo(s) em formato digital PDF da tese, dissertação ou relatório técnico.


Assinatura do autor

Joinville, 21 de março de 2025
Local/Data